

(12)特許協力条約に基づいて公開された国際出願

(19) 世界知的所有権機関  
国際事務局



(43) 国際公開日  
2004年5月13日 (13.05.2004)

PCT

(10) 国際公開番号  
WO 2004/040302 A1

(51) 国際特許分類<sup>7</sup>: G01N 33/50, 33/15, 33/566, A61K 67/027, 31/44, 45/00, 38/17, 48/00, A61P 29/00, 35/00, 37/02, 37/06, C07K 16/18, C12N 15/00

[JP/JP]; 〒550-0002 大阪府 大阪市 西区江戸堀 1 丁目 3 番 15 号 Osaka (JP).

(21) 国際出願番号: PCT/JP2003/013937

(72) 発明者; および

(22) 国際出願日: 2003年10月30日 (30.10.2003)

(75) 発明者/出願人(米国についてのみ): 木梨 達雄 (KINASHI,Tatsuo) [JP/JP]; 〒634-0073 奈良県 檜原市 繩手町 189 番地の 3 Nara (JP). 四釜 洋 (SHIKAMA,Hiroschi) [JP/JP]; 〒525-0025 滋賀県 草津市 西渋川二丁目 3 番 1 号 石原産業株式会社 中央研究所内 Shiga (JP).

(25) 国際出願の言語: 日本語

(74) 代理人: 水野 昭宣 (MIZUNO,Akinobu); 〒150-0044 東京都 渋谷区 円山町 22 番 12 ライオンズマンション 渋谷道玄坂 303 Tokyo (JP).

(26) 国際公開の言語: 日本語

(81) 指定国(国内): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK,

(30) 優先権データ:  
特願 2002-316892  
2002年10月30日 (30.10.2002) JP

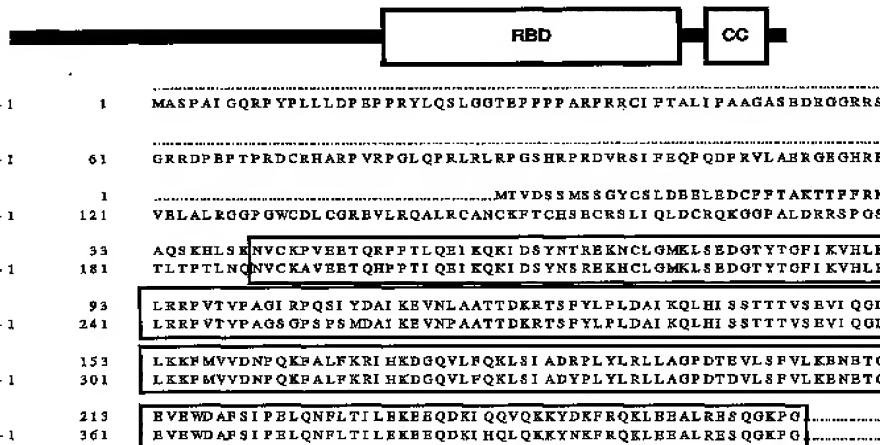
(統葉有)

(71) 出願人(米国を除く全ての指定国について): 石原  
産業株式会社 (ISHIHARA SANGYO KAISHA, LTD.)

(54) Title: REGULATION OF INTERACTION BETWEEN RAPL AND Rap1

(54) 発明の名称: R A P L • R a p 1 相互作用制御

Identification of Rap1-binding protein, p30



(57) Abstract: It is considered that the disruption of the function of Rap1 as an integrin adhesion regulatory molecule would closely relate to the pathological conditions of immune diseases such as inflammation, allergy, autoimmune disease, cancer immunity and transplantation immunity. Thus, it is expected that the clarification of the integrin adhesion regulatory mechanism by Rap1 contributes to the understanding of the pathological conditions of these immune diseases and the development of therapies therefor. p30 is identified as a molecule relating to the integrin adhesion regulation by Rap1. It is found out that p30 binds to Rap1 and thus controls its function. Use of this finding makes it possible to develop an inhibitor of the binding of p30 to Rap1, develop remedies for inflammation, allergy, autoimmune disease, cancer immunity, transplantation immunity, etc. and, in its turn, clarify the regulatory mechanism.

(57) 要約: インテグリン接着制御分子としてのRap1の機能破綻は免疫病である炎症、アレルギー、自己免疫疾患、癌免疫、移植免疫等の病態と密接に関連していると考えられるが、Rap1によるインテグリン接着制御のメカニズムを解明することはこれらの免疫病の病態理解や治療法を開発することに

(統葉有)

WO 2004/040302 A1



DM, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU, ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS, LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NL, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RU, SC, SD, SE, SG, SK, SL, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.

- (84) 指定国(広域): ARIPO 特許 (BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SL, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア特許 (AM, AZ, BY, KG, KZ, MD, RU, TJ, TM), ヨーロッパ特許 (AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI,

FR, GB, GR, HU, IE, IT, LU, MC, NL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OAPI 特許 (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

添付公開書類:  
— 國際調査報告書

2 文字コード及び他の略語については、定期発行される各PCTガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語のガイダンスノート」を参照。

つながる。Rap1によるインテグリン接着性制御に関する分子として、p30が同定されてきているが、該p30はRap1と結合して、その機能を制御していることが見出された。この知見を利用することにより、p30とRap1との結合阻害剤などが開発でき、炎症、アレルギー、自己免疫疾患、癌免疫、移植免疫等の治療薬の開発、さらには制御機構の解明が可能となる。

## 明細書

### R A P L・R a p 1相互作用制御

#### 技術分野

本発明は、p30（即ち、RAPL）と相互作用することにより誘導される生物活性を制御することに関する。本発明は、Rap1とp30との結合を制御、例えば阻害あるいは促進する技術並びにその利用技術に関する。

#### 背景技術

低分子量G蛋白質Rap1は従来H-Rasのアンタゴニストとしての機能が報告されていたが、最近、接着分子インテグリンの細胞内制御分子であることが明らかになった。免疫系においてはRap1は免疫細胞で発現しているLFA-1などのb2インテグリンの接着性を正に調節し、白血球と血管内皮細胞との接着や組織での遊走や局在、及び抗原提示細胞との接着に重要な影響を与えている。このようなインテグリン接着制御分子としてのRap1の機能破綻は免疫病である炎症、アレルギー、自己免疫疾患、癌免疫、移植免疫等の病態と密接に関連してくると予想される。

また、Rap1によるインテグリン接着性制御に関与する分子として、p30を同定したとの報告もある（非特許文献1）。

#### **【非特許文献1】**

第31回日本免疫学会学術集会（開催日時 2001年12月11日（火）～13日（木））、大阪国際会議場）及び同予稿集（2001年10月31日発行）

#### 発明の開示

Rap1によるインテグリン接着制御のメカニズムを解明することはこれらの免疫病の病態理解や治療法を開発することにつながる。

本発明者らは、鋭意検討の結果、p30（即ち、RAPL）がRap1エフェクター分子として機能し、LAF-1による接着、遊走を正に制御する分子であることを明らかにすることに成功した。この知見に基づき、さらなる研究の結果、本発明に至った。以下の記載においてp30とはRAPLのことを指す。

本発明は、

[1] (1) (a) 配列番号:2で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有する活性型のポリペプチド、その部分ペプチドまたはその塩、及び、配列番号:2で表されるアミノ酸配列の12番目のグリシンがバリンであるアミノ酸配列もしくは該点変異したアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有する活性型のポリペプチドからなる群から選択される一つのポリペプチド、(b)配列番号:4で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドもしくはその部分ペプチドまたはその塩からなる群から選択される一つのポリペプチド、及び(c)試験試料とを接触させる工程、

(2) 前記(a)群から選択される一つのポリペプチドと前記(b)群から選択される一つのポリペプチドとの相互作用及び／または結合の形成を検出する工程を含む、Rap1とp30との相互作用及び／または結合を促進あるいは阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法；

[2] (1) (a) 群から選択される一つのポリペプチド、(b)群から選択される一つのポリペプチド及び試験試料とを接触させる工程、

(2) (a)群から選択される一つのポリペプチドと(b)群から選択される一つのポリペプチドとの相互作用及び／または結合の形成を検出する工程、

(3) これらのポリペプチドの相互作用及び／または結合を促進あるいは阻害する化合物を選択する工程

を含む上記〔1〕に記載のスクリーニング方法；

[3] (a)群から選択される一つのポリペプチド及び／または(b)群から選択される一つのポリペプチドが、他のペプチドと融合している上記〔1〕または〔2〕に記載のスクリーニング方法；

[4] (a)群から選択される一つのポリペプチド及び／または(b)群から

選択される一つのポリペプチドが標識され、該標識を検出または測定することにより該ポリペプチドの結合の形成及び／または相互作用を検出する上記〔1〕～〔3〕のいずれか一に記載のスクリーニング方法；

〔5〕 (a)群から選択される一つのポリペプチドに結合した(b)群から選択される一つのポリペプチドを該(b)群のポリペプチドに対する一次抗体または該(b)のポリペプチドと融合した他のペプチドに対する一次抗体を用いて検出または測定することにより、これらのポリペプチドの相互作用及び／または結合の形成を検出する上記〔1〕～〔3〕のいずれか一に記載のスクリーニング方法；

〔6〕 (b)群から選択される一つのポリペプチドに結合した(a)群から選択される一つのポリペプチドを該(a)群のポリペプチドに対する一次抗体または該(a)のポリペプチドと融合した他のペプチドに対する一次抗体を用いて検出または測定することにより、これらのポリペプチドの結合の形成及び／または相互作用を検出する上記〔1〕～〔3〕のいずれか一に記載のスクリーニング方法；

〔7〕 (a)群から選択される一つのポリペプチドに結合した(b)群から選択される一つのポリペプチドを該(b)群のポリペプチドに対する一次抗体または該(b)のポリペプチドと融合した他のペプチドに対する一次抗体及び該一次抗体に対する二次抗体を用いて検出または測定することにより、これらのポリペプチドの結合の形成及び／または相互作用を検出する上記〔1〕～〔3〕のいずれか一に記載のスクリーニング方法；

〔8〕 (a)群のポリペプチドが、配列番号:2で表されるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にグルタチオン-S-トランスフェラーゼを融合させたポリペプチドもしくは配列番号:2で表されるアミノ酸配列の12番目のグリシンがセバリンであるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にグルタチオン-S-トランスフェラーゼを融合させたポリペプチドの活性型ポリペプチドまたはその塩のいずれかであり、(b)群のポリペプチドが、配列番号:4で表されるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にMycエピトープを融合させたポリペプチドまたはその塩である上記〔1〕～〔3〕のいずれか一に記載のスクリーニング方法；

〔9〕 (a) 配列番号:2で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同

ーのアミノ酸配列を含有するポリペプチド、その部分ペプチドまたはその塩、及び、配列番号:2で表されるアミノ酸配列の12番目のグリシンがシバリンであるアミノ酸配列もしくは該点変異したアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドからなる群から選択される一つのポリペプチドと(b) 配列番号:4で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドもしくはその部分ペプチドまたはその塩からなる群から選択される一つのポリペプチドとを含有してなる、Rap1とp30との相互作用及び／または結合を促進あるいは阻害する化合物またはその塩のスクリーニング用キット；

[10] (a)群から選択される一つのポリペプチド及び／または(b)群から選択される一つのポリペプチドが、他のペプチドと融合している上記〔9〕に記載のスクリーニング用キット；

[11] (a)群から選択される一つのポリペプチド及び／または(b)群から選択される一つのポリペプチドが標識されている上記〔9〕に記載のスクリーニング用キット；

[12] (a)群のポリペプチドが、配列番号:2で表されるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にグルタチオン-S-トランスフェラーゼを融合させたポリペプチドもしくは配列番号:2で表されるアミノ酸配列の12番目のグリシンがシバリンであるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にグルタチオン-S-トランスフェラーゼを融合させたポリペプチドまたはその塩のいずれかであり、(b)群のポリペプチドが、配列番号:4で表されるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にMycエピトープを融合させたポリペプチドまたはその塩である上記〔9〕に記載のスクリーニング用キット；

[13] 上記〔1〕に記載のスクリーニング方法または上記〔9〕に記載のスクリーニング用キットを用いて得られるRap1とp30との相互作用及び／または結合を促進あるいは阻害する化合物またはその塩；

[14] Rap1とp30との相互作用及び／または結合を阻害する上記〔13〕に記載の化合物またはその塩；

[15] 上記〔13〕に記載の化合物またはその塩を含有してなる医薬組成物

；  
〔16〕 上記〔14〕に記載の化合物またはその塩を含有してなる医薬組成物

；  
〔17〕 治療または予防の対象が、

- (a) 炎症疾患
- (b) 免疫疾患
- (c) 臓器移植時の拒絶反応、及び
- (d) 癌

からなる群から選択されるものである上記〔15〕または〔16〕に記載の医薬組成物；

〔18〕 配列番号:4で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドを認識するモノクローナル抗体；

〔19〕 上記〔18〕に記載のモノクローナル抗体を用いることを特徴とする診断方法；

〔20〕 上記〔18〕に記載のモノクローナル抗体を含有する診断用キット；

〔21〕 配列番号:4で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドに対して細胞内で優性抑制型に機能するポリペプチドまたはその塩；

〔22〕 上記〔21〕に記載のポリペプチドまたはその塩を含有する、

- (a) 炎症疾患
- (b) 免疫疾患
- (c) 臓器移植時の拒絶反応、及び
- (d) 癌

からなる群から選択されるものを治療または予防するための組成物；

〔23〕 上記〔21〕に記載のポリペプチドをコードするポリヌクレオチド；

〔24〕 上記〔23〕に記載のポリヌクレオチドを含有する、

- (a) 炎症疾患
- (b) 免疫疾患
- (c) 臓器移植時の拒絶反応、及び

## (d) 瘤

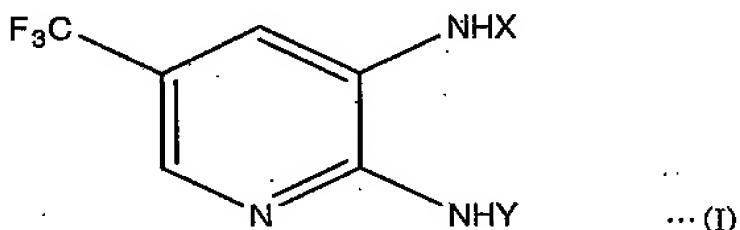
からなる群から選ばれたのものを治療または予防するための組成物；

[25] 配列番号:10 で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドの発現が調節されたトランスジェニック動物；

[26] 配列番号:10 で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドの発現が過剰となる上記 [25] に記載のトランスジェニック動物；

[27] トランスジェニック動物がマウスである上記 [25] または [26] に記載のトランスジェニック動物；

[28] 式 (I)



[式中、Xが $-CW^1R^1$ 基又は $-C(=W^1)W^2R^2$ 基であり、 $R^1$ がアルキル基、ハロアルキル基、アルコキシカルボニルアルキル基、アルケニル基、ハロアルケニル基、チエニル基で置換されたアルケニル基、シクロアルキル基、ハロゲン原子で置換されたシクロアルキル基、フェニル基、ハロゲン原子で置換されたフェニル基、アルキル基若しくはハロアルキル基で置換されたフェニル基、アルコキシ基若しくはハロアルコキシ基で置換されたフェニル基、テトラヒドロナフチル基、インダニル基、フラニル基又はチエニル基であり、 $R^2$ がアルキル基又はハロアルキル基であり、 $W^1$ 及び $W^2$ はそれぞれ独立して、酸素原子又は硫黄原子であり、Yが $-SO_2R^9$ 基であり、 $R^9$ がアルキル基、ハロアルキル基、フェニル基、ハロゲン原子で置換されたフェニル基、アルキル基若しくはハロアルキル基で置換されたフェニル基又はアルコキシ基若しくはハロアルコキシ

基で置換されたフェニル基である] で表される化合物又はその塩を有効成分とすることを特徴とするRap1とp30 の結合阻害剤；

[29] 上記 [28] において、Xがアルコキシカルボニルアルキルカルボニル基、アルケニルカルボニル基、チエニル基で置換されたアルケニルカルボニル基、シクロアルキルカルボニル基、インダニルカルボニル基、フランカルボニル基、チオフェンカルボニル基、テトラヒドロナフチルカルボニル基又はハロゲン原子若しくはハロアルキル基で置換されてもよいベンゾイル基であり、Yがアルキルスルホニル基であることを特徴とする上記 [28] 記載のRap1とp30 との結合阻害剤；

[30] 上記 [28] において、Xがシクロアルキルカルボニル基、フランカルボニル基又はハロゲンで置換されてもよいベンゾイル基であり、Yがアルキルスルホニル基であることを特徴とする上記 [28] 記載のRap1とp30 との結合阻害剤；

[31] 上記 [28] において化合物が、N- (2-エチルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル) シクロヘキサンカルボキサミド、N- (2-メチルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル)-4-フルオロベンズアミド、N- (2-イソプロピルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル)-3-フルオロベンズアミド、N- (2-メチルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル)-2-フランカルボキサミド又はN- (2-イソプロピルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル) シクロペンタンカルボキサミドから成る群から選ばれたものであることを特徴とする上記 [28] 記載のRap1とp30 との結合阻害剤；及び

[32] N- (2-エチルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル) シクロヘキサンカルボキサミドまたはその塩が有効成分であることを特徴とするRap1とp30 との結合阻害剤を提供する。

別の態様では、本発明は、

[33] p30 とRap1との相互作用を阻害する活性を有する化合物をスクリー

ニングする方法及び該スクリーニング試薬；

[34] p30 の発現により制御される生物活性を調節する活性を有する化合物をスクリーニングする方法及び該スクリーニング試薬；

- [35] p30 の発現により制御される生物活性が、  
(a) 微小管系の発達あるいは微小管系の発達誘導、  
(b) leading edge及び／又はuropodの形成誘導、  
(c) LFA-1 の接着活性の上昇、  
(d) ケモカイン刺激によるT cell の遊走活性の上昇、  
(e) 細胞接着の上昇、  
(f) 細胞遊走の誘起、  
(g) CXCR4 及び／又はCD44のredistributionの誘起、  
(h) TCR あるいはケモカインによる極性形成、  
(i) LFA-1 のleading edgeでのclustering、  
(j) LFA-1 の極性化、  
(k) 微小管系へのp30 の局在化、  
(l) leading edgeでのLFA-1 のclusteringとp30 の共局在化、  
(m) 抗原依存性のT cell-APC間のconjugate 形成による接着面へのLFA-1 及びp30 の共蓄積、  
(n) インテグリン依存性の遊走能促進、  
(o) T cellの極性形成、及び  
(p) T cellのSMAC形成

から成る群から選ばれたものであることを特徴とする上記 [34] 記載のスクリーニングする方法及び該スクリーニング試薬；

[36] p30 発現細胞あるいはそれから誘導されたp30 含有物の存在下であって、

- (i) Rap1 活性化剤存在下にスクリーニング対象物を接触せしめること、  
(ii) Rap1 活性化剤非存在下にスクリーニング対象物を接触せしめること  
、  
(iii) 上記(i) の試験結果と上記(ii)の試験結果とを比較することを特徴

とする上記 [33] 又は [34] 記載のスクリーニング方法；

[37] p30 と共にRap1が共発現しているものであることを特徴とする上記

[36] 記載のスクリーニング方法；

[38] 活性型Rap1の存在下にスクリーニングを行うことを特徴とする上記

[36] 又は [37] 記載のスクリーニング方法；

[39] p30 とRap1との相互作用を阻害する活性を有する化合物を有効成分として含有することを特徴とする医薬；

[40] (a) 微小管系の発達あるいは微小管系の発達誘導、

(b) leading edge及び／又はuropodの形成誘導、

(c) LFA-1 の接着活性の上昇、

(d) ケモカイン刺激によるT cell の遊走活性の上昇、

(e) 細胞接着の上昇、

(f) 細胞遊走の誘起、

(g) CXCR4 及び／又はCD44のredistributionの誘起、

(h) TCR あるいはケモカインによる極性形成、

(i) LFA-1 のleading edgeでのclustering、

(j) LFA-1 の極性化、

(k) 微小管系へのp30 の局在化、

(l) leading edgeでのLFA-1 のclusteringとp30 の共局在化、

(m) 抗原依存性のT cell-APC間のconjugate 形成による接着面へのLFA-1 及びp30 の共蓄積、

(n) インテグリン依存性の遊走能促進、

(o) T cellの極性形成、及び

(p) T cellのSMAC形成

から成る群から選ばれた生物活性を阻害する活性を有する化合物を有効成分として含有することを特徴とする上記 [39] 記載の医薬；

[41] p30 の生物活性を制御することを特徴とするp30 制御剤；

[42] p30 のRap1との相互作用を介した活性を制御することを特徴とする上記 [41] 記載のp30 制御剤；

- [43] 上記 [41] 又は [42] 記載のp30 制御剤を有効成分として含有することを特徴とする医薬；
- [44] p30 の生物活性を阻害することを特徴とするp30 阻害剤；
- [45] p30 のRap1との相互作用を介した活性を阻害することを特徴とする上記 [44] 記載のp30 阻害剤；
- [46] 上記 [44] 又は [45] 記載のp30 阻害剤を有効成分として含有することを特徴とする医薬；
- [47] p30 の生物活性を促進することを特徴とするp30 活性化剤；
- [48] p30 のRap1との相互作用を介した活性を促進することを特徴とする上記 [47] 記載のp30 活性化剤；
- [49] 上記 [47] 又は [48] 記載のp30 活性化剤を有効成分として含有することを特徴とする医薬；
- [50] p30 を使用することを特徴とするスクリーニング方法及び該スクリーニング試薬；及び
- [51] 医薬品のスクリーニングを行うことを特徴とする上記 [50] 記載のスクリーニング方法及び該スクリーニング試薬を提供する。

#### 発明の効果

本発明で、p30-Rap1間の相互作用により細胞の活性化及び情報伝達制御がなされていることを見出すことができ、該知見を利用する技術が開発でき、本技術を利用して、p30-Rap1間の結合を阻害する化合物などのp30-Rap1間の相互作用制御物質をスクリーニングしたり、それに利用される試薬などが開発でき、さらに同定された阻害剤などのp30-Rap1結合制御剤を医薬として開発可能とするし、また、抗炎症薬、免疫抑制剤、移植免疫抑制剤、抗癌剤などが開発できる。さらに、改変p30 関連ペプチドや核酸、さらには抗p30 抗体など、例えば細胞内で優勢抑制型に機能するもの、p30-Rap1間結合阻害の働きをもつものなどを提供し、利用することが可能である。本発明の技術・知識を利用して生体機能解析のための試薬、アッセイ法なども開発できる。

本発明のその他の目的、特徴、優秀性及びその有する観点は、以下の記載より当業者にとっては明白であろう。しかしながら、以下の記載及び具体的な実施例等の記載を含めた本件明細書の記載は本発明の好ましい態様を示すものであり、説明のためにのみ示されているものであることを理解されたい。本明細書に開示した本発明の意図及び範囲内で、種々の変化及び／又は改変（あるいは修飾）をなすことは、以下の記載及び本明細書のその他の部分からの知識により、当業者には容易に明らかであろう。本明細書で引用されている全ての特許文献及び参考文献は、説明の目的で引用されているもので、それらは本明細書の一部としてその内容はここに含めて解釈されるべきものである。

#### 図面の簡単な説明

図1は、p30のアミノ酸配列及びその遺伝子構造を示す。同時にNorelのアミノ酸配列も示す。

図2は、p30とRap1の会合についての解析結果を示す。ECL 化学発光法で化学発光用フィルムを感光させた写真である。

図3は、(A) RT-PCR法によるp30 の組織発現分布の結果を示す電気泳動写真である。(B) 各種細胞につき抗p30 特異抗体を用いたウエスタンプロットの結果を示す電気泳動写真である。

図4は、野生型のp30 あるいは p30のRBD ドメインの変異体とRap1とと共に発現させた場合の細胞遊走に及ぼす影響を調べた結果を示す。右側は、ウエスタンプロットの結果を示す電気泳動写真である。

図5は、ケモカインによる細胞遊走に与えるp30の効果を示す。

図6は、(A) p30によるLFA-1接着制御効果を示す。(B) 変異体p30によるLFA-1接着制御効果を示す。p30に結合活性を残すE37Gでのみ、LFA-1のICAM-1への接着の上昇が認められた。(C) deltaNp30は発現量依存性に、TCR刺激によるLFA-1のICAM-1への接着を抑制する結果を示す。下の図は、deltaNp30の発現を示す電気泳動写真である。

図7は、化合物1のRap1とp30 との結合に及ぼす作用について試験した結果をしめす。

図8は、p30による微小管の発達の様子を共焦点レーザー顕微鏡で観察した結果を示す顕微鏡写真である。

図9は、T細胞と抗原提示細胞との接着におけるp30とLFA-1の局在共焦点レーザー顕微鏡で観察した結果を示す顕微鏡写真である。

#### 発明を実施するための最良の形態

本発明において、配列番号:4で表されるポリペプチドp30と、配列番号:2で表されるポリペプチドRap1、特には、活性型のRap1との相互作用及び／又は結合により、例えばRap1の下流で細胞接着などの生物活性発現に重要な関与が認められたので、こうした現象を利用した技術が提供される。p30が関与する前記生物活性としては、微小管系の発達あるいは微小管系の発達誘導、リーディング エッジ (leading edge) 及び／又はウロポッド (uropod) の形成誘導、LFA-1の接着活性の上昇、ケモカイン刺激によるT cellの遊走活性の上昇、細胞接着の上昇、細胞遊走の誘起、CXCR 4及び／又はCD44のリディストリビューション (redistribution) の誘起、抗体によるT cellレセプター (TCR) 複合体のクロスリンク (cross-linking) あるいはケモカイン等の刺激による細胞の極性形成、LFA-1のリーディング エッジでのクラスタリング (clustering) 、LFA-1の極性化、微小管系へp30の局在化、リーディング エッジでのLFA-1のクラスタリングとp30共局在化、抗原依存性のT cell-APC(antigen-presenting cell) 間のコンジュゲート (conjugate) 形成による接着面へのLFA-1及びp30の共蓄積、インテグリン依存性の遊走能促進、T cellの極性形成、T cellのSMA形成などが挙げられる。それゆえ、前記p30はRAPL (regulator for cell adhesion and polarization enriched in lymphoid tissues)と命名された (Koko Katagiriら、Nature Immunology、2003年8月4日(8): 741-748)。本発明において、p30とRAPLは同一のポリペプチドであり、配列番号: 4で表されるアミノ酸配列を有する。以下の記載においてp30とはRAPLのことを指す。

前述のp30が関与する生物活性のいずれかを検出又は測定することによってもp30と活性型Rap1との相互作用を検出または測定することが可能である。該技術を利用すれば、p30と活性型Rap1との相互作用及び／又は結合の阻害剤あるいは

促進剤をスクリーニングでき、同定された該阻害剤あるいは促進剤を利用して医薬品開発も可能である。また本技術に従えば、p30と活性型Rap1との結合を調節したり、それらの相互作用を制御することも可能となり、該結合の調節や該制御に関与する化合物などをスクリーニングでき、様々な生理現象・生物活性現象を研究可能となり、それに関与する医薬品開発が可能である。

該技術により、本発明では、配列番号：2で表されるポリペプチドRap1の活性型ポリペプチドと配列番号：4で表されるポリペプチドp30との相互作用及び／又は結合を阻害あるいは促進する化合物をスクリーニングする方法が提供される。該スクリーニング方法は、(a)配列番号：2で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有する活性型のポリペプチド、その部分ペプチドまたはその塩、配列番号：2で表されるアミノ酸配列の12番目のグリシンかレバリンであるアミノ酸配列もしくは該点変異したアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有する活性型のポリペプチドからなる群から選択される一つのポリペプチドもしくはその部分ペプチドまたはその塩からなる群から選択される一つのポリペプチドと(b)配列番号：4で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドもしくはその部分ペプチドまたはその塩からなる群から選択される一つのポリペプチドとの存在下、スクリーニングの試験試料を共存させることによりなされる。典型的には、前記(a)群のポリペプチドまたは前記(b)群のポリペプチドとしては遺伝子組換え技術でリコンビナント蛋白質として得られたものを使用するが、これらのポリペプチドを共発現している細胞あるいはその抽出物を用いることも可能である。

本発明において前記(a)群の活性型のポリペプチドとはp30と結合することができるポリペプチドのことを指す。このような活性型の(a)群のポリペプチドは、細胞外に取り出されたポリペプチド等である場合は、緩衝液中でGTPまたはGTP $\gamma$ S、GppN<sub>n</sub>pなどのGTPアナログを用いて4～37℃で10分から1時間処理することにより活性型にすることができる。GTP $\gamma$ S、GppN<sub>n</sub>pなどのGTPアナログによる活性化が好ましく、GTP $\gamma$ Sによる活性化がより好ましい。また、(a)群のポリペプチドが細胞内で発現している場合は、該細胞を抗体によるT cellレセプター (TCR) 複合体のクロスリンク (cross-linking) やケモカインに

より刺激することにより該ポリペプチドを活性型にすることが可能である。抗体によるTCR複合体のクロスリンクによる刺激としては、例えば抗CD3モノクローナル抗体による処理が挙げられ、抗体2C11 (10 μg/mlの濃度) の存在下で37 °Cで10分間～1時間、細胞をインキュベートすることにより該ポリペプチドを活性型にことができる。ケモカインによる刺激としては、SLC (secondary lymphoid tissue chemokine) 、CCL21 (chemokine cc motif ligand 21) 、SDF-1(stromal cell-derived factor-1)などによる処理があげられ、これらの物質 (100 nM) の存在下で37 °Cで10分間～1時間、細胞をインキュベート処理することにより該ポリペプチドを活性型にことができる。

該スクリーニング方法においては、様々な手法で試験試料に対してスクリーニングを行うことができるが、例えば(1)(a) 配列番号:2で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有する活性型のポリペプチドもしくはその部分ペプチドまたはその塩、配列番号:2で表されるアミノ酸配列の12番目のグリシンがシバリンであるアミノ酸配列もしくは該点変異したアミノ酸酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有する活性型のポリペプチドからなる群から選択される一つのポリペプチド、(b)配列番号:4で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドもしくはその部分ペプチドまたはその塩からなる群から選択される一つのポリペプチド、及び試験試料とを接触させる工程、(2) 前記(a)群から選択される一つのポリペプチドと前記(b)群から選択される一つのポリペプチドとの相互作用及び／または結合の形成を検出する工程が含まれるものであってよい。本発明において、前記(a)群のポリペプチド、前記(b)群のポリペプチド及び試験試料を共存させる方法としては、3者を同時に接触させる方法、試験試料を予め(a)のポリペプチドまたは(b)のポリペプチドと接触させておく方法などが考えられる。これらのポリペプチドを共発現している細胞を用いる場合にも、それぞれのポリペプチドの発現時期の調節、試験試料と該細胞との接触時期の調節を行うことによりこれらの方針を選択することが可能である。

本発明において「実質的に同一のアミノ酸配列」とは、元となるアミノ酸配列と約70%以上、好ましくは約80%以上、さらに好ましくは90%以上、最も

好ましくは約95%以上の相同性を有するアミノ酸配列を指す。例えば、「配列番号：4で表されるアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列」の場合、元となるアミノ酸配列とは配列番号：4で表されるアミノ酸配列のことである。また「アミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチド」とは、前記の「実質的に同一のアミノ酸配列」を含有し、元となるアミノ酸配列を有するポリペプチドと実質的に同等なポリペプチドなどが好ましい。本発明において「実質的に同等」とは蛋白質の活性、例えば、結合活性、生理的な活性、生物学的な活性が実質的に同じであることを意味する。さらにまた、その用語の意味の中には、実質的に同質の活性を有する場合も包含していてよく、該実質的に同質の活性としては細胞の接着、細胞の移動、細胞の分極などの制御などを挙げることができる。該実質的に同質の活性とは、それらの活性が性質的に同質であることを示す。例えば、結合活性などの活性が、同等（例えば約0.001～約1000倍、好ましくは約0.01～約100倍、より好ましくは約0.1倍～約20倍、さらに好ましくは約0.5倍～約2倍）であることが好ましいが、これらの活性の程度、蛋白質の分子量など量的な要素は異なっていてもよい。

本発明の前記(a)群または前記(b)群のポリペプチドとしては、アミノ酸の置換、欠失、挿入、付加など、好ましい変化を有するものであってもよく、生理的な特性や化学的な特性に変化を生じたものであってもよい。該置換、欠失、挿入あるいは付加を施されたポリペプチドは、そうした置換、欠失、挿入あるいは付加のされていないものと実質的に同一であるとされるものであることもできる。該アミノ酸配列中のアミノ酸の実質的に同一な置換体としては、そのアミノ酸が属するところのクラスのうちの他のアミノ酸類から選ぶことができる。例えば、非極性（疎水性）アミノ酸としては、アラニン、フェニルアラニン、ロイシン、イソロイシン、バリン、プロリン、トリプトファン、メチオニンなどが挙げられ、極性（中性）アミノ酸としては、グリシン、セリン、スレオニン、システイン、チロシン、アスパラギン、グルタミンなどが挙げられ、陽電荷をもつアミノ酸（塩基性アミノ酸）としては、アルギニン、リジン、ヒスチジンなどが挙げられ、陰電荷をもつアミノ酸（酸性アミノ酸）としては、アスパラギン酸、グルタミン酸などが挙げられる。場合によっては、システインをセリンに、グリシンを

アラニンやロイシンに、あるいはロイシンをアラニン、イソロイシン、バリンなどに置き換えててもよい。本発明のポリペプチドは、化学的な手法でその含有されるアミノ酸残基を修飾することもできるし、ペプチダーゼ、例えばペプシン、キモトリプシン、パピイン、プロメライン、エンドペプチダーゼ、エキソペプチダーゼなどの酵素を用いて修飾したり、部分分解したりしてその誘導体などにすることができる。

対象ペプチドあるいはポリペプチド（又はタンパク質）は、1個以上のアミノ酸残基が同一性の点で天然のものと異なるもの、1個以上のアミノ酸残基の位置が天然のものと異なるものであってもよい。Rap1またはp30 タンパク質に特有なアミノ酸残基が1個以上（例えば、1～80個、好ましくは1～60個、さらに好ましくは1～40個、さらに好ましくは1～20個、特には1～10個など）欠けている欠失類縁体、特有のアミノ酸残基の1個以上（例えば、1～80個、好ましくは1～60個、さらに好ましくは1～40個、さらに好ましくは1～20個、特には1～10個など）が他のアミノ酸残基で置換されている置換類縁体、1個以上（例えば、1～80個、好ましくは1～60個、さらに好ましくは1～40個、さらに好ましくは1～20個、特には1～10個など）のアミノ酸残基が付加されている付加類縁体、及び1個以上（例えば、1～80個、好ましくは1～60個、さらに好ましくは1～40個、さらに好ましくは1～20個、特には1～10個など）のアミノ酸残基が挿入されている挿入類縁体も本発明のポリペプチドに含まれる。上記のようにアミノ酸配列が挿入、欠失または置換されている場合、その挿入、欠失または置換の位置としては、特に限定されない。

天然のタンパク質の特徴であるドメイン構造あるいは基質結合能が維持されていれば、上記変異体は、全て本発明に包含される。また天然のタンパク質と実質的に同等の一次構造コンフォメーションあるいはその一部を有しているものも含まれてよいと考えられ、さらに天然のものと実質的に同等の生物学的活性を有しているものも含まれてよいと考えられる。さらに天然に生ずる変異体の一つであることもできる。

本発明においては、Rap1とp30の相互作用としての生物活性ではなく、Rap1とp30との結合阻害に基づき試験試料をスクリーニングすることもできる。このような場合に使用される前記(a)群のポリペプチドとしては、野生型のp30に結合する活性を有してさえいれば特に制限はない。Rap1の生物学的活性を失っているものであってもよい。野生型p30に結合する活性を有してさえいれば、配列番号：2で表されるアミノ酸配列において、前記のようなアミノ酸残基の置換、欠失及び／又は付加により修飾されたアミノ酸配列を有するポリペプチドであってよい。また、このような場合に使用される(b)群のポリペプチドとしては、野生型のRap1に結合する活性を有してさえいれば特に制限はない。p30の生物学的活性を失っているものであってもよい。

試験試料としては、例えばタンパク質、ペプチド、非ペプチド性化合物、合成化合物、発酵生産物、植物抽出物、動物などの組織抽出物、細胞抽出物などが挙げられる。試験試料に使用される試験化合物の例には、好ましくは抗p30抗体、酵素阻害剤、サイトカイン、各種インヒビター活性を有する化合物、特には合成化合物などを含んでいてよい。これら化合物は、新規な化合物であってもよいし、公知の化合物であってもよい。代表的な化合物としては、例えば特開平6-263735号公報に開示の各種ジアミノトリフルオロメチルピリジン誘導体などが挙げられる。該スクリーニングは、通常の結合活性あるいは生物活性の測定法に準じて実施することができる。

#### [スクリーニング方法]

本発明のスクリーニング方法の一つの態様は、前記(a)群のいずれかの活性型のポリペプチド、前記(b)群のいずれかのポリペプチド及び試験試料を接触させ、次いでp30が関与する生物活性を検出又は測定することで両群のポリペプチドの相互作用を検出し、該相互作用を促進あるいは阻害する化合物を選択することにより実施される。精製された化合物等をスクリーニングする場合は、選択の工程は省略されても良い。

p30が関与する前記生物活性としては、微小管系の発達あるいは微小管系の発

達誘導、リーディング エッジ (leading edge) 及び／又はウロポッド (uropod) の形成誘導、LFA-1 の接着活性の上昇、ケモカイン刺激によるT cellの遊走活性の上昇、細胞接着の上昇、細胞遊走の誘起、CXCR 4 及び／又はCD44のリディス tribution (redistribution) の誘起、抗体によるT cellレセプター (TCR) 複合体のクロスリンク (cross-linking) あるいはケモカイン等の刺激による細胞の極性形成、LFA-1 のリーディング エッジでのクラスタリング (clustering) 、LFA-1の極性化、微小管系へp30の局在化、リーディング エッジでのLFA-1のクラスタリングとp30共局在化、抗原依存性のT cell-APC (antigen-presenting cell)間のコンジュゲート (conjugate) 形成による接着面へのLFA-1 及びp30の共蓄積、インテグリン依存性の遊走能促進、T cellの極性形成、T cellのSMA形成などが挙げられる (Koko Katagiriら、Nature Immunology, (8): 741-748)。

本発明のスクリーニング方法の別の態様は、前記(a)群のいずれかの活性型のポリペプチド、前記(b)群のいずれかのポリペプチド及び試験試料を接触させ、次いで両群のポリペプチドの結合の形成を検出し、該結合の形成を促進あるいは阻害する化合物を選択することにより実施される。精製された化合物等をスクリーニングする場合は、選択の工程は省略されても良い。(a)群のポリペプチドの活性化が必要な場合は、前述のようにGTP誘導体を用いて活性化する。該ポリペプチドの固相化を行う場合は、活性化を固相化の前に行っても良いし、固相化の後に行っても良いが、固相化後がより好ましい。

本発明に使用されるポリペプチドは、支持体に結合させて用いることができる。はじめに精製された又は粗精製された前記(a)群のポリペプチド、前記(b)群のポリペプチドの組合せにおいて、いずれか一方を支持体に結合させる。該ポリペプチドを支持体に結合させるには、標準的な方法で該ポリペプチドを支持体に固相化すればよい。ポリペプチドを結合させる支持体としては、例えば不溶性の多糖類、例えばアガロース、デキストラン、セルロース、合成樹脂、例えばポリスチレン、ポリアクリルアミド、シリコン等が挙げられる。より具体的にはそれらを原料として製造される市販のビーズ、プレートが用いられる。ビーズの場合、これらが充填されたカラム等を用いてもよい。プレートの場合、マルチウェル

プレート(96穴マルチウェルプレート等)やバイオセンサーチップが挙げられる。

ポリペプチドと支持体を結合させるには、化学結合、物理的な吸着等を利用する、通常用いられる方法を用いればよい。また、ポリペプチドを特異的に認識する抗体を予め支持体に結合せしめ、この抗体とポリペプチドとを結合させることもできる。さらに、アビシン／ビオチンを介して結合させることができる。

前記(a)群のポリペプチドと前記(b)群のポリペプチドとの結合は、通常緩衝液中で行われる。緩衝液としては、例えばリン酸緩衝液、Tris緩衝液等が使用される。また、インキュベートの条件としては、すでによく用いられている条件、例えば4°C～室温にて1秒～3時間、好ましくは3秒～2時間、より好ましくは10秒から30分間のインキュベーションが挙げられる。インキュベート後の洗浄は、蛋白質の結合を妨げないものであれば何でもよく、例えば界面活性剤を含む緩衝液が使用される。界面活性剤としては、例えば0.05% Tween20が使用される。

目的の化合物を選択するには、前記(a)群のポリペプチドと前記(b)群のポリペプチド及び試験試料を適切な条件下でインキュベートし、次いで洗浄することにより、特異的な結合と非特異的な結合を分離することができる。そして、前記(a)群のポリペプチドと前記(b)群のポリペプチドとの結合状態を評価すればよい。

目的の化合物を選択する際に、支持体に結合させるポリペプチドは前記(a)群のポリペプチドまたは前記(b)群のポリペプチドのいずれでもよい。すなわち、前記(a)群のポリペプチドを支持体に結合させる場合には、前記(a)群のポリペプチドを固相化後、前記(b)群のポリペプチドと試験試料をあらかじめ混合したもの、または試験試料添加後に前記(b)群のポリペプチドを添加しても良い。また、前記(b)群のポリペプチドを支持体に固相化する場合には、同様に前記(a)群のポリペプチドと試験試料とをあらかじめ混合したもの、または試験試料添加後に前記(a)群のポリペプチドを添加しても良い。以上の順序で添加した前記(a)群のポリペプチド、前記(b)群のポリペプチド及び試験試料を適切な条件下でインキュベーションし、前記(a)群のポリペプチドと前記(b)群のポリペプチドとの結合状態を評価することができる。

本発明のスクリーニング方法において、試験試料をポリペプチドに接触させる群と共にコントロール群を設置してもよい。コントロール群としては、試験試料を含まない陰性コントロール群又は陽性コントロール群あるいはその両群をおくことができる。

本発明において結合したポリペプチドを検出又は測定する際、単に結合したポリペプチドを検出するだけでもよいし、又は結合したポリペプチドを定量的に測定してもよい。これらの場合、試験試料を含まない陰性コントロール群で得られた結果、試験試料を含む群で得られた結果及び／又は陽性コントロール群で得られた結果を比較することにより、目的の化合物を検出することができる。

また、これらの結果を数値として得、それらの数値を比較することにより、目的の化合物の活性を定量的に測定することもできる。定量的に測定する場合、試験試料を含まない陰性コントロール群で得られた数値と試験試料を適用した群で得られた数値を比較することにより、目的の化合物を検出することができる。陰性対照と比較して、得られた数値が増大あるいは減少していれば、試験試料が目的の化合物を含むと判定することができる。

また、定量的に測定する場合、前記(a)群のポリペプチドと前記(b)群のポリペプチドとの結合を阻害することがわかっている化合物を既知量含む陽性コントロール群で得られた数値により作成された標準曲線を元に定量することができる。結合したポリペプチドが多い場合、ポリペプチドの結合を阻害する化合物の活性が低く、一方結合したポリペプチドが少ない場合、そのポリペプチドの結合を阻害する化合物の結合阻害活性が強いことが推測される。

本発明において、結合したポリペプチドを検出又は測定する手段として表面プラズモン共鳴現象を利用したバイオセンサーを使用することができる。表面プラズモン共鳴現象を利用したバイオセンサーはポリペプチド間の相互作用を微量のポリペプチドを用いてかつ標識することなく、表面プラズモン共鳴シグナルとしてリアルタイムに観察することができる（例えばBIAcore、Pharmacia製）。したがって、BIAcore等のバイオセンサーを用いることにより本発明で使用されるポリペプチドの結合を評価することが可能である。すなわち、前記(a)群のポリペプチドと前記(b)群のポリペプチドとの組み合わせの一方を固定化したセ

ンサーチップに、組み合わせのもう一方のポリペプチドを接触させ、固定化した一方のポリペプチドに結合するポリペプチドを共鳴シグナルの変化として検出しようとするものである。

具体的には以下のように行えばよい。初めにセンサーチップCM5 (Biosensor 製) を活性化して前記(a)群のポリペプチドと前記(b)群のポリペプチドとの組み合わせの一方をセンサーチップ上に固定化する。すなわち、EDC/NHS水溶液(200mM EDC (*N*-ethyl-*N'*-(3-dimethylaminopropyl)carbonate hydrochloride), 50 mM NHS (*N*-hydroxysuccinimide))によりセンサーチップを活性化した後、HBSバッファー(10mM HEPES pH7.4, 150mM NaCl, 3.4mM EDTA, 0.05% Tween20)によりセンサーチップを洗浄する。次にHBSバッファーに溶解した適量の相互作用を有するポリペプチドをセンサーチップに接触させ、固定化する。HBSバッファーによりセンサーチップを洗浄後、エタノールアミン溶液(1M ethanolamine hydrochloride, pH8.5)によりセンサーチップ上の残存活性基をブロックする。再びHBSバッファーによりセンサーチップを洗浄し結合評価に用いる。次にHBSバッファーに溶解した適量のポリペプチドを注入する。このときにセンサーチップに固定化されたポリペプチドに結合する相互作用を有するポリペプチドの量は共鳴シグナル値の増加として観察される。

さらに、上記結合評価系において、一方のポリペプチドに相互作用を有するもう一方のポリペプチドに引き続いて試験試料を注入する。また試験試料を注入する群と共に、コントロール群を設置してもよい。コントロール群としては試験試料を含まない陰性コントロール群又は陽性コントロール群あるいはその両群をおくことができる。

結合したポリペプチドは共鳴シグナル値の変化量として定量的に測定することができる。この場合、試験試料を含まない陰性コントロール群で得られた結果、試験試料を含む群で得られた結果及び/又は陽性コントロール群で得られた結果を比較することにより、目的の化合物を検出、決定することができる。本発明において、結合したポリペプチドを検出又は測定する手段として、いずれかのポリペプチドを標識し、結合したポリペプチドの標識を利用することができる。例えば、前述のスクリーニング方法において、試験試料とともに一方のポリペプチド

に接触させるもう一方のポリペプチドをあらかじめ標識しておき、試験試料とともにインキュベートした後、洗浄して結合しているポリペプチドをその標識により検出又は測定する。すなわち、好ましくは支持体に結合させた一方のポリペプチドに試験試料と標識したもう一方のポリペプチドを接触させる。インキュベートした後、洗浄して、結合しているポリペプチドの標識を検出又は測定すればよい。

本発明で使用されるポリペプチドは、通常知られる方法により標識することができる。標識物質としては、例えば放射性同位元素、酵素、蛍光物質、ビオチン／アビシン等が挙げられる。これらの標識物質は市販の標識物質を使用することができる。放射性同位元素としては、例えば<sup>32</sup>P, <sup>33</sup>P, <sup>131</sup>I, <sup>125</sup>I, <sup>3</sup>H, <sup>14</sup>C, <sup>35</sup>Sが挙げられる。酵素としては、例えばアルカリリフォスファターゼ、ホースラディッシュペーオキシダーゼ(HRP)、β-ガラクトシダーゼ、β-グルコシダーゼ等が挙げられる。蛍光物質としては、例えばフロオロセインイソチオシアネート(FITC)、ローダミンが挙げられる。これらは市販のものを入手することができ、公知の方法によって標識される。具体的には、次のようにして行うことができる。すなわち、いずれかのポリペプチドを含む溶液をプレートに加え、一夜放置する。プレートを洗浄の後、ポリペプチドの非特異的な結合を防ぐため例えばBSAでブロッキングする。再び洗浄し、試験試料ともう一方の標識されたポリペプチドをプレートに加える。同時に試験試料を含まない陰性コントロール群及び／又は陽性コントロール群を置き、これらをインキュベートする。インキュベートの後、洗浄し結合したポリペプチドを検出又は測定する。検出又は測定には、放射性同位元素の場合液体シンチレーションにより検出又は測定する。酵素の場合その基質を加え、基質の酵素的変化、例えば発色を吸光度計により検出又は測定する。蛍光物質の場合蛍光光度計により検出又は測定する。これらの結果を、コントロール群で得られた数値と比較すれば目的の化合物を決定することができる。

本発明において、結合したポリペプチドを検出又は測定する手段として、前記(a)群のポリペプチドと前記(b)群のポリペプチドとの組み合わせにて、一方のポリペプチドを特異的に認識する一次抗体を用いることができる。例えば、一方

のポリペプチドに試験試料とともにもう一方のポリペプチドを接触させ、試験試料とともにインキュベートした後、洗浄して結合しているポリペプチドをそのポリペプチドを特異的に認識する一次抗体により検出又は測定する。すなわち、好ましくは支持体に結合させた一方のポリペプチドに試験試料ともう一方のポリペプチドを接触させる。インキュベートした後、洗浄して、結合しているポリペプチドをそのポリペプチドを特異的に認識する一次抗体により検出又は測定すればよい。一次抗体は、好ましくは標識物質により標識されている。具体的には、次のようにして行うことができる。すなわち、いずれかのポリペプチドを含む溶液をプレートに加え、一夜放置する。プレートを洗浄の後、ポリペプチドの非特異的な結合を防ぐため例えばB S Aでプロッキングする。再び洗浄し、試験試料ともう一方のポリペプチドをプレートに加える。同時に試験試料を含まない陰性コントロール群及び／又は陽性コントロール群を置き、これらをインキュベートする。インキュベートの後、洗浄し試験試料と共に加えたポリペプチドに対する抗体を加える。適度なインキュベーションの後、プレートを洗浄しそのポリペプチドを特異的に認識する一次抗体によりポリペプチドを検出又は測定する。検出又は測定には、放射性同位元素の場合、液体シンチレーションにより検出又は測定する。酵素の場合その基質を加え、基質の酵素的変化、例えば発色を吸光度計により検出又は測定する。蛍光物質の場合蛍光光度計より検出又は測定する。これらの結果を、コントロール群で得られた数値と比較すれば目的の化合物を決定することができる。

本発明において、結合したポリペプチドを検出又は測定する手段として、本発明に使用されるポリペプチドと融合した他のペプチドを特異的に認識する一次抗体を用いることができる。例えば、前述のスクリーニング方法において、いずれかのポリペプチドに試験試料とともにもう一方のポリペプチドを接触させ、試験試料とともにインキュベートした後、洗浄して結合しているポリペプチドをそのポリペプチドと融合した他のペプチドを特異的に認識する一次抗体により検出又は測定する。すなわち、好ましくは支持体に結合させた一方のポリペプチドに試験試料ともう一方のポリペプチドを接触させる。インキュベートした後、洗浄して、結合しているポリペプチドをそのポリペプチドと融合した他のペプチドを特

異的に認識する一次抗体により検出又は測定すればよい。一次抗体は、好ましくは標識物質により標識されている。具体的には、次のようにして行うことができる。すなわち、いずれかのポリペプチドを含む溶液をプレートに加え、一夜放置する。プレートを洗浄の後、ポリペプチドの非特異的な結合を防ぐため例えばB SAでブロッキングする。再び洗浄し、試験試料と他のペプチドと融合したもう一方のポリペプチドをプレートに加える。同時に試験試料を含まない陰性コントロール群及び／又は陽性コントロールを置き、これらをインキュベートする。インキュベートの後、洗浄し試験試料と共に加えたポリペプチドと融合した他のペプチドに対する抗体を加える。適度なインキュベーションの後、プレートを洗浄しそのポリペプチドと融合した他のペプチドを特異的に認識する一次抗体によりポリペプチドを検出又は測定する。検出又は測定には、放射性同位元素の場合液体シンチレーションにより検出又は測定する。酵素の場合その基質を加え、基質の酵素的変化、例えば発色を吸光度計により検出又は測定する。蛍光物質の場合蛍光光度計により検出又は測定する。これらの結果を、コントロール群で得られた数値と比較すれば目的の化合物を決定することができる。

本発明において、結合したポリペプチドを検出又は測定する手段として、本発明で使用されるポリペプチドを特異的に認識する一次抗体及び該一次抗体を特異的に認識する二次抗体を用いることができる。例えば、いずれかのポリペプチドに試験試料とともにもう一方のポリペプチドを接触させ、試験試料とともにインキュベートした後、洗浄して結合しているポリペプチドをそのポリペプチドを特異的に認識する一次抗体及び一次抗体を特異的に認識する二次抗体により検出又は測定する。すなわち、好ましくは支持体に結合させたいずれかのポリペプチドに試験試料ともう一方のポリペプチドを接触させる。インキュベートした後、洗浄して、結合しているポリペプチドをそのポリペプチドを特異的に認識する一次抗体及び一次抗体を特異的に認識する二次抗体により検出又は測定すればよい。二次抗体は、好ましくは標識物質により標識されている。具体的には、次のようにして行うことができる。すなわち、いずれかのポリペプチドを含む溶液をプレートに加え、一夜放置する。プレートを洗浄の後、ポリペプチドの非特異的な結合を防ぐため例えばB SAでブロッキングする。再び洗浄し、試験試料ともう一

方のポリペプチドをプレートに加える。同時に試験試料を含まない陰性コントロール群及び／又は陽性コントロール群を置き、これらをインキュベートする。インキュベートの後、洗浄し試験試料と共に加えたポリペプチドと融合した他のペプチドに対する一次抗体を加える。適度なインキュベーションの後、プレートを洗浄し、次いで一次抗体を特異的に認識する二次抗体を加える。適度なインキュベーションの後、洗浄して、そのポリペプチドを特異的に認識する一次抗体を特異的に認識する二次抗体によりポリペプチドを検出又は測定する。検出又は測定には、放射性同位元素の場合、液体シンチレーションにより検出又は測定する。酵素の場合その基質を加え、基質の酵素的変化、例えば発色を吸光度計により検出又は測定する。蛍光物質の場合、蛍光光度計により検出又は測定する。これらの結果を、コントロール群で得られた数値と比較すれば目的の化合物を選択することができる。

本発明において、結合したポリペプチドを検出又は測定する手段として、ポリペプチドと融合した他のペプチドを特異的に認識する一次抗体及び一次抗体を特異的に認識する二次抗体を用いることができる。例えば、前述のスクリーニング方法において、いずれかのポリペプチドに試験試料とともにもう一方のポリペプチドを接触させ、試験試料とともにインキュベートした後、洗浄して結合しているポリペプチドをそのポリペプチドと融合した他のペプチドを特異的に認識する一次抗体及び一次抗体を特異的に認識する二次抗体により検出又は測定する。すなわち、好ましくは支持体に結合させた一方のポリペプチドに試験試料ともう一方のポリペプチドを接触させる。インキュベートした後、洗浄して、結合しているポリペプチドをそのポリペプチドと融合した他のペプチドを特異的に認識する一次抗体及び一次抗体を特異的に認識する二次抗体により検出又は測定すればよい。二次抗体は、好ましくは標識物質により標識されている。

具体的には、次のようにして行うことができる。すなわち、いずれかのポリペプチドを含む溶液をプレートに加え、一夜放置する。プレートを洗浄の後、ポリペプチドの非特異的な結合を防ぐため例えばB S Aでブロッキングする。再び洗浄し、試験試料と他のペプチドと融合したもう一方のポリペプチドをプレートに加える。同時に試験試料を含まない陰性コントロール群及び／又は陽性コントロ-

ル群を置き、これらをインキュベートする。インキュベートの後、洗浄し試験試料と共に加えたポリペプチドと融合した他のペプチドに対する一次抗体を加える。適度なインキュベーションの後、プレートを洗浄し、次いで一次抗体を特異的に認識する二次抗体を加える。適度なインキュベーションの後、洗浄して、そのポリペプチドと融合した他のペプチドを特異的に認識する一次抗体を特異的に認識する二次抗体によりポリペプチドを検出又は測定する。検出又は測定には、放射性同位元素の場合液体シンチレーションにより検出又は測定する。酵素の場合その基質を加え、基質の酵素的変化、例えば発色を吸光度計により検出又は測定する。蛍光物質の場合蛍光光度計により検出又は測定する。これらの結果を、コントロール群で得られた数値と比較すれば目的の化合物を決定することができる。

より詳しくは、本発明は特に好ましくはELISA (Enzyme-linked Immunosorbent Assay) により次のようにして行うことができる。すなわち、他のペプチド、例えば $6 \times$ Hisと融合した前記(a)群のポリペプチドを固相化バッファー(0.1M NaHCO<sub>3</sub>, 0.02% NaN<sub>3</sub>, pH9.6)により希釈する。96穴のイムノプレート(Nunc製)の各穴に希釈したこの水溶液を適量加え4°Cで一晩インキュベートする。洗浄バッファー(PBSに0.05% Tween20となるよう調製したもの)で3回各穴を洗浄後、PBSに溶解した5% BSA (SIGMA製) 溶液200 μlを加え、4°Cで一晩ブロッキングする。次に洗浄バッファーで3回各穴を洗浄し、希釈バッファー(1% BSA, 0.5%Tween20, PBS)で希釈した他のペプチド、例えばFLAGと融合した前記(b)群のポリペプチドと試験試料を適量加え、4°C～室温で1秒～3時間、好ましくは3秒～2時間、より好ましくは10秒～30分間インキュベートする。洗浄バッファーで各穴を3回洗浄し、希釈バッファーで3 μg/mlに希釈したマウス抗FLAG M2抗体(IBI製)を100 μl各穴に加え、室温で1時間インキュベートする。洗浄バッファーで各穴を3回洗浄し、希釈バッファーで1000倍に希釈したアルカリフォスファターゼ標識ヤギ抗マウスIgG抗体(ZYMED製)を100 μl各穴に加え、室温で1時間インキュベートする。洗浄バッファーで5回各穴を洗浄し、発色溶液(基質バッファー; 50mM NaHCO<sub>3</sub>, 10mM MgCl<sub>2</sub>, pH9.8に1mg/mlの濃度に溶解したp-フェニルフォスフェート; SIGMA製)を100 μl各穴に加え、室温で反

応させた後に405nmでの吸光度をマイクロプレートリーダー(Model 3550, BIO-RAD製)を用いて測定する。これらの結果を、陰性コントロール群及び／又は陽性コントロール群で得られた数値と比較すれば目的の化合物を決定することができる。なお、本発明の抗体を利用した検出または測定においては、二次抗体に代えてプロテインGやプロテインAを用いることも可能である。

本発明のスクリーニング方法は、High Throughput Screening (HTS)を使用することができる。具体的には、ブロッキングまでを手作業で行い、その後の反応はロボットによって行うことでのオートメーション化し、High Throughput screening を実現することができる。すなわち、他のペプチド、例えば6×Hisと融合した前記(a)群のポリペプチドを固相化バッファー(0.1M NaHCO<sub>3</sub>, 0.02% NaN<sub>3</sub>, pH9.6)により希釈する。96穴のイムノプレート(Nunc製)の各穴に希釈したこの水溶液を適量加え4°Cで一晩インキュベートする。洗浄バッファー(PBSに0.05% Tween20となるよう調製したもの)で3回各穴を洗浄後、PBSに溶解した5% BSA (SIGMA 製) 溶液200μlを加え、4°Cで一晩ブロッキングする。次に、例えばBiomek 2000 HTS system (Beckman製)にブロッキング済みのイムノプレートをセットしてシステムのコントロールプログラムを実行する。この際、分注機としてはBiomek 2000 分注機(Beckman製)あるいはMultipipette 96穴同時分注器(Sagian製)を用いることでイムノプレート各穴への溶液の分注や溶液の除去を行うことができる。また、イムノプレートの各穴の洗浄にはEL404マイクロプレートウォッシャー(Bio Tek製)を用いることができる。また、吸光度の測定にはSPECTRA max 250 プレートリーダー(Molecular Devices製)を用いることができる。プログラムは以下の操作をおこなうよう設定する。すなわち洗浄バッファーで3回各穴を洗浄し、試験試料と希釈バッファー(1% BSA, 0.5% Tween20, PBS)で希釈した他のペプチド、例えばMBP (マルトース結合ポリペプチド)と融合した前記(b)群のポリペプチドを適量加える。同時に試験試料を含まない陰性コントロール群及び陽性コントロールを置き、これらを4°C～室温で1秒～3時間、好ましくは3秒～2時間、より好ましくは10秒～30分間インキュベートする。洗浄バッファーで各穴を3回洗浄し、希釈バッファーで5000倍に希釈したウサギ抗MBP抗血清(New England Biolabs製)を100μl各穴に加え、室温で1時

間インキュベートする。洗浄バッファーで各穴を3回洗浄し、希釈バッファーで5000倍に希釈したアルカリフォスファターゼ標識ヤギ抗ウサギIgG抗体(TAGO製)を100μl各穴に加え、室温で1時間インキュベートする。洗浄バッファーで5回各穴を洗浄し、発色溶液(基質バッファー; 50mM NaHCO<sub>3</sub>, 10mM MgCl<sub>2</sub>, pH9.8に1mg/mlの濃度に溶解したp-ニトロフェニルフォスフェート; SIGMA製)を100μl各穴に加え、室温で反応させた後に405nmでの吸光度をマイクロプレートリーダー、Biomekプレートリーダー(Beckman/Molecular Devices製)を用いて測定する。これらの結果を、コントロール群で得られた数値と比較すれば目的の化合物を同定することができる。

本発明において使用される抗体として、市販の抗体や市販のキットに含まれる抗体を用いることもできるし、公知の手段を用いて得られるモノクローナル抗体またはポリクローナル抗体を用いることもできる。モノクローナル抗体は、所望の感作抗原を使用して、これを通常の免疫方法にしたがって免疫し、得られる免疫細胞を通常の細胞融合法によって公知の親細胞と融合させ、通常のスクリーニング法により、モノクローナル抗体産生細胞をスクリーニングすることによって作製できる。

本発明において、結合したポリペプチドを検出又は測定する手段として、前記(a)群のポリペプチドと前記(b)群のポリペプチドとの組み合わせにて、両方のポリペプチドをそれぞれ特定の蛍光タンパク質との融合ポリペプチドとすることで、蛍光タンパク質間の蛍光共鳴エネルギー移動(FRET, fluorescent resonance energy transfer)を用いることができる(A. Miyawaki et al. Nature vol. 388:882-887, 1997; N. Mochizuki et al. Nature vol. 411:1065-1068; 宮脇敦史編 GFPとバイオイメージング 羊土社)。近接した蛍光タンパク分子間でおこる蛍光共鳴エネルギー移動の測定により、(a)群と(b)群のポリペプチドの結合を検出するものである。例えば、(a)群のポリペプチドと黄色蛍光タンパク質(YFP)との融合ポリペプチドの活性型、(b)群のポリペプチドと藍色蛍光タンパク質(CFP)との融合ポリペプチドとを接触させる。両群のポリペプチドが結合すればこれらに融合しているYFPおよびCFPは近接した状態となる。このような

状況下でCFPの励起波長である433nmで励起すると、そのエネルギーがYFPに移る蛍光共鳴エネルギー移動の結果、YFPの放射波長である527nmの放射が測定される。従って、(a)群と(b)群のポリペプチドの結合を阻害するような化合物を含む試験試料の存在下で、これらの融合ポリペプチドを接触させると、蛍光共鳴エネルギー移動が減少し、527nmの放射が減少するので、試験試料の存在下、非存在下での放射の強度を比較することで、(a)群と(b)群のポリペプチドの結合を調節する化合物等がスクリーニングされる。蛍光共鳴エネルギー移動は、前記のような2分子システムのほか、1分子中に(a)群のポリペプチドと黄色蛍光タンパク質(YFP)との融合ポリペプチドと(b)群のポリペプチドと藍色蛍光タンパク質(CFP)がスペーサーを挟んで存在するような分子内でもおこり、この場合の検出感度はスペーサーの長さを調節することで可能である。さらに、いずれか一方または両方の群のポリペプチドがこれらの蛍光タンパク質との融合ポリペプチドではなく、それぞれの群のポリペプチドに対する抗体がYFP、CFPでそれぞれ標識されている場合でも、蛍光共鳴エネルギー移動は観察されるので、これらの形態のものも本発明のスクリーニング方法に使用できる。

また、前記の蛍光タンパク質との融合ポリペプチドは細胞内で発現する(2分子システムの場合は共発現)細胞を本発明のスクリーニングに用いることができる。この場合、(a)群と(b)群のポリペプチドの結合の検出または測定と、p30が関与する生物活性の検出または測定とを同時に行うことができる。例えばN. Mochizuki et al. Nature vol. 411:1065-1068や宮脇敦史編 GFPとバイオイメージング 羊土社に記載の方法に準じて行うことができ、スクリーニングに用いる細胞を試験試料の存在下または非存在下で培養することにより上記の検出または測定が可能である。

本発明では、「遺伝子組換え技術」を利用して所定の核酸を単離・配列決定したり、組換え体を作製したり、所定のペプチドを得ることができる。本明細書中使用できる遺伝子組換え技術としては、当該分野で知られたものが挙げられ、例えばJ. Sambrook, E. F. Fritsch & T. Maniatis, "Molecular Cloning: A Laboratory Manual (2nd edition)", Cold Spring Harbor Laboratory Press, Cold

Spring Harbor, New York (1989); D. M. Glover et al. ed., "DNA Cloning", 2nd ed., Vol. 1 to 4, (The Practical Approach Series), IRL Press, Oxford University Press (1995); 日本生化学会編、「統生化学実験講座1、遺伝子研究法II」、東京化学同人 (1986); 日本生化学会編、「新生化学実験講座2、核酸III(組換元DNA技術)」、東京化学同人 (1992); "Methods in Enzymology"シリーズ, Academic Press, New York、例えばR. Wu ed., "Methods in Enzymology", Vol. 68 (Recombinant DNA), Academic Press, New York (1980); R. Wu et al. ed., "Methods in Enzymology", Vol. 100 (Recombinant DNA, Part B) & 101 (Recombinant DNA, Part C), Academic Press, New York (1983); R. Wu et al. ed., "Methods in Enzymology", Vol. 153 (Recombinant DNA, Part D), 154 (Recombinant DNA, Part E) & 155 (Recombinant DNA, Part F), Academic Press, New York (1987); J. H. Miller ed., "Methods in Enzymology", Vol. 204, Academic Press, New York (1991); R. Wu ed., "Methods in Enzymology", Vol. 216 (Recombinant DNA, Part G), Academic Press, New York (1992); R. Wu ed., "Methods in Enzymology", Vol. 217 (Recombinant DNA, Part H) & 218 (Recombinant DNA, Part I), Academic Press, New York (1993); G. M. Attardi et al. ed., "Methods in Enzymology", Vol. 260 (Mitochondrial Biogenesis and Genetics, Part A), Academic Press, New York (1995); J. L. Campbell ed., "Methods in Enzymology", Vol. 262 (DNA Replication), Academic Press, New York (1995); G. M. Attardi et al. ed., "Methods in Enzymology", Vol. 264 (Mitochondrial Biogenesis and Genetics, Part B), Academic Press, New York (1996); P. M. Conn ed., "Methods in Enzymology", Vol. 302 (Green Fluorescent Protein), Academic Press, New York (1999); S. Weissman ed., "Methods in Enzymology", Vol. 303 (cDNA Preparation and Characterization), Academic Press, New York (1999); J. C. Giorioso et al. ed., "Methods in Enzymology", Vol. 306 (Expression of Recombinant Genes in Eukaryotic Systems), Academic Press, New York (1999); M. Ian Phillips ed., "Methods in Enzymology", Vol. 313 (Antisense Technology, Part A: General Methods, Methods of Delivery and RNA Studies) & 314 (Antisense Technolo

gy, Part B: Applications), Academic Press, New York (1999); J. Thorner et al. ed., "Methods in Enzymology", Vol. 326 (Applications of Chimeric Genes and Hybrid Proteins, Part A: Gene Expression and Protein Purification), 327 (Applications of Chimeric Genes and Hybrid Proteins, Part B: Cell Biology and Physiology) & 328 (Applications of Chimeric Genes and Hybrid Proteins, Part C: Protein-Protein Interactions and Genomics), Academic Press, New York (2000) などに記載の方法あるいはそこで引用された文献記載の方法あるいはそれらと実質的に同様な方法や改変法が挙げられる（それらの中に記載はそれを参照することにより本明細書の開示に含められる）。

本明細書で用いる用語「ポリペプチド」としては、以下に記載するような如何なるポリペプチドを指すものであってもよい。ポリペプチドの基本的な構造は周知であり、当該技術分野において非常に数多くの参考書及びその他の刊行物に記載がある。こうしたことに鑑み、本明細書で用いる用語「ポリペプチド」は、ペプチド結合又は修飾したペプチド結合により互いに結合しているような2個又はそれ以上のアミノ酸を含む任意のペプチド又は任意のタンパク質を意味する。本明細書で用いる用語「ポリペプチド」としては、当該分野において、例えばペプチド、オリゴペプチドあるいはペプチドオリゴマーとも称せられる短い鎖のもの、及びタンパク質と一般的に言われ、多くの形態のものが知られている長い鎖のものの両方を通常意味してよい。ポリペプチドは、しばしば、通常、天然型アミノ酸（天然に存在しているアミノ酸：あるいは遺伝子でコードされるアミノ酸）と称されるアミノ酸以外のアミノ酸を含有していてもよい。ポリペプチドは、また末端アミノ酸残基を含めて、その多くのアミノ酸残基が翻訳された後にプロセッシング及びその他の改変（あるいは修飾）されるといった天然の工程によるのみならず、当業者に周知の化学的改変技術によっても、上記のポリペプチドはそれが改変（修飾）できることは理解されよう。該ポリペプチドに加えられる改変（修飾）については、多くの形態のものが知られており、それらは当該分野の基礎的な参考書及びさらに詳細な論文並びに多数の研究文献にも詳しく記載されており、これらは当業者に周知である。幾つかのとりわけ常套的な改変・修飾とし

では、例えばアルキル化、アシル化、エステル化、アミド化、グリコシル化、脂質結合、硫酸化、リン酸化、グルタミン酸残基の $\gamma$ -カルボキシル化、水酸化及びADP-リボシル化等が挙げられ、例えばT. E. Creighton, *Proteins-Structure and Molecular Properties*, Second Edition, W. H. Freeman and Company, New York, (1993); B. C. Johnson (Ed.), *Posttranslational Covalent Modification of Proteins*, Academic Press, New York, (1983) (Wold, F., "Posttranslational Protein Modifications: Perspective and Prospects", pp. 1-12); Seifert et al., "Analysis for Protein Modifications and nonprotein cofactors", *Methods in Enzymology*, 182: 626-646 (1990); Rattan et al., "Protein Synthesis: Posttranslational Modification and Aging", *Ann. N. Y. Acad. Sci.*, 663: p. 48-62 (1992)等の記載を参照できる。

本発明の代表的なp30 タンパク質としては、図1のポリペプチドのアミノ酸配列またはそれと実質的に同等なアミノ酸配列を有するポリペプチドが挙げられ、例えば、該アミノ酸配列のうちの少なくとも 5~213 個の連続したアミノ酸残基を有し且つRap1結合活性又は優勢抑制型機能あるいは同等の抗原性などといった実質的に同等の生物学的活性を含めた生物学的活性を有するもの、あるいはそれらの特徴を有し且つ図1の各ドメインのいずれか一つと少なくとも50% より高い相同性、あるいは少なくとも60% より高い相同性、あるいは少なくとも70% より高い相同性、あるいは少なくとも80% より高い相同性、あるいは少なくとも90% より高い相同性、あるいは少なくとも95% 以上の相同性、あるいは少なくとも98% 以上の相同性を有するものなどで、新規なものが挙げられる。

本発明のヒトp30 関連ポリペプチドとしては、図1のアミノ酸配列の全部又は一部を含む連続したアミノ酸残基、あるいは該図1のアミノ酸配列のうちの連続したアミノ酸残基 5 個以上、好ましくは10個以上、また好ましくは20個以上、さらに好ましくは30個以上、より好ましくは40個以上、また好ましくは50個以上、さらに好ましくは60個以上、もっと好ましくは70個以上、また好ましくは80個以上、さらに好ましくは90個以上、もっとも好ましくは100 個以上、また好ましくは110 個以上を有するものが挙げられる。本発明のp30 関連ポリペプチドとして

は、図1のアミノ酸配列の一部または全部を有していてもよい（開始コドンに対応するMetを欠いていてもよい）。こうした配列を有するものはすべて包含されてよい。

本発明で扱うもの及び当該p30 タンパク質又はポリペプチドをコードする核酸は、代表的には図1で表されるペプチド及びその一部の連続したアミノ酸配列をコードする塩基配列を含有するもの、あるいは当該塩基配列の少なくともペプチドコード領域により構成される塩基配列を含有するもの（各特徴的なドメインのみをコードするものも包含する）、コード配列に開始コドン（Met をコードするコドン）及び終止コドンを附加したもの、また、該塩基配列がコードするタンパク質と少なくとも50%の相同性を有するアミノ酸配列を持ち且つ図1などのアミノ酸配列のうちの少なくとも特徴的な連続したアミノ酸残基を有し、尚且つRap1結合活性又は優勢抑制型機能あるいは同等の抗原性などのそれと実質的に同等の生物学的活性を含めた生物学的活性を有するペプチドをコードするといったそれと同効の塩基配列を含有するものであれば如何なるものであってもよい。

当該タンパク質をコードする核酸は、一本鎖DNA、二本鎖DNA、RNA、DNA:RNAハイブリッド、合成DNAなどの核酸であり、またヒトゲノムDNA、ヒトゲノミックDNA ライブラリー、ヒト組織・細胞由来のcDNA、合成DNA のいずれであってもよい。該当該タンパク質をコードする核酸の塩基配列は、修飾（例えば、付加、除去、置換など）されることもでき、そうした修飾されたものも包含されてよい。さらには、以下説明するように、本発明の核酸は、本発明のペプチドあるいはその一部をコードするものであってよく、好ましいものとしてはDNA が挙げられる。また上記「同効の塩基配列」とは、例えばストリンジェントな条件で当該塩基配列のうちの連続した5個以上の塩基配列、好ましくは10個以上の塩基配列、より好ましくは15個以上の塩基配列、さらに好ましくは20個以上の塩基配列とハイブリダイズし、当該タンパク質と実質的に同等のアミノ酸配列をコードするものなどが挙げられる。

機能的に同等なタンパク質を取得・単離する方法の一つの態様としては、タン

タンパク質中のアミノ酸に変異を導入する方法が当業者によく知られている。即ち、当業者であれば、公知の方法により、天然型のタンパク質（例えば、図1に記載のp30 タンパク質）中のアミノ酸を適宜置換、欠失、付加などして、これと同等の機能を有する改変タンパク質を調製することが可能である。また、アミノ酸の変異は自然界において生じることもある。本発明のタンパク質には、このように天然型のタンパク質のアミノ酸配列において1もしくは複数のアミノ酸が置換、欠失もしくは付加したアミノ酸配列を有し、天然型のタンパク質と同等の機能を有するタンパク質も含まれる。タンパク質におけるアミノ酸の改変は、通常、全アミノ酸の50アミノ酸以内であり、好ましくは30アミノ酸以内であり、さらに好ましくは10アミノ酸以内であり、さらに好ましくは3アミノ酸以内である。アミノ酸の改変は、例えば、変異や置換であれば「Transformer Site-directed Mutagenesis Kit」や「ExSite PCR-Based Site-directed Mutagenesis Kit」（Clontech社製）を用いて行うことが可能であり、また、欠失であれば「Quantum leap Nested Deletion Kit」（Clontech社製）などを用いて行うことが可能である。

変異・変換・修飾法としては、日本生化学会編、「続生化学実験講座1、遺伝子研究法 II」、p105（広瀬進）、東京化学同人(1986)；日本生化学会編、「新生化学実験講座2、核酸 III（組換えDNA 技術）」、p233（広瀬進）、東京化学同人(1992)；R. Wu, L. Grossman, ed., "Methods in Enzymology", Vol. 154, p. 350 & p. 367, Academic Press, New York (1987); R. Wu, L. Grossman, ed .., "Methods in Enzymology", Vol. 100, p. 457 & p. 468, Academic Press, N ew York (1983); J. A. Wells et al., Gene, 34: 315, 1985; T. Grundstroem et al., Nucleic Acids Res., 13: 3305, 1985; J. Taylor et al., Nucleic A cids Res., 13: 8765, 1985; R. Wu ed., "Methods in Enzymology", Vol. 155, p. 568, Academic Press, New York (1987); A. R. Oliphant et al., Gene, 44: 177, 1986 などに記載の方法が挙げられる。例えば合成オリゴヌクレオチドなどを利用する位置指定変異導入法（部位特異的変異導入法）(Zoller et al., Nucl. Acids Res., 10: 6487, 1987; Carter et al., Nucl. Acids Res., 13: 4 331, 1986), カセット変異導入法 (cassette mutagenesis: Wells et al., Gene

, 34: 315, 1985), 制限部位選択変異導入法 (restriction selection mutagenesis: Wells et al., Philos. Trans. R. Soc. London Ser A, 317: 415, 1986), アラニン・スキャンニング法 (Cunningham & Wells, Science, 244: 1081-1085, 1989), PCR 変異導入法, Kunke1法, dNTP[ $\alpha$ S]法 (Eckstein), 亜硫酸や亜硝酸などを用いる領域指定変異導入法等の方法が挙げられる。

本明細書において、「実質的に同等」あるいは「実質的に同一」とはタンパク質の活性、例えば、結合活性、生理的な活性、生物学的な活性が実質的に同じであることを意味する。さらにまた、その用語の意味の中には、実質的に同質の活性を有する場合を包含していてよく、該実質的に同質の活性としては、細胞接着・移動の制御などを挙げることができる。該実質的に同質の活性とは、それらの活性が性質的に同質であることを示し、例えば、生理的に、薬理学的に、あるいは生物学的に同質であることを示す。例えば、結合活性などの活性が、同等（例えば、約 0.001～約1000倍、好ましくは約0.01～約100 倍、より好ましくは約 0.1～約20倍、さらに好ましくは約 0.5～約2 倍）であることが好ましいが、これらの活性の程度、タンパク質の分子量などの量的な要素は異なっていてもよい。

当該ペプチド（又はポリペプチド）は、それが遊離型のものとして得られた場合には、それ自体公知の方法あるいはそれに準じた方法で塩に変換することができる、またそれらは塩として得られた場合には、それ自体公知の方法あるいはそれに準じた方法で遊離型のものあるいは他の塩に変換することができる。

当該ペプチド（又はポリペプチド）の塩としては、生理的に許容されるものあるいは医薬として許容されるものが好ましいが、これらに限定されない。こうした塩としては、例えば塩酸、臭化水素酸、硫酸、硝酸、リン酸などの無機酸との塩、例えば酢酸、ギ酸、マレイン酸、フマール酸、コハク酸、クエン酸、酒石酸、リンゴ酸、安息香酸、メタンスルホン酸、p-トルエンスルホン酸、ベンゼンスルホン酸などの有機酸との塩などが挙げられる。さらに該塩としては、アンモニウム塩、例えばエチルアミン、ジメチルアミン、トリメチルアミン、ヒドロキシエチルアミンなどの有機塩基との塩なども挙げられる。

また遺伝子組換え法で製造する時に融合タンパク質として発現させ、生体内あるいは生体外で天然の所定の本発明のタンパク質と実質的に同等の生物学的活性を有しているものに変換・加工してもよい。遺伝子工学的に常用される融合産生法を用いることができるが、こうした融合タンパク質はその融合部を利用してアフィニティクロマトグラフィーなどで精製することも可能である。こうした融合タンパク質としては、ヒスチジンタグに融合せしめられたもの、あるいは、 $\beta$ -ガラクトシダーゼ ( $\beta$ -gal)、マルトース結合タンパク (MBP)、グルタチオン-S-トランスフェラーゼ (GST)、チオレドキシン (TRX)又は Cre Recombinaseのアミノ酸配列に融合せしめられたものなどが挙げられる。同様に、ポリペプチドは、ヘテロジニアスなエピトープのタグを附加され、該エピトープに特異的に結合する抗体を用いてのイムノアフィニティ・クロマトグラフィーによる精製をなし得るようにすることもできる。より適した実施態様においては、該エピトープタグとしては、例えば AU5, c-Myc, CruzTag 09, CruzTag 22, CruzTag 41, Glu-Glu, HA, Ha.11, KT3, FLAG (registered trademark, Sigma-Aldrich), Omni-probe, S-probe, T7, Lex A, V5, VP16, GAL4, VSV-G などが挙げられる。(Field et al., Molecular and Cellular Biology, 8: pp. 2159-2165 (1988); Evan et al., Molecular and Cellular Biology, 5: pp. 3610-3616 (1985); Paborsky et al., Protein Engineering, 3(6): pp. 547-553 (1990); Hopp et al., BioTechnology, 6: pp. 1204-1210 (1988); Martin et al., Science, 255: pp. 192-194 (1992); Skinner et al., J. Biol. Chem., 266: pp. 15163-15166 (1991); Lutz-Freyermuth et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 87: pp. 6393-6397 (1990)など)。酵母を利用した two-hybrid 法も利用できる。

さらに融合タンパク質としては、検出可能なタンパク質となるような標識を付されたものであることもできる。より好適な実施態様においては、該検出可能な標識は、ビオチン／ストレプトアビシン系のBiotin Avi Tag、螢光を発する物質などであってよい。該螢光を発する物質としては、オワンクラゲ (*Aequorea victoria*)などの発光クラゲ由来の緑色螢光タンパク質(green fluorescent protein

: GFP)、それを改変した変異体(GFPバリエント)、例えば、EGFP (Enhanced-humanized GFP), rsGFP (red-shift GFP), 黄色蛍光タンパク質 (yellow fluorescent protein: YFP), 緑色蛍光タンパク質 (green fluorescent protein: GFP), 藍色蛍光タンパク質 (cyan fluorescent protein: CFP), 青色蛍光タンパク質 (blue fluorescent protein: BFP), ウミシイタケ (*Renilla reniformis*) 由来のGFPなどが挙げられる (宮脇敦史編、実験医学別冊ポストゲノム時代の実験講座3—GFPとバイオイメージング、羊土社(2000年))。また、上記融合タグを特異的に認識する抗体 (モノクローナル抗体及びそのフラグメントを含む) を使用して検出を行うこともできる。

タンパク質及びその一部のペプチドの合成には、当該ペプチド合成分野で知られた方法、例えば液相合成法、固相合成法などの化学合成法を使用することができる。こうした方法では、例えばタンパク質あるいはペプチド合成用樹脂を用い、適当に保護したアミノ酸を、それ自体公知の各種縮合方法により所望のアミノ酸配列に順次該樹脂上で結合させていく。縮合反応には、好ましくはそれ自体公知の各種活性化試薬を用いるが、そうした試薬としては、例えばジシクロヘキシルカルボジイミドなどカルボジイミド類を好ましく使用できる。生成物が保護基を有する場合には、適宜保護基を除去することにより目的のものを得ることができる。

タンパク質は、当業者に公知の方法により、天然のタンパク質としての他、遺伝子組換え技術を利用して調製した組換えタンパク質として調製することができる。天然のタンパク質は、例えば、調製された組換えタンパク質をマウス、ウサギなどの小動物に免疫して得た抗体を適当な吸着体 (CNBr活性化アガロースやトシリ活性化アガロース) に結合させてカラムを作製し、得られたカラムを利用して細胞のタンパク質抽出液を精製することにより調製することが可能である。一方、組換えタンパク質は、常法、例えば、当該タンパク質をコードするDNAを適当な発現ベクターに挿入し、該ベクターを適当な細胞に導入し、該形質転換細胞から精製することにより調製することが可能である。

組換えタンパク質を生産するために用いられる細胞としては、例えば、植物細胞、大腸菌、酵母などの微生物細胞、動物細胞、昆虫細胞などが挙げられる。また、細胞内で組換えタンパク質を発現させるためのベクターとしては、例えば、植物、酵母細胞用にはプラスミド「pBI121」や「pBI101」(Clontech社製)、大腸菌用にはプラスミド「pET Expression system」(Stratagene社製)や「GST gene fusion Vectors」(Pharmacia社製)、高等動植物細胞用にはプラスミド「pM AM」(Clontech社製)、昆虫細胞用にはプラスミド「pBacPAK8.9」(Clontech社製)などが挙げられる。ベクターへのDNAの挿入は、常法、例えば、Molecular Cloning (Maniatis et al., Cold Spring harbor Laboratory Press)に記載の方法により行うことができる。また、宿主細胞へのベクターの導入は、常法により宿主細胞に応じてエレクトロポレーション法、マイクロインジェクション法、パーティクルガン法などの方法で行うことが可能である。

得られた形質転換細胞からの所望の組換えタンパク質の精製は、タンパク質の性質に応じ、塩析や有機溶媒による沈殿、イオン交換クロマトグラフィー、アフィニティーコロマトグラフィー、免疫吸着体によるカラムクロマトグラフィー、ゲルろ過、SDS電気泳動、等電点電気泳動などを適宜組み合わせて行うことが可能である。また、当該組換えタンパク質をグルタチオンS-トランスフェラーゼなどの標識との融合タンパク質として発現させた場合には、該標識に対するアフィニティーコロマトグラフィーなどにより精製することも可能である。

また、本発明は、p30-Rap1結合の制御・結合の解析などに関連して利用されるタンパク質などをコードするDNAを提供する。該DNAは、本発明にしたがった所定のタンパク質をコードし得るものであれば特に制限はなく、ゲノムDNA、cDNA、化学合成DNAなどが含まれる。ゲノムDNAは、当該分野で知られた方法に従って調製したゲノムDNAを錫型として、所定のDNAの塩基配列(例えば、図1に記載の塩基配列)を基に作製したプライマーを用いてポリメラーゼ・チェイン・リアクション(polymerase chain reaction; PCR)を行うことにより調製することが可能である。また、cDNAであれば、常法(Maniatis et al. Molecular Cloning Cold Spring harbor Laboratory Press)により細胞からmRNAを調製し、逆転写反

応を行い、上記と同様のプライマーを用いてPCRを行うことにより調製することが可能である。また、ゲノムDNA やcDNAは、常法によりゲノムDNA ライブライアリーマまたはcDNAライブライアリーマを作製し、このライブライアリーマに対し、例えば当該DNA の塩基配列（例えば、図1に記載の塩基配列）を基に合成したプローブを用いてスクリーニングすることによっても調製することが可能である。

本明細書中、PCRとは、一般的に、Saiki et al., *Science*, 239:487(1988); 米国特許第4,683,195号明細書などに記載されたような方法を指し、例えば、所望のヌクレオチド配列をインビトロで酵素的に増幅するための方法を指している。一般に、PCRは、鑄型核酸と優先的にハイブリダイズすることのできる2個のオリゴヌクレオチドプライマーを使用して、プライマー伸長合成を行うようなサイクルを繰り返し行うことを含むものである。典型的には、PCR法で用いられるプライマーは、鑄型内部の増幅されるべきヌクレオチド配列に対して相補的なプライマーを使用することができ、例えば、該増幅されるべきヌクレオチド配列とその両端において相補的であるか、あるいは該増幅されるべきヌクレオチド配列に隣接しているものを好ましく使用することができる。代表的な場合には、5'端側のプライマーとしては、少なくとも開始コドンを含有するか、あるいは該開始コドンを含めて増幅できるように選択し、また3'端側のプライマーとしては、少なくともストップコドンを含有するか、あるいは該ストップコドンを含めて増幅できるように選択することが好ましい。プライマーは、好ましくは5個以上の塩基、さらに好ましくは10個以上の塩基からなるオリゴヌクレオチド、より好ましくは18~35個の塩基からなるオリゴヌクレオチドが挙げられる。

PCRは、当該分野で公知の方法あるいはそれと実質的に同様な方法や改変法により行うことができるが、例えば 上記文献の他、R. Saiki, et al., *Science*, 230: 1350, 1985; H. A. Erlich ed., *PCR Technology*, Stockton Press, 1989 ; D. M. Glover et al. ed., "DNA Cloning", 2nd ed., Vol. 1, (The Practical Approach Series), IRL Press, Oxford University Press (1995); M. A. Innis et al. ed., "PCR Protocols: a guide to methods and applications", Academic Press, 1990。

demic Press, New York (1990)); M. J. McPherson, P. Quirke and G. R. Taylor (Ed.), PCR: a practical approach, IRL Press, Oxford (1991); M. A. Friedman et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 85, 8998-9002 (1988) などに記載された方法あるいはそれを修飾したり、改変した方法に従って行うことができる。また、PCRは、それに適した市販のキットを用いて行うことができ、キット製造業者あるいはキット販売業者により明らかにされているプロトコルに従って実施することもできる。

PCRは、代表的な場合には、例えば錆型（例えば、mRNAを錆型にして合成されたDNA; 1st strand DNAなど）と該遺伝子に基づいてデザインされたプライマーとを、10×反応緩衝液（Taq DNAポリメラーゼに添付されている）、dNTPs（デオキシヌクレオシド三リン酸dATP, dGTP, dCTP, dTTPの混合物）、Taq DNAポリメラーゼ及び脱イオン蒸留水と混合する。混合物を、例えば、GeneAmp 2400 PCR system, Perkin-Elmer/Cetusなどの自動サーマルサイクラーを用いて一般的なPCRサイクル条件下にそのサイクルを25～60回繰り返すが、增幅のためのサイクル数は適宜目的に応じて適当な回数とすることができます。PCRサイクル条件としては、例えば、変性90～95°C 5～100秒、アニーリング40～60°C 5～150秒、伸長65～75°C 30～300秒のサイクル、好ましくは変性94°C 15秒、アニーリング58°C 15秒、伸長72°C 45秒のサイクルが挙げられるが、アニーリングの反応温度及び時間は適宜実験によって適当な値を選択できるし、変性反応及び伸長反応の時間も、予想されるPCR産物の鎖長に応じて適当な値を選択できる。アニーリングの反応温度は、通常プライマーと錆型DNAとのハイブリッドのT<sub>m</sub>値に応じて変えることが好ましい。伸長反応の時間は、通常1000bpの鎖長当たり1分程度がおよそその目安であるが、より短い時間を選択することも場合により可能である。得られたDNAの塩基配列は、例えば「シークエンサーModel310」（ABI社製）を利用することにより容易に決定することが可能である。

本明細書中、「オリゴヌクレオチド」とは、比較的短い一本鎖又は二本鎖のポリヌクレオチドで、好ましくはポリデオキシヌクレオチドが挙げられ、Angew. C

hem, Int. Ed. Engl., Vol. 28, p. 716-734 (1989) に記載されているような既知の方法、例えば、フォスフォトリエステル法、フォスフォジエステル法、フォスファイト法、フォスフォアミダイト法、フォスフォネート法などの方法により化学合成ができる。通常合成は、修飾された固体支持体上で合成を便利に行うことができることが知られており、例えば、自動化された合成装置を用いて行うことができ、該装置は市販されている。該オリゴヌクレオチドは、一つ又はそれ以上の修飾された塩基を含有していてよく、例えば、イノシンなどの天然においては普通でない塩基あるいはトリチル化された塩基などを含有していてよいし、場合によっては、マーカーの付された塩基を含有していてよい。

所定の核酸を同定したりするには、ハイブリダイゼーション技術を利用することができる。該ハイブリダイゼーションは、上記「遺伝子組換え技術」を開示する文献記載の方法あるいはそれと実質的に同様な方法や改変法により行うことができる。例えば、ハイブリダイゼーションは、DNAなどの核酸を含有しているサンプルをナイロンフィルターなどの膜を含めた担体に転写せしめ、必要に応じ変成処理、固定化処理、洗浄処理などを施した後、その担体（例えば、膜など）に転写せしめられたものを、必要に応じ変成させた標識プローブDNA断片と、ハイブリダイゼーション用緩衝液中で反応させて行われる。

ハイブリダイゼーション処理は、普通約35～約80°C、より好適には約50～約65°Cで、約15分間～約36時間、より好適には約1～約24時間行われるが、適宜最適な条件を選択して行うことができる。例えば、ハイブリダイゼーション処理は、約55°Cで約18時間行われる。ハイブリダイゼーション用緩衝液としては、当該分野で普通に使用されるものの中から選んで用いることができ、例えば、Rapid hybridization buffer (Amersham社)などを用いることができる。転写した担体（例えば、膜など）の変成処理としては、アルカリ変性液を使用する方法が挙げられ、その処理後中和液や緩衝液で処理するのが好ましい。また担体（例えば、膜など）の固定化処理としては、普通約40～約100°C、より好適には約70～約90°Cで、約15分間～約24時間、より好適には約1～約4時間ベーキングすることにより行われるが、適宜好ましい条件を選択して行うことができる。例えば、フィル

ターなどの担体を約80°Cで約2時間ベーキングすることにより固定化が行われる。転写した担体(例えば、膜など)の洗浄処理としては、当該分野で普通に使用される洗浄液、例えば1M NaCl、1mM EDTAおよび0.1% sodium dodecyl sulfate (SDS) 含有 50mM Tris-HCl緩衝液、pH8.0などで洗うことにより行うことができる。ナイロンフィルターなどの膜を含めた担体としては、当該分野で普通に使用されるものの中から選んで用いることができる。

上記アルカリ変性液、中和液、緩衝液としては、当該分野で普通に使用されるものの中から選んで用いることができ、アルカリ変性液としては、例えば、0.5M NaOH および1.5M NaCl を含有する液などを挙げることができ、中和液としては、例えば、1.5M NaCl 含有 0.5M Tris-HCl 緩衝液、pH8.0などを挙げることができ、緩衝液としては、例えば、2×SSPE (0.36M NaCl、20mM NaH<sub>2</sub>PO<sub>4</sub>および2mM EDTA)などを挙げることができる。またハイブリダイゼーション処理に先立ち、非特異的なハイブリダイゼーション反応を防ぐために、必要に応じて転写した担体(例えば、膜など)はプレハイブリダイゼーション処理することが好ましい。このプレハイブリダイゼーション処理は、例えば、プレハイブリダイゼーション溶液 [50% formamide、5×Denhardt's溶液 (0.2 %ウシ血清アルブミン、0.2 % polyvinyl pyrrolidone)、5×SSPE、0.1 % SDS、100 μg/ml 热変性サケ精子DNA] などに浸し、約35～約50°C、好ましくは約42°Cで、約4～約24時間、好ましくは約6～約8時間反応させることにより行うことができるが、こうした条件は当業者であれば適宜実験を繰り返し、より好ましい条件を決めることができる。ハイブリダイゼーションに用いる標識プローブDNA断片の変性は、例えば、約70～約100 °C、好ましくは約100 °Cで、約1～約60分間、好ましくは約5分間加熱するなどして行うことができる。なお、ハイブリダイゼーションは、それ自体公知の方法あるいはそれに準じた方法で行うことができるが、本明細書でストリンジメントな条件とは、例えばナトリウム濃度に関し、約15～約50mM、好ましくは約19～約40mM、より好ましくは約19～約20mMで、温度については約35～約85°C、好ましくは約50～約70°C、より好ましくは約60～約65°Cの条件を示す。ハイブリダイゼーション完了後、フィルターなどの担体を十分に洗浄処理し、

特異的なハイブリダイゼーション反応をした標識プローブDNA断片以外の標識プローブを取り除くなどしてから検出処理をすることができる。フィルターなどの担体の洗浄処理は、当該分野で普通に使用されるものの中から選んで用いて行うことができ、例えば、0.1% SDS含有 0.5×SSC (0.15M NaCl、15mM クエン酸) 溶液などで洗うことにより実施できる。

ハイブリダイズした核酸は、代表的にはオートラジオグラフィーにより検出することができるが、当該分野で用いられる方法の中から適宜選択して検出に用いることもできる。検出したシグナルに相当する核酸バンドを、適切な緩衝液、例えば、SM溶液(100mM NaCl および10mM MgSO<sub>4</sub>含有50mM Tris-HCl 緩衝液、pH7.5)などに懸濁し、ついでこの懸濁液を適度に希釈して、所定の核酸を単離・精製、そしてさらなる增幅処理にかけることができる。

ハイブリダイゼーション処理により遺伝子ライブラリーやcDNAライブラリーなどを含めた核酸サンプルから目的核酸をスクリーニングする処理は、繰り返して行うことができる。クローニングされているヒト由来のcDNAライブラリー、例えば種々のヒト由来の組織あるいは培養細胞（特には、ヒトの腎臓、脳、松果体、下垂体後葉、神経細胞、網膜、網膜血管細胞、網膜神経細胞、胸腺、血管、内皮細胞、血管平滑筋細胞、血液細胞、マクロファージ、リンパ球、精巣、卵巣、子宮、腸、心臓、肝臓、脾臓、小腸、大腸、歯肉関連細胞、皮膚関連細胞、糸球体細胞、尿細管細胞、結合組織細胞などの組織・細胞、さらには各種腫瘍組織、ガン細胞等）cDNAライブラリーを使用できる。さらに鑄型などとして用いるcDNAライブラリーは、市販の種々の組織由来cDNAライブラリーを直接使用することもでき、例えばStratagene社、Invitrogen社、Clontech社などから市販されたcDNAライブラリーを用いることができる。典型的な例では、ヒト組織・細胞から調製した遺伝子ライブラリー、例えばヒトP1 artificial chromosome ゲノミックライブラリー(Human Genome Mapping Resource Center)、ヒト組織cDNAライブラリー（例えば、Clontech社などから入手可能）を用いることができる。種々のヒト組織あるいは培養細胞等から構築されたヒトゲノミック DNAライブラリーあるいはヒト由来cDNAライブラリーをプローブを使用してスクリーニングできる。プローブ

プローブなどを放射性同位体などによって標識するには、市販の標識キット、例えばランダムプライム DNAラベリングキット (Boehringer Mannheim社) などを使用して行うことができる。例えば、random-primingキット (Pharmacia LKB社, Uppsala)などを使用して、プローブ用DNAを [ $\alpha$ - $^{32}$ P]dCTP (Amersham社)などで標識し、放射活性を持つプローブを得ることができる。

所定の核酸を保有する、ファージ粒子、組換えプラスミド、組換えベクターなどは、当該分野で普通に使用される方法でそれを精製分離することができ、例えば、グリセロールグラジエント超遠心分離法 (Molecular Cloning, a laboratory manual, ed. T. Maniatis, Cold Spring Harbor Laboratory, 2nd ed. 78, 1989) 、電気泳動法などにより精製することができる。ファージ粒子などからは、当該分野で普通に使用される方法でDNAを精製分離することができ、例えば、得られたファージなどをTM溶液 (10mM MgSO<sub>4</sub>含有50mM Tris-HCl 緩衝液、pH7.8) などに懸濁し、DNase I よびRNase A などで処理後、20mM EDTA 、50 μg/ml Proteinase K 及び0.5 %SDS 混合液などを加え、約65°C、約1 時間保温した後、これをフェノール抽出ジエチルエーテル抽出後、エタノール沈殿によりDNAを沈殿させ、次に得られたDNAを70%エタノールで洗浄後乾燥し、TB溶液 (10mM EDTA 含有10mM Tris-HCl 緩衝液、pH8.0) に溶解するなどして得られる。また、目的としているDNAは、サブクローニングなどにより大量に得ることも可能であり、例えばサブクローニングは、宿主として大腸菌を用いプラスミドベクターなどを用いて行うことができる。こうしたサブクローニングにより得られたDNAも、上記と同様にして遠心分離、フェノール抽出、エタノール沈殿などの方法により精製分離できる。

本明細書で「高い相同意」といった場合当該対象配列の長さにもよるが、例えば 50%以上、さらには60% 以上、好ましくは70% 以上、さらに好ましくは80% 以上、そして特定の場合には95% 以上で、特に好ましくは97% 以上であってよい。該「同効の塩基配列」とは、例えばストリンジェントな条件で問題の配列を有するものにハイブリダイズするものであってよく、例えば当該塩基配列のうちの連

続した5個以上の塩基配列、好ましくは10個以上の塩基配列、より好ましくは15個以上の塩基配列、さらに好ましくは20個以上の塩基配列とハイブリダイズし、当該ポリペプチドと実質的に同等のアミノ酸配列をコードするものなどが挙げられる。核酸は、化学合成によって得ることも可能である。その場合断片を化学合成し、それらを酵素により結合することによってもよい。

本明細書において、得られたPCR産物などの核酸(DNAを含む)は、通常 1~2% アガロースゲル電気泳動にかけて、特異なバンドとしてゲルから切り出し、例えば、gene clean kit (Bio 101)などの市販の抽出キットを用いて抽出する。抽出されたDNAは適当な制限酵素で切断し、必要に応じ精製処理したり、さらには必要に応じ5'末端をT4ポリヌクレオチドキナーゼなどによりリン酸化した後、pUC18などのpUC系ベクターといった適当なプラスミドベクターにライゲーションし、適当なコンピテント細胞を形質転換する。クローニングされたPCR産物はその塩基配列を解析される。PCR産物のクローニングには、例えば、p-Direct (Clontech社), pCR-Script<sup>TM</sup> SK(+) (Stratagene社), pGEM-T (Promega社), pAmp<sup>TM</sup> (Gibco-BRL社)などの市販のプラスミドベクターを用いることが出来る。宿主細胞の形質転換をするには、例えばファージベクターを使用したり、カルシウム法、ルビジウム/カルシウム法、カルシウム/マンガン法、TFB高効率法、FSB凍結コンピテント細胞法、迅速コロニー法、エレクトロポレーションなど当該分野で知られた方法あるいはそれと実質的に同様な方法で行うことができる (D. Hanahan, J. Mol. Biol., 166: 557, 1983など)。目的とするDNAを単離するためには、逆転写PCR (polymerase chain reaction coupled reverse transcription; RT-PCR)、RACE (rapid amplification of cDNA ends) を適用することが出来る。RACEは、例えば、M. A. Innis et al. ed., "PCR Protocols" (M. A. Froehman, "a guide to methods and applications"), pp. 28-38, Academic Press, New York (1990)などに記載された方法に従って行うことができる。

DNAは、必要に応じてクローニングでき、例えば、プラスミド、λファージ、コスミド、P1ファージ、F因子、YACなどが利用できる。好ましくはλファージ

由来のベクターが挙げられ、例えばCharon 4A、Charon 21A、 $\lambda$ gt10、 $\lambda$ gt11、 $\lambda$ DASHII、 $\lambda$ FIXII、 $\lambda$ EMBL3、 $\lambda$ ZAPII™(Stratagene社)などが利用できる。また、得られたDNAを、下記で詳しく説明するような適当なベクター、例えば、プラスミドpEX、pMAMneo、pKG5などのベクターに組込み、下記で詳しく説明するような適当な宿主細胞、例えば、大腸菌、酵母、CHO細胞、COS細胞などで発現させることができる。また、該DNA断片は、そのままあるいは適当な制御配列を附加したDNA断片として、または適当なベクターに組込み、そして動物に導入して、所定の遺伝子を発現するトランスジェニック動物を作成することができる。動物としては、哺乳動物が挙げられ、例えば、マウス、ラット、ウサギ、モルモット、ウシなどが挙げられる。好ましくは、マウスなどの動物の受精卵に該DNA断片を導入して、トランスジェニック動物を作成することができる。所定の遺伝子産物の確認を、当該外来遺伝子をトランスフェクションした、293T細胞、COS-1細胞などのそれに適した動物細胞などを用いて行うことができる。

外来遺伝子を哺乳動物などの動物細胞に導入する方法としては当該分野で知られた方法あるいはそれと実質的に同様な方法で行うことができ、例えばリン酸カルシウム法（例えば、F. L. Graham et al., Virology, 52: 456, 1973など）、DEAB-デキストラン法（例えば、D. Warden et al., J. Gen. Virol., 3: 371, 1968など）、エレクトロポレーション法（例えば、E. Neumann et al., EMBO J, 1: 841, 1982など）、マイクロインジェクション法、リボソーム法、ウイルス感染法、ファージ粒子法などが挙げられる。こうして所定の遺伝子をトランスフェクションされた動物細胞の產生する遺伝子産物は、それを解析することもできる。

所定の遺伝子など（本発明で得られたDNAなど）を組込むプラスミドとしては遺伝子工学的に常用される宿主細胞（例えば、大腸菌、枯草菌等の原核細胞宿主、酵母、293T細胞、CHO細胞、COS細胞等の真核細胞宿主、Sf21等の昆虫細胞宿主）中で該DNAが発現できるプラスミドであればどのようなプラスミドでもよい。もちろん、市販のキットや試薬に添付のものから選んで使用することもできる。こうした配列内には、例えば選択した宿主細胞で発現するのに好適に修飾され

たコドンが含まれていることができるし、制限酵素部位が設けられていることもできるし、目的とする遺伝子の発現を容易にするための制御配列、促進配列など、目的とする遺伝子を結合するのに役立つリンカー、アグブターなど、さらには抗生物質耐性などを制御したり、代謝を制御したりし、選別などに有用な配列（ハイブリドタンパク質や融合タンパク質をコードするものも含む）等を含んでいきることができる。好ましくは、適当なプロモーター、例えば大腸菌を宿主とするプラスミドでは、トリプトファンプロモーター(*trp*)、ラクトースプロモーター(*lac*)、トリプトファン・ラクトースプロモーター(*tac*)、リポプロテインプロモーター(*lpp*)、 $\lambda$ ファージ  $P_l$  プロモーター等を、動物細胞を宿主とするプラスミドでは、SV40レートプロモーター、MMTV LTRプロモーター、RSV LTR プロモーター、CMV プロモーター、SR $\alpha$ プロモーター等を、酵母を宿主とするプラスミドでは、GAL1、GAL10 プロモーター等を使用し得る。さらにCYC1、HIS3、ADH1、PGK、PHO5、GAPDH、ADC1、TRP1、URA3、LEU2、ENO、TP1、AOX1等の制御系を使用することもできる。

所望ポリペプチドをコードするDNAのトランスクリプションを促進するためエンハンサーをベクターに挿入することができ、こうしたエンハンサーとしてはプロモーターに働いてトランスクリプションを促進する作用を持つ、通常約10~100 bpの *cis*作用を持つエレメントのものが挙げられる。多くのエンハンサーが、グロビン、エラスター、アルブミン、 $\alpha$ -フェトプロテイン、インシュリンなどの哺乳動物遺伝子から知られている。代表的には、真核細胞感染性ウイルスから得られるエンハンサーが好適に使用でき、例えばレプリケーションオリジンのレート領域にあるSV40エンハンサー(100-270 bp)、サイトメガロウイルスの初期プロモーターのエンハンサー、ポリオーマのレプリケーションオリジンのレート領域にあるエンハンサー、アデノウイルスのエンハンサーなどの例が挙げられる。また、必要に応じて、宿主にあったシグナル配列を付加することもでき、それらは当業者によく知られているものを使用できる。

大腸菌を宿主とするプラスミドとしては、例えばpBR322、pUC18、pUC19、pUC1

18, pUC119, pSP64, pSP65, pTZ-18R/-18U, pTZ-19R/-19U, pGEM-3, pGEM-4, pGEM-3Z, pGEM-4Z, pGEM-5Zf(-), pBluescript KS<sup>TM</sup> (Stratagene社) などが挙げられる。大腸菌での発現に適したプラスミドベクターとしては、例えばpAS, pKK223 (Pharmacia社), pMC1403, pMC931, pKC30, pRSET-B (Invitrogen社) なども挙げられる。動物細胞を宿主とするプラスミドとしては、例えばSV40ベクター、ポリオーマ・ウイルスベクター、ワクシニア・ウイルスベクター、レトロウイルスベクターなどが挙げられ、具体的にはpcD, pcD-SR $\alpha$ , CDM8, pCEV4, pMB18S, pBC12BI, pSG5 (Stratagene社) などが挙げられる。酵母を宿主とするプラスミドとしては、YIp型ベクター、YEp型ベクター、YRp型ベクター、YCp型ベクターなどが挙げられ、例えばpGPD-2などが挙げられる。宿主細胞としては、宿主細胞が大腸菌の場合、例えば大腸菌K12 株に由来するものが挙げられ、例えばNM53 3, XL1-Blue, C600, DH1, DH5, DH11S, DH12S, DH5 $\alpha$ , DH10B, HB101, MC1061, JM109, STBL2, B834株由来としては、BL21(DE3)pLysSなどが挙げられる。宿主細胞が酵母の場合、例えば *Saccharomyces cerevisiae*, *Schizosaccharomyces pombe*, *Pichia pastoris*, *Kluyveromyces* 株, *Candida*, *Trichoderma reesiae*, その他の酵母株などが挙げられる。

宿主細胞が動物細胞の場合、例えばアフリカミドリザル線維芽細胞由来のCOS-7 細胞、COS-1 細胞、CV-1細胞、ヒト腎細胞由来 293細胞、ヒト表皮細胞由来A4 31細胞、ヒト結腸由来 205細胞、マウス線維芽細胞由来のCOP 細胞、MOP 細胞、WOP 細胞、チャイニーズ・ハムスター細胞由来のCHO 細胞、CHO DHFR $^{-}$ 細胞、ヒトHeLa細胞、マウス細胞由来C127細胞、マウス細胞由来NIH 3T3 細胞、マウスL 細胞、9BHK、HL-60 、U937、HaK 、Jurkat細胞、その他の形質転換されて得られたセルライン、通常の二倍体細胞、インビトロの一次培養組織から誘導された細胞株などが挙げられる。昆虫細胞としては、カイコ核多角体病ウイルス (*Bombyx mori nuclear polyhedrosis virus*) 、それに由来するものあるいはその他の適切なものをベクターとし、*Spodoptera frugiperda* (caterpillar), *Aedes aegypti* (mosquito), *Aedes albopictus* (mosquito), *Drosophila melanogaster* (fruitfly), カイコ幼虫あるいはカイコ培養細胞、例えばBM-N細胞などを用いること

が挙げられる（例えば、Luckow et al., Bio/Technology, 6, 47-55 (1988); Setlow, J. K. et al. (eds.), Genetic Engineering, Vol. 8, pp. 277-279, Plenum Publishing, 1986; Maeda et al., Nature, 315, pp. 592-594 (1985)）。*Agronomobacterium tumefaciens*などを利用して、植物細胞を宿主細胞として使用することも可能であり、それに適するベクターと共に、それらは当該分野で広く知られている。本発明の遺伝子工学的手法においては、当該分野で知られたあるいは汎用されている制限酵素、逆転写酵素、DNA 断片をクローニングするのに適した構造に修飾したりあるいは変換するための酵素であるDNA 修飾・分解酵素、DNA ポリメラーゼ、末端ヌクレオチジルトランスフェラーゼ、DNA リガーゼなどを用いることが出来る。制限酵素としては、例えば、R. J. Roberts, Nucleic Acids Res., 13: r165, 1985; S. Linn et al. ed. Nucleases, p. 109, Cold Spring Harbor Lab., Cold Spring Harbor, New York, 1982; R. J. Roberts, D. Macelis, Nucleic Acids Res., 19: Suppl. 2077, 1991などに記載のものが挙げられる。

本発明に従い、ポリペプチド（又はタンパク質）をコードする核酸を含有する発現ベクターで形質転換された形質転換体は、必要に応じて適当な選択マーカーを用い、繰り返しクローニングを行うことにより、高い発現能を安定して有する細胞株を得ることができる。例えば、宿主細胞として動物細胞を用いた形質転換体において、dhfr遺伝子を選択マーカーとして利用した場合、MTX 濃度を徐々に上げて培養し、耐性株を選択することにより、本発明のポリペプチドをコードするDNA を増幅させ、より高い発現を得られる細胞株を得ることができる。本発明の形質転換体は、本発明のポリペプチドをコードする核酸が発現可能な条件下で培養し、目的物を生成、蓄積せしめることができる。該形質転換体は、当該分野で汎用されている培地中で培養することができる。例えば、大腸菌、枯草菌等の原核細胞宿主、酵母などを宿主としている形質転換体は、液体培地を好適に使用することができる。培地中には、該形質転換体の生育に必要な炭素源、窒素源、無機物その他が含有せしめられる。炭素源としては、たとえばグルコース、デキストリン、可溶性澱粉、ショ糖など、窒素源としては、たとえばアンモニウム塩類、硝酸塩類、コーンスチーブ・リカーや、ペプトン、カゼイン、肉エキス、麦芽

エキス、大豆粕、バレイショ抽出液などの無機または有機物質、無機物としては、例えば、塩化カルシウム、リン酸二水素ナトリウム、塩化マグネシウム、炭酸カルシウムなどが挙げられる。また、酵母、ビタミン類、カザミノ酸、生長促進因子などを添加してもよい。また、必要によりプロモーターを効率よく働かせるために、例えば、 $8\beta$ -インドリル アクリル酸のような薬剤を加えることができる。培地のpHは約5～約8が望ましい。

培養は、例えば大腸菌では通常約15～約45°Cで約3～約75時間行い、必要により、通気や攪拌を加えることもできる。宿主が動物細胞である形質転換体を培養する際、培地としては、たとえば約5～約20%の胎児牛血清を含むMBM 培地、PR MII1640培地、DMEM培地などが用いられる。pHは約6～約8であるのが好ましい。培養は通常約30～約40°Cで約15～約72時間行い、必要に応じて通気や攪拌を加える。所定の遺伝子産物を発現している形質転換体はそのまま利用可能であるが、その細胞ホモジュネートとしても利用できるが、所定の遺伝子産物を単離して用いることもできる。上記培養細胞から抽出するに際しては、培養後、公知の方法で菌体あるいは細胞を集め、これを適当な緩衝液に懸濁し、超音波、リゾチームおよび／または凍結融解などによって菌体あるいは細胞を破壊したのち、遠心分離やろ過により粗抽出液を得る方法などを適宜用いることができる。緩衝液の中には尿素や塩酸グアニジンなどのタンパク質変性剤や、トリトン X-100（商品名）、ツウィーン-20（商品名）などの界面活性剤を加えてあってもよい。培養液中に目的生成物が分泌される場合には、培養終了後、それ自体公知の方法で菌体あるいは細胞と上清とを分離し、上清を集める。

このようにして得られた培養上清、あるいは抽出液中に含まれる目的生成物は、自体公知の分離・精製法を適切に組み合わせてその精製を行なうことができ、例えば硫酸アンモニウム沈殿法などの塩析、セファデックスなどによるゲルろ過法、例えばジエチルアミノエチル基あるいはカルボキシメチル基などを持つ担体などを用いたイオン交換クロマトグラフィー法、例えばブチル基、オクチル基、フェニル基など疎水性基を持つ担体などを用いた疎水性クロマトグラフィー法、

色素ゲルクロマトグラフィー法、電気泳動法、透析、限外ろ過法、アフィニティ・クロマトグラフィー法、高速液体クロマトグラフィー法などにより精製して得ることができる。好ましくは、ポリアクリルアミドゲル電気泳動、リガンドなどを固定化したアフィニティー・クロマトグラフィーなどで処理し精製分離処理できる。例えば、ゼラチンーアガロース・アフィニティー・クロマトグラフィー、ヘパリンーアガロース・クロマトグラフィーなどが挙げられる。得られたタンパク質（ペプチドあるいはポリペプチドを包含していてよい）は、それを酵素免疫測定法など知られた手法で、適当な担体あるいは固相に結合せしめて固相化することができる。固相化タンパク質、固相化ペプチドは、便利に結合アッセイや物質のスクリーニングに使用できる。

本明細書中で開示した関連したタンパク質、そのフラグメント、さらにはDNAを含めた核酸(mRNA やオリゴヌクレオチドを含む)は、それらを単独あるいは有機的に使用し、更にはアンチセンス技術、モノクローナル抗体を含めた抗体、トランスジェニック動物などとも適宜組合せて、ゲノミックス及びプロテオミックス技術に応用できる。また、二本鎖RNA (dsRNA) を使用してのRNAi (RNA interference) 技術への応用の途もある。かくして、一塩基多型(SNP; single nucleotide polymorphisms)を中心とした遺伝子多型解析、核酸アレイ、タンパク質アレイを使用した遺伝子発現解析、遺伝子機能解析、タンパク質間相互作用解析、関連遺伝子解析、農薬解析をすることが可能となる。例えば、核酸アレイ技術では、cDNAライブラリーを使用したり、PCR 技術で得たDNA を基板上にスポットティング装置で高密度に配置して、ハイブリダイゼーションを利用して試料の解析が行われる。

該アレイ化は、針あるいはピンを使用して、あるいはインクジェットプリンティング技術などでもって、スライドガラス、シリコン板、プラスチックプレートなどの基板のそれぞれ固有の位置にDNA が付着せしめられることによりそれを実施することができる。該核酸アレイ上でのハイブリダイゼーションの結果得られるシグナルを観察してデータを取得する。該シグナルは、螢光色素などの標識（例

えば、Cy3, Cy5, BODIPY, FITC, Alexa Fluor dyes (商品名), Texas red (商品名)など)より得られるものであってよい。検知にはレーザースキャナーなどを利用することもでき、得られたデータは適当なアルゴリズムに従ったプログラムを備えたコンピューターシステムで処理されてよい。また、タンパク質アレイ技術では、タグを付された組換え発現タンパク質産物を利用してよく、二次元電気泳動(2-DE)、酵素消化フラグメントを含めての質量分析(MS)(これにはエレクトロスプレーイオン化法(electrospray ionization: ESI), マトリックス支援レーザー脱離イオン化法(matrix-assisted laser desorption/ionization: MALDI)などの技術が含まれ、MALDI-TOF 分析計、ESI-3 連四重極分析計、ESI-イオントラップ分析計などを使用してよい)、染色技術、同位体標識及び解析、画像処理技術などが利用されることができる。したがって、本発明には上記p30 及びその関連類縁体・誘導体など及びそれに対する抗体に関連したソフトウエア、データベースなども含まれてよい。

所定のDNA (例えば、p30あるいはRap1をコードするDNA)を対象動物に転移させるにあたっては、それをDNA 断片としてあるいは該DNA を動物細胞で発現させうるプロモーターの下流に結合して用いるのが一般に有利である。たとえば、マウスに当該DNA を導入する場合、これと相同性が高い動物由来の当該DNA を動物細胞で発現させうる各種プロモーターの下流に結合した遺伝子コンストラクトを、対象動物の受精卵、たとえばマウス受精卵へマイクロインジェクションすることによってそのタンパク質を高産生する遺伝子導入(トランスジェニック)マウスを作出できる。マウスとしては、特に純系のマウスに限定されないが、例えば、C57BL/6、Balb/C、C3H、(C57BL/6×DBA/2)F<sub>1</sub>(BDF<sub>1</sub>)などが挙げられる。このプロモーターとしては、例えばウイルス由来プロモーター、メタロチオネイン等のユビキタスな発現プロモーターなどが好ましく使用しうる。また該DNA を導入する場合、組換えレトロウイルスに組み換えて、それを用いて行うこともできる。好適には対象DNA を導入されたマウス受精卵は、例えば、ICR のような仮親のマウスを使用して生育せしめることができる。

受精卵細胞段階における当該DNA (例えば、p30あるいはRap1をコードするDN

A)の転移は、対象動物の胚芽細胞および体細胞の全てに存在するように確保される。DNA 転移後の作出動物の胚芽細胞において当該タンパク質をコードするDNA が存在することは、作出動物の子孫が全てその胚芽細胞および体細胞の全てに該タンパク質をコードするDNA を有することを意味する。遺伝子を受け継いだこの種の動物の子孫はその胚芽細胞および体細胞の全てにおいて、該タンパク質を発現できる可能性を有している。

該DNA 導入動物は、交配により遺伝子を安定に保持することを確認して、該DNA 保有動物として通常の飼育環境で飼育継代を行うことができる。さらに、目的DNA を保有する雌雄の動物を交配することにより、導入遺伝子を相同染色体の両方に持つホモザイゴート動物を取得し、この雌雄の動物を交配することによりすべての子孫が該DNA を有するように繁殖継代することができる。該DNA が導入された動物は、該タンパク質が高発現させられているので、該タンパク質に対する阻害剤（インヒビター）のスクリーニング用の動物などとして有用である。また当該遺伝子の発現を阻害することのできるアンチセンス オリゴヌクレオチド、例えば、アンチセンスDNA などのスクリーニング用の動物などとして有用である。

この遺伝子導入動物を、組織培養のための細胞源として使用することもできる。例えば、遺伝子導入マウスの組織中のDNA もしくはRNA を直接分析するかあるいは遺伝子により発現されたタンパク質・組織を分析することにより、例えばp30 に関連したタンパク質について分析することができる。該タンパク質を産生する組織の細胞を標準組織培養技術により培養し、これらを使用して、たとえば脳、胸腺、血管内皮細胞などの血管細胞、血液細胞、精巣、脳、腸、腎臓やその他の組織由来の細胞についてその機能を研究することができる。また、その細胞を用いることにより、たとえば各種組織の機能を高めるような医薬開発に資することも可能である。また、高発現細胞株があれば、そこから、当該タンパク質を単離精製することも可能である。トランスジェニック マウスなどに関連した技術は、例えば、Brinster, R. L., et al.,; Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 82: 4438, 1985; Costantini, F. & Jaenisch, R. (eds.): *Genetic manipulation of*

the early mammalian embryo, Cold Spring Harbor Laboratory, 1985 などの文献に記載の方法あるいはそこに引用された文献に記載の方法、さらにはそれらの改変法により行うことができる。

本明細書中、「抗体」との用語は、広義の意味で使用されるものであってよく、所望のp30 タンパク質、その構成ポリペプチド及び関連ペプチド断片に対するモノクローナル抗体の单一のものや各種エピトープに対する特異性を持つ抗体組成物であってよく、また1価抗体または多価抗体並びにポリクローナル抗体及びモノクローナル抗体を含むものであり、さらに天然型(intact)分子並びにこれらのフラグメント及び誘導体も表すものであり、 $F(ab')_2$ , Fab' 及びFab といったフラグメントを包含し、さらに少なくとも二つの抗原又はエピトープ(epitope)結合部位を有するキメラ抗体若しくは雑種抗体、又は、例えば、クワドローム(quadrome), トリオーム(triome)などの二重特異性組換え抗体、種間雑種抗体、抗イディオタイプ抗体、さらには化学的に修飾あるいは加工などされてこれらの誘導体と考えられるもの、公知の細胞融合又はハイブリドーマ技術や抗体工学を適用したり、合成あるいは半合成技術を使用して得られた抗体、抗体生成の観点から公知である従来技術を適用したり、DNA 組換え技術を用いて調製される抗体、本明細書で記載し且つ定義する標的抗原物質あるいは標的エピトープに関して中和特性を有したりする抗体又は結合特性を有する抗体を包含していてよい。特に好ましい本発明の抗体は、p30 のN 末端側の領域から選択されたポリペプチドを特異的に識別できるものが挙げられる。

抗原物質に対して作製されるモノクローナル抗体は、培養中の一連のセルラインにより抗体分子の產生を提供することのできる任意の方法を用いて產生される。修飾語「モノクローナル」とは、実質上均質な抗体の集団から得られているというその抗体の性格を示すものであって、何らかの特定の方法によりその抗体が產生される必要があるとみなしてはならない。個々のモノクローナル抗体は、自然に生ずるかもしれない変異体が僅かな量だけ存在しているかもしれないという以外は、同一であるような抗体の集団を含んでいるものである。モノクローナル

抗体は、高い特異性を持ち、それは単一の抗原性をもつサイトに対して向けられているものである。異なった抗原決定基（エピトープ）に対して向けられた種々の抗体を典型的には含んでいる通常の（ポリクローナル）抗体調製物と対比すると、それぞれのモノクローナル抗体は当該抗原上の単一の抗原決定基に対して向けられているものである。その特異性に加えて、モノクローナル抗体は、ハイブリドーマ培養により合成され、他のイムノグロブリン類の夾雜がないあるいは少ない点でも優れている。モノクローナル抗体は、ハイブリッド抗体及びリコンビナント抗体を含むものである。それらは、所望の生物活性を示す限り、その由来やイムノグロブリンクラスやサブクラスの種別に関わりなく、可変領域ドメインを定常領域ドメインで置き換えたり、あるいは軽鎖を重鎖で置き換えたり、ある種の鎖を別の種の鎖でもって置き換えたり、あるいはヘテロジニアスなタンパク質と融合せしめたりして得ることができる（例えば、米国特許第4816567号；Monoclonal Antibody Production Techniques and Applications, pp. 79-97, Marcel Dekker, Inc., New York, 1987など）。

モノクローナル抗体を製造する好適な方法の例には、ハイブリドーマ法 (G. Kohler and C. Milstein, *Nature*, 256, pp. 495-497 (1975)); ヒトB細胞ハイブリドーマ法 (Kozbor et al., *Immunology Today*, 4, pp. 72-79 (1983); Kozbor, J. *Immunol.*, 133, pp. 3001 (1984); Brodeur et al., *Monoclonal Antibody Production Techniques and Applications*, pp. 51-63, Marcel Dekker, Inc., New York (1987); トリオーマ法; EBV-ハイブリドーマ法 (Cole et al., *Monoclonal Antibodies and Cancer Therapy*, Alan R. Liss, Inc., pp. 77-96 (1985)) (ヒトモノクローナル抗体を產生するための方法); 米国特許第4946778号 (单鎖抗体の產生のための技術) が挙げられる他、抗体に関して以下の文献が挙げられる: S. Biocca et al., *EMBO J.*, 9, pp. 101-108 (1990); R.E. Bird et al., *Science*, 242, pp. 423-426 (1988); M.A. Boss et al., *Nucl. Acids Res.*, 12, pp. 3791-3806 (1984); J. Bukovsky et al., *Hybridoma*, 6, pp. 219-228 (1987); M. DAINO et al., *Anal. Biochem.*, 166, pp. 223-229 (1987); J.S. Huston et al., *Proc. Natl. Acad. Sci. USA*, 85, pp. 5879-5883 (1988); P.T. Jones et al., *Nature*, 321, pp. 522-525 (1986); J.J. Langone et al. (ed.), "Methods in

Enzymology", Vol. 121 (Immunochemical Techniques, Part I: Hybridoma Technology and Monoclonal Antibodies), Academic Press, New York (1986); S. Morrison et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 81, pp. 6851-6855 (1984); V. T. Oi et al., BioTechniques, 4, pp. 214-221 (1986); L. Riechmann et al., Nature, 332, pp. 323-327 (1988); A. Tramontano et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 83, pp. 6736-6740 (1986); C. Wood et al., Nature, 314, pp. 446-449 (1985); Nature, 314, pp. 452-454 (1985) あるいはそこで引用された文献（それらの中にある記載はそれを参照することにより本明細書の開示に含められる）。本発明の抗体は、当該遺伝子発現物の解析、検知などに利用できる他、様々な利用が可能である。

例えば、当該モノクローナル抗体は、それらが所望の生物活性を示す限り、重鎖及び／又は軽鎖の一部が特定の種から誘導される又は特定の抗体クラス若しくはサブクラスに属する抗体の対応配列と同一又はホモローガスであるが、一方、鎖の残部は、別の種から誘導される又は別の抗体クラス若しくはサブクラスに属する抗体の対応配列と同一又はホモローガスである、「キメラ」抗体（免疫グロブリン）を特に包含する（米国特許第4816567号明細書；Morrison et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 81, pp. 6851-6855 (1984)）。

以下、モノクローナル抗体を例に挙げて、抗体の作製につき詳しく述べる。

本発明のモノクローナル抗体は、ミエローマ細胞を用いての細胞融合技術（例えば、G. Kohler and C. Milstein, Nature, 256, pp. 495-497 (1975)）を利用して得られたモノクローナル抗体であってよく、例えば次のような工程で作製できる。

1. 免疫原性抗原の調製
2. 免疫原性抗原による動物の免疫
3. ミエローマ細胞（骨髄腫細胞）の調製
4. 抗体産生細胞とミエローマ細胞との細胞融合
5. ハイブリドーマ（融合細胞）の選択及びモノクローン化
6. モノクローナル抗体の製造

## 1. 免疫原性抗原の調製

抗原としては、上記で記載してあるように、当該p30 ポリペプチド又はそれから誘導された断片を単離したものを用いることもできるが、決定された当該p30 タンパク質のアミノ酸配列情報を基に、適当なオリゴペプチドを化学合成しそれを抗原として利用することができる。代表的には図1に存在するアミノ酸残基のうちの連続した少なくとも5個のアミノ酸を有するペプチドが挙げられる。例えば特徴的な配列、例えばN-末端側などのアミノ酸配列から適当な部分を選ぶことも挙げられる。

抗原は、そのまま適当なアジュvantと混合して動物を免疫するのに使用できるが、免疫原性コンジュゲートなどにしてもよい。例えば、免疫原として用いる抗原は、当該タンパク質を断片化したもの、あるいはそのアミノ酸配列に基づき特徴的な配列領域を選び、ポリペプチドをデザインして化学合成して得られた合成ポリペプチド断片であってもよい。また、その断片を適当な縮合剤を介して種々の担体タンパク質類と結合させてハプテン-タンパク質の如き免疫原性コンジュゲートとし、これを用いて特定の配列のみと反応できる（あるいは特定の配列のみを認識できる）モノクローナル抗体をデザインするのに用いることもできる。デザインされるポリペプチドには予めシステイン残基などを付加し、免疫原性コンジュゲートの調製を容易にできるようにしておくことができる。担体タンパク質類と結合させるにあたっては、担体タンパク質類はまず活性化されることができる。こうした活性化にあたり活性化結合基を導入することが挙げられる。

活性化結合基としては、(1) 活性化エステルあるいは活性化カルボキシル基、例えばニトロフェニルエステル基、ペンタフルオロフェニルエステル基、1-ベンゾトリアゾールエステル基、N-スクシンイミドエステル基など、(2) 活性化ジチオ基、例えば2-ピリジルジチオ基などが挙げられる。担体タンパク質類としては、キーホール・リンペット・ヘモシアニン (KLH)、牛血清アルブミン (BSA)、卵白アルブミン、グロブリン、ポリリジンなどのポリペプタイド、細菌菌体成分、例えばBCG などが挙げられる。

## 2. 免疫原性抗原による動物の免疫

免疫は、当業者に知られた方法により行うことができ、例えば村松繁、他編、実験生物学講座 14、免疫生物学、丸善株式会社、昭和60年、日本生化学会編、続生化学実験講座 5、免疫生化学研究法、東京化学同人、1986年、日本生化学会編、新生化学実験講座 12、分子免疫学 III、抗原・抗体・補体、東京化学同人、1992年などに記載の方法に準じて行うことができる。免疫化剤を（必要に応じアジュバントと共に）一回又はそれ以上の回数哺乳動物に注射することにより免疫化される。代表的には、該免疫化剤及び／又はアジュバントを哺乳動物に複数回皮下注射あるいは腹腔内注射することによりなされる。免疫化剤は、上記抗原ペプチドあるいはその関連ペプチド断片を含むものが挙げられる。免疫化剤は、免疫処理される哺乳動物において免疫原性であることの知られているタンパク質（例えば上記担体タンパク質類など）とコンジュゲートを形成せしめて使用してもよい。アジュバントとしては、例えばフロイント完全アジュバント、リビ(Rib i)アジュバント、百日咳ワクチン、BCG、リピッドA、リポソーム、水酸化アルミニウム、シリカなどが挙げられる。免疫は、例えばBALB/cなどのマウス、ハムスター、その他の適当な動物を使用して行われる。抗原の投与量は、例えばマウスに対して約1～約400  $\mu\text{g}$ /動物で、一般には宿主動物の腹腔内や皮下に注射し、以後1～4週間おきに、好ましくは1～2週間ごとに腹腔内、皮下、静脈内あるいは筋肉内に追加免疫を2～10回程度反復して行う。免疫用のマウスとしてはBALB/c系マウスの他、BALB/c系マウスと他系マウスとのF1マウスなどを用いることもできる。必要に応じ、抗体価測定系を調製し、抗体価を測定して動物免疫の程度を確認できる。本発明の抗体は、こうして得られ免疫された動物から得られたものであってよく、例えば、抗血清、ポリクローナル抗体等を包含する。

## 3. ミエローマ細胞（骨髓腫細胞）の調製

細胞融合に使用される無限増殖可能株（腫瘍細胞株）としては免疫グロブリンを産生しない細胞株から選ぶことができ、例えば P3-NS-1-Ag4-1 (NS-1, Eur. J. Immunol., 6: 511-519, 1976)、SP-2/0-Ag14 (SP-2, Nature, 276: 269 ~270, 1978)、マウスマエローマ MOPC-21セルライン由来のP3-X63-Ag8-U1 (P3U1, C

urr. topics Microbiol. Immunol., 81: 1-7, 1978 )、P3-X63-Ag8 (X63, Natur e, 256: 495-497, 1975 )、P3-X63-Ag8-653 (653, J. Immunol., 123: 1548-15 50, 1979)などを用いることができる。8-アザグアニン耐性のマウスミエローマ細胞株はダルベッコMEM 培地(DMEM培地)、RPMI-1640 培地などの細胞培地に、例えばペニシリン、アミカシンなどの抗生物質、牛胎児血清(FCS)などを加え、さらに8-アザグアニン(例えば5～45 μg/ml)を加えた培地で継代されるが、細胞融合の2～5日前に正常培地で継代して所要数の細胞株を用意することができる。また使用細胞株は、凍結保存株を約37°Cで完全に解凍したのち RPMI-1640 培地などの正常培地で3回以上洗浄後、正常培地で培養して所要数の細胞株を用意したものであってもよい。

#### 4. 抗体産生細胞とミエローマ細胞との細胞融合

上記2. の工程に従い免疫された動物、例えばマウスは最終免疫後、2～5日後にその脾臓が摘出され、それから脾細胞懸濁液を得る。脾細胞の他、生体各所のリンパ節細胞を得て、それを細胞融合に使用することもできる。こうして得られた脾細胞懸濁液と上記3. の工程に従い得られたミエローマ細胞株を、例えば最小必須培地(MEM培地)、DMEM培地、RPMI-1640 培地などの細胞培地中に置き、細胞融合剤、例えばポリエチレングリコールを添加する。細胞融合剤としては、この他各種当該分野で知られたものを用いることができ、この様なものとしては不活性化したセンダイウイルス(HVJ: Hemagglutinating Virus of Japan)なども挙げられる。好ましくは、例えば30～60%のポリエチレングリコールを0.5～2 ml加えることができ、分子量が1,000～8,000のポリエチレングリコールを用いることができ、さらに分子量が1,000～4,000のポリエチレングリコールがより好ましく使用できる。融合培地中でのポリエチレングリコールの濃度は、例えば30～60%となるようにすることが好ましい。必要に応じ、例えばジメチルスルホキシドなどを少量加え、融合を促進することもできる。融合に使用する脾細胞(リンパ球)：ミエローマ細胞株の割合は、例えば1:1～20:1とすることが挙げられるが、より好ましくは4:1～7:1とすることができる。

融合反応を1～10分間行い、次にRPMI-1640 培地などの細胞培地を加える。融

合反応処理は複数回行うこともできる。融合反応処理後、遠心などにより細胞を分離した後選択用培地に移す。

### 5. ハイブリドーマ（融合細胞）の選択及びモノクローン化

選択用培地としては、例えばヒポキサンチン、アミノプテリン及びチミジンを含む、FCS 含有MEM 培地、RPMI-1640 培地などの培地、所謂 HAT培地が挙げられる。選択培地交換の方法は、一般的には培養プレートに分注した容量と等容量を翌日加え、その後1～3日ごとにHAT培地で半量ずつ交換するというように処理することができるが、適宜これに変更を加えて行うこともできる。また融合後8～16日目には、アミノプテリンを除いた、所謂HT培地で1～4日ごとに培地交換をすることができる。フィーダーとして、例えばマウス胸腺細胞を使用することもでき、それが好ましい場合がある。

ハイブリドーマの増殖のさかんな培養ウェルの培養上清を、例えば放射免疫分析(RIA)、酵素免疫分析(ELISA)、蛍光免疫分析(FIA)などの測定系、あるいは蛍光惹起細胞分離装置(FACS)などで、所定の断片ペプチドを抗原として用いたり、あるいは標識抗マウス抗体を用いて目的抗体を測定するなどして、スクリーニングしたりする。

目的抗体を産生しているハイブリドーマをクローニングする。クローニングは、寒天培地中でコロニーをピック・アップするか、あるいは限界希釈法によりなされうる。限界希釈法でより好ましく行うことができる。クローニングは複数回行うことが好ましい。

### 6. モノクローナル抗体の製造

得られたハイブリドーマ株は、FCS 含有MEM 培地、RPMI-1640 培地などの適当な増殖用培地中で培養し、その培地上清から所望のモノクローナル抗体を得ることが出来る。大量の抗体を得るためには、ハイブリドーマを腹水化することが挙げられる。この場合ミエローマ細胞由来の動物と同系の組織適合性動物の腹腔内に各ハイブリドーマを移植し、増殖させるか、あるいは例えばヌード・マウスなどに各ハイブリドーマを移植し、増殖させ、該動物の腹水中に產生されたモノク

ローナル抗体を回収して得ることが出来る。動物はハイブリドーマの移植に先立ち、ブリストン（2, 6, 10, 14-テトラメチルペントデカン）などの鉱物油を腹腔内投与しておくことができ、その処理後、ハイブリドーマを増殖させ、腹水を採取することもできる。腹水液はそのまま、あるいは従来公知の方法、例えば硫酸アンモニウム沈殿法などの塩析、セファデックスなどによるゲルろ過法、イオン交換クロマトグラフィー法、電気泳動法、透析、限外ろ過法、アフィニティ・クロマトグラフィー法、高速液体クロマトグラフィー法などにより精製してモノクローナル抗体として用いることができる。好ましくは、モノクローナル抗体を含有する腹水は、硫酸分画した後、DEAE-セファロースの如き、陰イオン交換ゲル及びプロテインAカラムの如きアフィニティ・カラムなどで処理し精製分離処理できる。特に好ましくは抗原又は抗原断片（例えば合成ペプチド、組換え抗原タンパク質あるいはペプチド、抗体が特異的に認識する部位など）を固定化したアフィニティ・クロマトグラフィー、プロテインAを固定化したアフィニティ・クロマトグラフィー、ヒドロキシアパタイト・クロマトグラフィーなどが挙げられる。

また、トランスジェニックマウス又はその他の生物、例えば、その他の哺乳動物は、本発明の免疫原ポリペプチド産物に対するヒト化抗体等の抗体を発現するのに用いることができる。

またこうして大量に得られた抗体の配列を決定したり、ハイブリドーマ株から得られた抗体をコードする核酸配列を利用して、遺伝子組換え技術により抗体を作製することも可能である。当該モノクローナル抗体をコードする核酸は、例えばマウス抗体の重鎖や軽鎖をコードしている遺伝子に特異的に結合できるオリゴヌクレオチドプローブを使用するなどの慣用の手法で単離し配列決定することができる。一旦単離されたDNAは、上記したようにして発現ベクターに入れ、CHO、COSなどの宿主細胞に入れることができる。該DNAは、例えばホモジニアスなマウスの配列に代えて、ヒトの重鎖や軽鎖の定常領域ドメインをコードする配列に置換するなどして修飾することが可能である（Morrison et al., Proc. Natl. Acad. Sci. USA, 81: 6581, 1984）。かくして所望の結合特異性を有するキメラ

抗体やハイブリッド抗体も調製することが可能である。また、抗体は、下記するような縮合剤を用いることを含めた化学的なタンパク質合成技術を適用して、キメラ抗体やハイブリッド抗体を調製するなどの修飾をすることも可能である。

ヒト化抗体は、当該分野で知られた技術により行うことが可能である（例えば、Jones et al., *Nature*, 321: pp. 522-525 (1986); Riechmann et al., *Nature*, 332: pp. 323-327 (1988); Verhoeyen et al., *Science*, 239: pp. 1534-1536 (1988)）。ヒトモノクローナル抗体も、当該分野で知られた技術により行うことが可能で、ヒトモノクローナル抗体を生産するためのヒトミエローマ細胞やヒト・マウスヘテロミエローマ細胞は当該分野で知られている（Kozbor, *J. Immunol.*, 133, pp. 3001 (1984); Brodeur et al., *Monoclonal Antibody Production Techniques and Applications*, pp. 51-63, Marcel Dekker, Inc., New York (1987)）。バイスペシフィックな抗体を製造する方法も当該分野で知られている（Milestone et al., *Nature*, 305: pp. 537-539 (1983); WO93/08829; Traunecker et al., *EMBO J.*, 10: pp. 3655-3659 (1991); Suresh et al., "Methods in Enzymology", Vol. 121, pp. 210 (1986))。

さらにこれら抗体をトリプシン、パンペイン、ペプシンなどの酵素により処理して、場合により還元して得られるFab、Fab'、F(ab')<sub>2</sub>といった抗体フラグメントにして使用してもよい。

抗体は、既知の任意の検定法、例えば競合的結合検定、直接及び間接サンドイッチ検定、及び免疫沈降検定に使用することができる（Zola, *Monoclonal Antibodies: A Manual of Techniques*, pp. 147-158 (CRC Press, Inc., 1987)）。

抗体を検出可能な原子団にそれぞれコンジュゲートするには、当分野で知られる任意の方法を使用することができ、例えば、David et al., *Biochemistry*, 13巻, 1014-1021 頁 (1974); Pain et al., *J. Immunol. Meth.*, 40: pp. 219-231 (1981); 及び "Methods in Enzymology", Vol. 184, pp. 138-163 (1990) により記載の方法が挙げられる。標識物を付与する抗体としては、IgG 画分、更にはペプシン消化後還元して得られる特異的結合部Fab'を用いることができる。これらの場合の標識物の例としては、下記するように酵素（ペルオキシダーゼ、アルカリ

ホスファターゼあるいは $\beta$ -D- ガラクトシダーゼなど)、化学物質、蛍光物質あるいは放射性同位元素などがある。

本発明での検知・測定は、イムノ染色、例えば組織あるいは細胞染色、イムノアッセイ、例えば競合型イムノアッセイまたは非競合型イムノアッセイで行うことができ、ラジオイムノアッセイ、ELISAなどを用いることができ、B-F分離を行ってもよいし、あるいは行わないでその測定を行うことができる。好ましくは放射免疫測定法や酵素免疫測定法であり、さらにサンドイッチ型アッセイが挙げられる。例えばサンドイッチ型アッセイでは、一方を本発明の当該タンパク質及びその関連ペプチド断片に対する抗体とし、他方を当該タンパク質のN-末端側残基に対する抗体とし、そして一方を検出可能に標識化する。同じ抗原を認識できる他の抗体を固相に固定化する。検体と標識化抗体及び固相化抗体を必要に応じ順次反応させるためインキュベーション処理し、ここで非結合抗体を分離後、標識物を測定する。測定された標識の量は抗原、すなわち当該ポリペプチド断片抗原の量と比例する。このアッセイでは、不溶化抗体や、標識化抗体の添加の順序に応じて同時サンドイッチ型アッセイ、フォワード (forward) サンドイッチ型アッセイあるいは逆サンドイッチ型アッセイなどと呼ばれる。例えば洗浄、攪拌、震盪、ろ過あるいは抗原の予備抽出等は、特定の状況のもとでそれら測定工程の中で適宜採用される。特定の試薬、緩衝液等の濃度、温度あるいはインキュベーション処理時間などのその他の測定条件は、検体中の抗原の濃度、検体試料の性質等の要素に従い変えることができる。当業者は通常の実験法を用いながら各測定に対して有効な最適の条件を適宜選定して測定を行うことが出来る。

抗原あるいは抗体を固相化できる多くの担体が知られており、本発明ではそれから適宜選んで用いることができる。担体としては、抗原抗体反応などに使用されるものが種々知られており、本発明においても勿論これらの公知のものの中から選んで使用できる。特に好適に使用されるものとしては、例えばガラス、例えば活性化ガラス、多孔質ガラス、シリカゲル、シリカーアルミナ、アルミナ、磁化鉄、磁化合金などの無機材料、ポリエチレン、ポリプロピレン、ポリ塩化ビ

ニル、ポリフッ化ビニリデン、ポリ酢酸ビニル、ポリメタクリレート、ポリスチレン、ステレンーブタジエン共重合体、ポリアクリルアミド、架橋ポリアクリルアミド、ステレンーメタクリレート共重合体、ポリグリシルメタクリレート、アクロレインーエチレングリコールジメタクリレート共重合体など、架橋化アルブミン、コラーゲン、ゼラチン、デキストラン、アガロース、架橋アガロース、セルロース、微結晶セルロース、カルボキシメチルセルロース、セルロースアセテートなどの天然または変成セルロース、架橋デキストラン、ナイロンなどのポリアミド、ポリウレタン、ポリエポキシ樹脂などの有機高分子物質、さらにそれらを乳化重合して得られたもの、細胞、赤血球などで、必要に応じ、シランカップリング剤などで官能性基を導入してあるものが挙げられる。

さらに、ろ紙、ビーズ、試験容器の内壁、例えば試験管、タイタープレート、タイターウェル、ガラスセル、合成樹脂製セルなどの合成材料からなるセル、ガラス棒、合成材料からなる棒、末端を太くしたりあるいは細くしたりした棒、末端に丸い突起をつけたりあるいは偏平な突起をつけた棒、薄板状にした棒などの固体物質（物体）の表面などが挙げられる。

これら担体へは、抗体を結合させることができ、好ましくは本発明で得られる抗原に対し特異的に反応するモノクローナル抗体を結合させることができる。担体とこれら抗原抗体反応に関与するものとの結合は、吸着などの物理的な手法、あるいは縮合剤などを用いたり、活性化されたものなどを用いたりする化学的な方法、さらには相互の化学的な結合反応を利用した手法などにより行うことが出来る。

標識としては、酵素、酵素基質、酵素インヒビター、補欠分子類、補酵素、酵素前駆体、アポ酵素、蛍光物質、色素物質、化学ルミネッセンス化合物、発光物質、発色物質、磁気物質、金属粒子、例えば金コロイドなど、放射性物質などを挙げることができる。酵素としては、脱水素酵素、還元酵素、酸化酵素などの酸化還元酵素、例えばアミノ基、カルボキシル基、メチル基、アシル基、リン酸基などを転移するのを触媒する転移酵素、例えばエステル結合、グリコシド結合、エーテル結合、ペプチド結合などを加水分解する加水分解酵素、リアーゼ、イソ

メラーゼ、リガーゼなどを挙げることができる。酵素は複数の酵素を複合的に用いて検知に利用することもできる。例えば酵素的サイクリングを利用することもできる。

代表的な放射性物質の標識用同位体元素としては、 $[^{32}\text{P}]$ ,  $[^{125}\text{I}]$ ,  $[^{131}\text{I}]$ ,  $[^8\text{H}]$ ,  $[^{14}\text{C}]$ ,  $[^{35}\text{S}]$  などが挙げられる。

代表的な酵素標識としては、西洋ワサビペルオキシダーゼなどのペルオキシダーゼ、大腸菌  $\beta$ -D-ガラクトシダーゼなどのガラクトシダーゼ、マレート・デヒドロゲナーゼ、グルコース-6-フォスフェート・デヒドロゲナーゼ、グルコースオキシダーゼ、グルコアミラーゼ、アセチルコリンエステラーゼ、カタラーゼ、ウシ小腸アルカリホスファターゼ、大腸菌アルカリホスファターゼなどのアルカリホスファターゼなどが挙げられる。

アルカリホスファターゼを用いた場合、4-メチルウンベリフェリルフォスフェートなどのウンベリフェロン誘導体、ニトロフェニルホスフェートなどのリン酸化フェノール誘導体、NADPを利用した酵素的サイクリング系、ルシフェリン誘導体、ジオキセタン誘導体などの基質を使用したりして、生ずる蛍光、発光などにより測定できる。ルシフェリン、ルシフェラーゼ系を利用したりすることもできる。カタラーゼを用いた場合、過酸化水素と反応して酸素を生成するので、その酸素を電極などで検知することもできる。電極としてはガラス電極、難溶性塩膜を用いるイオン電極、液膜型電極、高分子膜電極などであることもできる。

酵素標識は、ビオチン標識体と酵素標識アビジン（ストレプトアビジン）に置き換えることも可能である。標識は、複数の異なった種類の標識を使用することもできる。こうした場合、複数の測定を連続的に、あるいは非連続的に、そして同時にあるいは別々に行うことを可能にすることもできる。

本発明においては、信号の形成に4-ヒドロキシフェニル酢酸、1,2-フェニレンジアミン、テトラメチルベンジジンなどと西洋ワサビ・ペルオキシダーゼ、ウンベリフェリルガラクトシド、ニトロフェニルガラクトシドなどと  $\beta$ -D-ガラクトシダーゼ、グルコース-6-リン酸・デヒドロゲナーゼなどの酵素試薬の組合せ

も利用でき、ヒドロキノン、ヒドロキシベンゾキノン、ヒドロキシアントラキノンなどのキノール化合物、リボ酸、グルタチオンなどのチオール化合物、フェノール誘導体、フェロセン誘導体などを酵素などの働きで形成しうるものが使用できる。

蛍光物質あるいは化学ルミネッセンス化合物としては、フルオレセインイソチオシアネート、例えばローダミンBイソチオシアネート、テトラメチルローダミンイソチオシアネートなどのローダミン誘導体、ダンシリクロリド、ダンシリフルオリド、フルオレスカミン、フィコビリプロテイン、アクリジニウム塩、ルミフェリン、ルシフェラーゼ、エクオリンなどのルミノール、イミダゾール、シュウ酸エステル、希土類キレート化合物、クマリン誘導体などが挙げられる。

標識するには、チオール基とマレイミド基の反応、ピリジルジスルフィド基とチオール基の反応、アミノ基とアルデヒド基の反応などをを利用して行うことができ、公知の方法あるいは当該分野の当業者が容易になしいうる方法、さらにはそれらを修飾した方法の中から適宜選択して適用できる。また上記免疫原性複合体作製に使用されることのできる縮合剤、担体との結合に使用されることのできる縮合剤などを用いることができる。

縮合剤としては、例えばホルムアルデヒド、グルタルアルデヒド、ヘキサメチレンジイソシアネート、ヘキサメチレンジイソチオシアネート、N,N'-ポリメチレンビスヨードアセトアミド、N,N'-エチレンビスマレイミド、エチレングリコールビススクシニミジルスクシネート、ビスジアゾベンジン、1-エチル-3-(3-ジメチルアミノプロピル)カルボジイミド、スクシンイミジル 3-(2-ピリジルジチオ)プロピオネート(SPDP)、N-スクシンイミジル 4-(N-マレイミドメチル)シクロヘキサン-1-カルボキシレート(SMCC)、N-スルホスクシンイミジル 4-(N-マレイミドメチル)シクロヘキサン-1-カルボキシレート、N-スクシンイミジル (4-ヨードアセチル)アミノベンゾエート、N-スクシンイミジル 4-(1-マレイミドフェニル)ブチレート、N-(ε-マレイミドカプロイルオキシ)コハク酸イミド(EMCS)、イミノチオラン、S-アセチルメルカプトコハク酸無水物、メチル-3-(4'-ジチオピリジル)プロピオンイミデート、メチル-4-メルカプトブ

チリルイミデート、メチル-3-メルカプトプロピオニミデート、N-スクシンイミジル-S-アセチルメルカプトアセテートなどが挙げられる。

本発明の測定法によれば、測定すべき物質を酵素などで標識したモノクローナル抗体などの標識抗体試薬と、担体に結合された抗体とを順次反応させることができるとし、同時に反応させることもできる。試薬を加える順序は選ばれた担体系の型により異なる。感作されたプラスチックなどのビーズを用いた場合には、酵素などで標識したモノクローナル抗体などの標識抗体試薬を測定すべき物質を含む検体試料と共に最初適当な試験管中に一緒に入れ、その後該感作されたプラスチックなどのビーズを加えることにより測定を行うことができる。

本発明の定量法においては、免疫学的測定法が用いられるが、その際の固相担体としては、抗体などタンパク質を良く吸着するポリスチレン製、ポリカーボネイト製、ポリプロピレン製あるいはポリビニル製のボール、マイクロプレート、スティック、微粒子あるいは試験管などの種々の材料および形態を任意に選択し、使用することができる。

測定にあたっては至適pH、例えばpH約4～約9に保つように適当な緩衝液系中で行うことができる。特に適切な緩衝剤としては、例えばアセテート緩衝剤、クエン酸塩緩衝剤、フォスフェート緩衝剤、トリス緩衝剤、トリエタノールアミン緩衝剤、ボレート緩衝剤、グリシン緩衝剤、炭酸塩緩衝剤、Tris-HCl緩衝剤などが挙げられる。緩衝剤は互いに任意の割合で混合して用いることができる。抗原抗体反応は約0～約60°Cの間の温度で行うことが好ましい。

酵素などで標識されたモノクローナル抗体などの抗体試薬及び担体に結合せしめられた抗体試薬、さらには測定すべき物質のインキュベーション処理は、平衡に達するまで行うことができるが、抗原抗体反応の平衡が達成されるよりもずっと早い時点で固相と液相とを分離して限定されたインキュベーション処理の後に反応を止めることができ、液相又は固相のいずれかにおける酵素などの標識の存在の程度を測ることができる。測定操作は、自動化された測定装置を用いて行うことが可能であり、ルミネセンス・ディテクター、ホト・ディテクターなどを使用して基質が酵素の作用で変換されて生ずる表示シグナルを検知して測定するこ

ともできる。

抗原抗体反応においては、それぞれ用いられる試薬、測定すべき物質、さらには酵素などの標識を安定化したり、抗原抗体反応自体を安定化するように適切な手段を講ずることができる。さらに、非特異的な反応を除去し、阻害的に働く影響を減らしたり、あるいは測定反応を活性化したりするため、タンパク質、安定化剤、界面活性化剤、キレート化剤などをインキュベーション溶液中に加えることもできる。キレート化剤としては、エチレンジアミン四酢酸塩(EDTA)がより好ましい。

当該分野で普通に採用されていたりあるいは当業者に知られた非特異的結合反応を防ぐためのブロッキング処理を施してもよく、例えば、哺乳動物などの正常血清タンパク質、アルブミン、スキムミルク、乳発酵物質、コラーゲン、ゼラチンなどで処理することができる。非特異的結合反応を防ぐ目的である限り、それらの方法は特に限定されず用いることが出来る。

本発明の測定方法で測定される試料としては、あらゆる形態の溶液やコロイド溶液、非流体試料などが使用しうるが、好ましくは生物由来の試料、例えば胸腺、睪丸、腸、腎臓、脳、乳癌、卵巣癌、結腸・直腸癌、血液、血清、血漿、関節液、脳脊髄液、肺液、胆汁液、唾液、羊水、尿、その他の体液、細胞培養液、組織培養液、組織ホモジネート、生検試料、組織、細胞などが挙げられる。

これら個々の免疫学的測定法を含めた各種の分析・定量法を本発明の測定方法に適用するにあたっては、特別の条件、操作等の設定は必要とされない。それぞれの方法における通常の条件、操作法に当業者の通常の技術的配慮を加えて、本発明の当該対象物質あるいはそれと実質的に同等な活性を有する物質に関連した測定系を構築すればよい。

これらの一般的な技術手段の詳細については、総説、成書などを参照することができる〔例えば、入江 寛編、「ラジオイムノアッセイ」、講談社、昭和49年発行；入江 寛編、「続ラジオイムノアッセイ」、講談社、昭和54年発行；石川 栄治ら編、「酵素免疫測定法」、医学書院、昭和53年発行；石川 栄治ら編、「酵

素免疫測定法」（第2版），医学書院，昭和57年発行；石川栄治ら編，「酵素免疫測定法」（第3版），医学書院，昭和62年発行；H. V. Yunakis et al. (ed.) , "Methods in Enzymology", Vol. 70 (Immunochemical Techniques, Part A), Academic Press, New York (1980); J. J. Langone et al. (ed.), "Methods in Enzymology", Vol. 73 (Immunochemical Techniques, Part B), Academic Press, New York (1981); J. J. Langone et al. (ed.), "Methods in Enzymology", Vol. 74 (Immunochemical Techniques, Part C), Academic Press, New York (1981); J. J. Langone et al. (ed.), "Methods in Enzymology", Vol. 84 (Immunochemical Techniques, Part D: Selected Immunoassays), Academic Press, New York (1982); J. J. Langone et al. (ed.), "Methods in Enzymology", Vol. 92 (Immunochemical Techniques, Part E: Monoclonal Antibodies and General Immunoassay Methods), Academic Press, New York (1983); J. J. Langone et al. (ed.), "Methods in Enzymology", Vol. 121 (Immunochemical Techniques, Part I: Hybridoma Technology and Monoclonal Antibodies), Academic Press, New York (1986); J. J. Langone et al. (ed.), "Methods in Enzymology", Vol. 178 (Antibodies, Antigens, and Molecular Mimicry), Academic Press, New York (1989); M. Wilchek et al. (ed.), "Methods in Enzymology", Vol. 184 (Avidin-Biotin Technology), Academic Press, New York (1990); J. J. Langone et al. (ed.), "Methods in Enzymology", Vol. 203 (Molecular Design and Modeling: Concepts and Applications, Part B: Antibodies and Antigens, Nucleic Acids, Polysaccharides, and Drugs), Academic Press, New York (1991)などあるいはそこで引用された文献（それらの中にある記載はそれを参照することにより本明細書の開示に含められる）]。

本発明の抗p30抗体（抗ヒトp30抗体、抗マウスp30抗体など）、特にモノクローナル抗体を用いて、エピトープマッピングを行うこともでき、各エピトープを認識する抗体を用いれば当該タンパク質及びその関連ペプチド断片などの検知・測定を行うことができる。

当該タンパク質及びその関連ペプチド断片に対する抗体は、当該タンパク質に

による細胞接着、活性化型Rap1との結合、それに起因する様々な生理現象、生物活性の制御あるいは促進または抑制などの現象の検出及び／又は測定、さらには当該p30 タンパク質などの過剰あるいは減少により生ずる各種の生理活性物質あるいは生理現象又は生物現象の検出及び／又は測定、また、当該p30-Rap1相互作用を制御する因子や機構の研究・開発などに有用である。該抗体、特にモノクローナル抗体は、(i) 当該p30-Rap1の相互作用に起因する組織あるいは細胞が関連する障害、異常及び／又は疾患を検出したり、(ii)当該p30-Rap1の相互作用に起因する細胞の腫瘍化、細胞の移動、浸潤、遊走及び／又は転移あるいはその可能性を検出したり、(iii) 当該p30-Rap1の相互作用の関与する細胞接着あるいは細胞の遊走に関連して生ずる障害、異常及び／又は疾患あるいはその可能性を検出したり、(iv)当該p30 タンパク質の発現量を測定したり、(v) 活性化されたRap1とp30 との結合の変化を検出及び／又は測定したり、(vi)当該p30-Rap1結合などを制御する化合物などの探索をしたり、及び／又は(vii) 該当該p30 タンパク質産生を制御する化合物の活性の検知及び／又は測定をしたりなどするのに有用である。免疫応答、炎症、血管新生、血液凝固、創傷治癒、再生プロセス、癌化、癌細胞の浸潤、転移、自己免疫におけるプロセス、血液学的なプロセス、細胞の異常、組織の異常、がんの移動性、浸潤性、走化性及び／又は転移性の程度を知るのに使用できると期待される。

本発明に従えば、当該p30-Rap1間の結合による様々な生理活性あるいは生物活性による現象・作用の促進活性あるいは抑制・阻害活性を検出及び／又は測定し、組織の疾患予防・治療剤、抗炎症剤、抗がん剤、がん転移阻害剤、動脈硬化症治療剤、関節破壊治療剤、抗アレルギー剤及び／又は免疫抑制剤の効果判定モニターとして使用することが可能となる。

また、本発明では、当該タンパク質による組織・細胞あるいはタンパク質の異常化現象の検出及び／又は測定方法やそのための試薬が提供できる。

本発明のスクリーニング方法により見出される化合物は、細胞接着抑制、細胞遊走抑制、免疫抑制、サイトカイン産生抑制、アポトーシス発生抑制、細胞増殖抑制等の作用を有する。従って、それらの化合物は、抗炎症剤、免疫疾患治療剤

、癌転移抑制剤として使用することが可能である。それらの化合物の効果は以下に示す方法により確認することができる。これらは、本願で開示する発明の範囲を制限したり、あるいは制限することを示すものではない。

#### (1) 急性、慢性消化管潰瘍

急性モデルとしては、Shy潰瘍（幽門結紮潰瘍）、水浸拘束潰瘍、インドメタシン潰瘍、システアミン十二指腸潰瘍、壞死性物質による潰瘍に対する効果を検討する。慢性モデルとしては酢酸潰瘍に対する効果を検討する。

##### (1) 幽門結紮潰瘍

幽門結紮潰瘍の試験は参考文献3の第249頁の記載に従い行うことができる。

モデルの作製：ラット（140～200 g）を48時間または72時間絶食（但し、自由飲水）後、エーテル麻酔下で開腹し、幽門部を結紮する。閉腹の後、絶食絶水下に置く。被験物質の投与：幽門結紮直後に腹腔内または十二指腸内に投与する。

評価の方法：13～17時間後麻酔下に致死させ、摘出した胃を10 %中性緩衝ホルマリン水溶液で固定する。固定標本の粘膜面を水洗し、3 %酢酸水溶液に5分、1 %アルシアンブルー（3 %酢酸水溶液に溶解）液中20分浸漬して染色した後、3 %酢酸水溶液で洗浄する。アルシアンブルーにより染色された濃青色部位の面積を画像解析装置（汎用画像処理“Win ROOF”）を用いて測定、潰瘍面積とする。被験物質投与群と非投与群間で潰瘍面積を比較する。

##### (2) 水浸拘束潰瘍

水浸拘束潰瘍の試験は参考文献3の第249頁の記載に従い行うことができる。

モデルの作製：ラットの四肢を金網に縛り、立位で胸骨下縁まで冷水（23±0.2°C）に10～12時間浸す。

被験物質の投与：水浸拘束10分前に腹腔内または経口投与する。

評価の方法：水浸拘束終了後麻酔下に致死させ、前記(1) (1) の評価の方法と同様に行う。

##### (3) インドメタシン潰瘍

インドメタシン潰瘍の試験は参考文献3の第250頁の記載に従い行うことができる。

モデルの作製：ラット（22～230 g）を24時間絶食後、indomethacin (Sigma) 30 mg/kgを皮下投与する。

被験物質の投与：インドメタシン投与10分前に腹腔内または経口投与する。

評価の方法：インドメタシン投与8時間後に麻酔下で致死させ、前記〔1〕（1）の評価の方法と同様に行う。

#### （4）システアミン十二指腸潰瘍

システアミン十二指腸潰瘍の試験は参考文献3の第250頁の記載に従って行うことができる。

モデルの作製：ラット（Wistar雄性）を24時間絶食後、Cysteamine 300～400 mg/kgを皮下投与する。

被験物質の投与：インドメタシン投与10分前に腹腔内または経口投与する。

評価の方法：システアミン投与18時間後に麻酔下で致死させ、前記〔1〕（1）の評価の方法と同様に行う。

#### （5）壊死性物質による潰瘍

壊死性物質による潰瘍の試験は参考文献3の第251頁に記載の方法に従って行うことができる。

モデルの作製：ラットを24時間絶食・絶水後、純エタノール、0.6N HCl、25 % NaCl、80 mM酸性タウロコール酸または高温水を経口投与する。

被験物質の投与：壊死性物質投与30分前に腹腔内または経口投与する。

評価の方法：壊死性物質投与直後に麻酔下で致死させ、前記〔1〕（1）の評価の方法と同様に行う。

#### （6）酢酸潰瘍

酢酸潰瘍の試験は参考文献3の第251頁にモデルの作製に記載の方法に従って行うことができる。

動物モデル：ラットをエーテル麻酔下で開腹し、20 %酢酸液0.04～0.06 mlを前胃と腺胃部境界の粘膜下に注入する。

被験物質の投与：酢酸注入翌日から14日間反復経口投与する。

評価の方法：被験物質最終投与翌日に麻酔下で致死させ、前記〔1〕(1)の評価の方法と同様に行う。

### 〔2〕潰瘍性大腸炎

潰瘍性大腸炎の試験は参考文献5の記載の方法に従って行うことができる。

モデルの作製：ラットに3 % DSS（デキストラン硫酸ナトリウム）水溶液を11日間自由飲水させた後、引き続き、1 % DSS水溶液を14日間自由飲水させる。

被験物質の投与：1 % DSS水溶液投与期間に1日1回、14日間反復経口投与する。

評価の方法：13～17時間後麻酔下に致死させ、摘出した大腸を10 %中性緩衝ホルマリン水溶液で固定する。固定標本の粘膜面を水洗し、3 %酢酸水溶液に5分、1 %アルシアンブルー（3 %酢酸水溶液に溶解）液中20分浸漬して染色した後、3 %酢酸水溶液で洗浄する。アルシアンブルーにより染色された濃青色部位の面積を画像解析装置（汎用画像処理“Win ROOF”）を用いて測定、糜爛面積とする。被験物質投与群と非投与群間で糜爛面積を比較する。

### 〔3〕クローン病

クローン病の試験は参考文献6に記載の方法に従って行うことができる。

モデルの作製：ラットにTNBS（160 mg/kg in 50% ethanol）を回腸末端より注入し小腸炎を作製する。

被験物質の投与：小腸炎作製後に1日1回、7日間反復経口投与する。

評価の方法：小腸炎作製7日後麻酔下で致死させ、病理解剖学的検査（肉眼観察）を行う。また、ホルマリン固定後HE染色組織標本を作製（参考文献44、第10頁）し、病理組織学的検査（顕微鏡観察）を行う。両検査で認められた各病変毎に、認めず：0、軽微：0.5、軽度：1.0、中等度：2.0、高度：3.0の5段階に程度を分類し、数値化の後、群毎に数値を集計し、被験物質投与群と非投与群間

で比較する。

#### 〔4〕慢性閉塞性肺疾患（COPD）

慢性閉塞性肺疾患（COPD）の試験は参考文献7に記載の方法に従って行うことができる。

モデルの作製：モルモットに煙草主流煙発生装置（INH06-CIGR01（株）M.I.P.S）を用いて市販の煙草の主流煙を30分/日、5日/週で、4週間曝露する。

被験物質の投与：4週間の煙草煙曝露期間中1日1回反復経口投与する。

評価の方法：投与期間終了後麻酔下で致死させ、肺について病理解剖学的検査（肉眼観察）を行う。また、ホルマリン固定後HE染色組織標本を作製（参考文献19第10頁）し、病理組織学的検査（顕微鏡観察）を行う。両検査で認められた各病変毎に、認めず：0、軽微：0.5、軽度：1.0、中等度：2.0、高度：3.0の5段階に程度を分類し、数値化の後、群毎に数値を集計し、被験物質投与群と非投与群間で比較する。

#### 〔5〕癌転移（参考文献13）

癌転移の試験は参考文献13の記載に従って行うことができる。

モデルの作製：マウス（C57BL/6N、♀）尾静脈に、 $5 \times 10^4$ 個/0.2 mlのB16マウスマエラノーマ培養細胞懸濁液を投与する。

被験物質の投与：B16細胞投与日から21日後迄、反復経口または腹腔内投与する。

評価の方法：B16細胞投与21日後に麻酔下で致死させ、摘出した肺を10%中性緩衝ホルマリン水溶液で固定する。固定標本をスライスし、B16細胞の転移巣の数を肉眼で数える。被験物質投与群と非投与群間で転移巣数を比較する。

#### 〔6〕アトピー性皮膚炎

アトピー性皮膚炎の試験は参考文献14の記載に従って行うことができる。

モデルの作製：マウス（BALB/C）をDNP-OVA + Alum（Dinitrophenol-Ovalbumin + Aluminium hydroxide gel）を腹腔内投与して能動感作する。感作14日後

に耳介にDNFB (Dinitrofluorobenzene) を塗布して惹起する。

被験物質の投与：感作から惹起迄、惹起から検査迄または感作から検査までの3通りの期間で、反復経口または腹腔内投与する。

評価の方法：惹起1時間後、24時間後および8日後に耳介の厚さを測定する。被験物質投与群と非投与群間で耳介の厚さを比較する。

#### 〔7〕アレルギー性鼻炎

アレルギー性鼻炎の試験は参考文献2第225頁の記載に従って行うことができる。

モルモットに5 % ovalbumin 0.7 mlを筋注し感作する。感作14日後に麻酔下で気管を切開し、圧縮空気ボンベにより、500 ml/minの流速で37～40°Cに加温した空気を鼻腔側気管から鼻腔へ流出させ、鼻腔内圧を測定する。被験物質0.3 mlを鼻腔内に流入させた後、1 % ovalbumin 0.3 mlを気管より鼻腔内に流入させて惹起する。変化する鼻腔内圧を圧力トランスジューサーで測定し、被験物質投与群と非投与群間で比較する。

#### 〔8〕喘息

喘息の試験は参考文献16の記載に従い行うことができる。

モデルの作製：モルモット (Hartley系) に0.5ml OVA+Alum (10 µgOVA+10mgAlum) をDay1およびDay14に腹腔内投与して感作する。

被験物質の投与：最終感作14日後に被験物質を経口投与する。

評価の方法：被験物質投与30分後に、10mg/kgピリラミン（ヒスタミンH<sub>1</sub>拮抗剤）を、腹腔内投与する。その30分後に10mg/mlのOVA PBS(−)溶液を10分間吸入させて惹起する。OVA惹起4時間後に400 µg/mlのメサコリンを1分間吸入させた後、無拘束呼吸機能解析システムを用いて気道抵抗パラメータとしてPenhを計測し、被験物質投与群と非投与群間で比較する。

#### 〔9〕移植後拒絶症

##### (1) 異所性心臓移植

異所性心臓移植の試験は参考文献17の第44頁に記載の方法に従って行うことができる。

モデルの作製：ドナーラットをエーテル麻酔下で開胸し、下大静脈を結紮、大動脈、肺動脈を切離、大動脈から乳酸リングル（ヘパリン加、4℃、5 ml）を注入し肺動脈から排出させ灌流、上大静脈および肺静脈を纏めて結紮して心臓を摘出し、乳酸リングル中に保存する。レシピエントラットをエーテル麻酔下で移植部になる右頸部皮膚を切開、右外頸靜脈を切離して断端にカフ（血管吻合用チューブ、体部1.8 mm、支持部1.2 mm、O/D 1.34 mm）を装着、右総頸動脈を切離して断端にカフ（体部1.8 mm、支持部1.2 mm、O/D 0.99 mm）を装着する。レシピエントの総頸動脈に装着したカフをドナー心臓の大動脈に挿入・結紮、レシピエントの外頸靜脈とドナーの肺動脈も同様に吻合する。拍動安定後に移植心臓を包む様に皮膚を縫合し、覚醒させる。

被験物質の投与：モデル作製後から試験終了まで1日1回、経口、腹腔内または静脈内投与する。

評価の方法：皮下の移植心臓の触診、生存率を被験物質投与群と非投与群間で比較する。

#### [10] 関節リウマチ

関節リウマチの試験は参考文献18に記載の方法に従って行うことができる。

モデルの作製：マウス (DBA/1JNCrj) にコラーゲン (Type II collagen K-41、ウシ関節由来コラーゲン3 mg/ml含有)と等量のFCA (Freund Complete Adjuvant) の均質なエマルジョン(コラーゲン1.5 mg/ml)をマウス尾根部皮内に0.1 ml投与する。

被験物質の投与：モデル作製1週間後から9週間後まで1日1回反復経口投与する。

評価の方法：関節炎スコア [1週間に1回、四肢の全指関節について、関節炎スコア基準（変化なしが13、1指もしくは複数指におよぶ軽度の腫脹が14、1指もしくは複数指におよぶ中等度の腫脹が15、足全体におよぶ強度の腫脹あるいは関節の変形(強直を含む)を16）に従って採点し、点数を合計して各動物の関節

炎スコアとする。発症日数は関節炎スコア観察日のスコアが最初に1以上となつた日数を発症日数とする。被験物質投与群と非投与群間で関節炎スコアおよび発症日数を比較する。

#### [1.1] その他の対象疾患と効果試験法

前記以外の対象疾患に対する効果試験を表1に示す。

表1 疾患の分類と疾患名およびその試験方法

分類	対象疾患名	参考文献番号
(抗炎症剤や癌転移抑制剤 (細胞接着抑制、細胞遊走 抑制、サイトカイン産生抑 制、アポトーシス発生抑制 で効果が期待出来る疾患)	皮下浮腫	1
	ペーチェット病	1
	胸膜炎	1
	腹膜炎	1
	肺気腫	3
	肺水腫	3
	脳梗塞	8
	結節性動脈周囲炎	4
	敗血症性ショック	9
	ARDS	10
	多臓器不全(MOF)	11
	全身性炎症反応症候群(SIRS)	12
(免疫疾患治療剤 (免疫抑制で効果が期待 出来る疾患)	自然発症全身性進行性皮膚硬化症	2
	アレルギー性結膜炎	15
	自己免疫性葡萄膜炎	2
	糸球体腎炎	3
	間質性腎炎	3
	急性腎不全	3
	慢性腎不全	3
	全身性エリテマトーデス	2
	アレルギー性性臍脊髄炎	2
	多発性硬化症	2
	重症筋無力症	2
	シェーグレン症候群	2
	全身性自己免疫疾患	2

## 〔参考文献〕

- 1 : 「生物薬理科学実験講座」（炎症とアレルギー・第I～III巻）、（株）廣川書店
- 2 : 「(疾患別) モデル動物の作製と新薬開発のための試験・実験法」、（株）技術情報協会
- 3 : 「新薬開発のための動物モデル利用集成」、R & Dプランニング
- 4 : 「難治疾患のモデルと動物実験」（ヒト疾患との共通理解のために）、京極方久編、ソフトサイエンス社
- 5 : Kimura I, Kawasaki M, Nagahama S, Matsuda A, Kataoka M and Kokuba Y., "Determination of the acute moiety of BX661A, a new therapeutic agent for ulcerative colitis, by studying its therapeutic effect on ulcerative colitis induced by dextran sulfate sodium in rats". Arzneim.-Forsch./Drug Res 1998 48 (11) 11, 1091-1096.
- 6 : Tsujikawa T, Ohta N, Nakamura T, Satoh J, Uda K, Ihara T, Okamoto T, Araki Y, Andoh A, Sasaki M, Fujiyama Y, Bamba T., "Medium-chain triglycerides modulate ileitis induced by trinitrobenzene sulfonic acid". J Gastroenterol Hepatol. 1999 Dec;14(12):1166-72.
- 7 : Wright J L and Chung A., "A model of tobacco smoke-induced airway obstruction in the guinea pig". Chest 2002 121 5 188s-191s.
- 8 : Tamura A, Graham DI, McCulloch J, Teasdale GM., "Focal cerebral ischaemia in the rat: 1. Description of technique and early neuropathological consequences following middle cerebral artery occlusion". J Cereb Blood Flow Metab. 1981;1(1):53-60.
- 9 : Okamoto I, Abe M, Shibata K, Shimizu N, Sakata N, Katsuragi T, Tanaka K., "Evaluating the role of inducible nitric oxide synthase using a novel and selective inducible nitric oxide synthase inhibitor in septic lung injury produced by cecal ligation and puncture". Am J Respir Crit Care Med. 2000 Aug;162(2 Pt 1):716-22.

- 10 : van Helden HP, Kuijpers WC, Langerwerf PE, Langen RC, Haagsman HP, Bruijnzeel PL., "Efficacy of Curosurf in a rat model of acute respiratory distress syndrome". *Eur Respir J.* 1998 Sep;12(3):533-9.
- 11 : Cardinali M, Borrelli E, Chiara O, Lundberg C, Padalino P, Conciato L, Cafaro C, Lazzi S, Luzi P, Giomarelli PP, Agostoni A., "Inhibition of CD11—CD18 complex prevents acute lung injury and reduces mortality after peritonitis in rabbits". *Am J Respir Crit Care Med.* 2000 Mar;161(3 Pt 1):1022-9.
- 12 : Gloor B, Uhl W, Tcholakov O, Roggo A, Muller CA, Worni M, Buchler MW., "Hydrocortisone treatment of early SIRS in acute experimental pancreatitis". *Dig Dis Sci.* 2001 Oct;46(10):2154-61.
- 13 : Chirivi RG, Garofalo A, Crimmin MJ, Bawden LJ, Stoppacciaro A, Brown PD, Giavazzi R., "Inhibition of the metastatic spread and growth of B16-BL6 murine melanoma by a synthetic matrix metalloproteinase inhibitor". *Int J Cancer.* 1994 Aug 1;58(3):460-4.
- 14 : Satoh T, Tahara E, Yamada T, Watanabe C, Itoh T, Terasawa K, Nagai H, Saiki I., "Differential effect of antiallergic drugs on IgE-mediated cutaneous reaction in passively sensitized mice". *Pharmacology.* 2000 Feb;60(2):97-104.
- 15 : Magone MT, Chan CC, Rizzo LV, Kozhich AT, Whitcup SM., "A novel murine model of allergic conjunctivitis". *Clin Immunol Immunopathol.* 1998 Apr;87(1):75-84.
- 16 : Andersson P, Bergstrand H., "Antigen-induced bronchial anaphylaxis in actively sensitized guinea-pigs: effect of long-term treatment with sodium cromoglycate and aminophylline". *Br J Pharmacol.* 1981 Nov;74(3):601-9.
- 17 : 図解・実験動物技術集 II 日本実験動物技術者協会編、有限会社アドスリー、平成10年6月10日初版発行
- 18 : Kato F, Nomura M, Nakamura K., "Arthritis in mice induced by a si

ngle immunisation with collagen". Ann Rheum Dis. 1996 Aug;55(8):535-9.

19 : 「染色法の全て」、月刊Medical Technology編、医歯薬出版株式会社、昭和55年3月15日第1版第1刷発行

本発明の活性成分 [例えば、(a) 当該p30 関連ポリペプチド、その一部のペプチドまたはそれらの塩、変異p30 ペプチドやそれに関連するペプチド等、(b) 該当該p30 やRap1タンパク質あるいは当該ポリペプチドをコードするDNA などの核酸等、(c) 本発明の抗体、その一部断片 (モノクローナル抗体を包含する) またはその誘導体、(d) 当該p30 とRap1との間の相互作用、例えば結合など、を制御する化合物 (当該結合を促進したりあるいは抑制・阻害するなどの現象、あるいは組織あるいはタンパク質の変質・過剰生産あるいは分解現象といった生物学的活性を促進あるいは抑制及び／又は阻害する化合物) またはその塩、当該p30 タンパク質産生を制御する化合物またはその塩、(e) 本発明で課題とするDNA などの核酸に対するアンチセンス・オリゴスクレオチドなど、(f) 本発明を使用して見出された活性物質など] を医薬として用いる場合、例えば当該p30 とRap1との間の結合阻害剤またはそれらの塩等は、通常単独或いは薬理的に許容される各種製剤補助剤と混合して、医薬組成物又は医薬調製物などとして投与することができる。好ましくは、経口投与、局所投与、または非経口投与等の使用に適した製剤調製物の形態で投与され、目的に応じていずれの投与形態 (吸入法、あるいは直腸投与も含まれる) によってもよい。

また、本発明の活性成分は、各種医薬、例えば抗腫瘍剤 (抗がん剤) 、腫瘍移転阻害剤、血栓形成阻害剤、関節破壊治療剤、鎮痛剤、消炎剤及び／又は免疫抑制剤と配合して使用することもでき、それらは、有利な働きを持つものであれば制限なく使用でき、例えば当該分野で知られたものの中から選択することができる。

そして、非経口的な投与形態としては、局所、経皮、静脈内、筋肉内、皮下、皮内もしくは腹腔内投与を包含し得るが、患部への直接投与も可能であり、またある場合には好適でもある。好ましくはヒトを含む哺乳動物に経口的に、あるいは

は非経口的（例、細胞内、組織内、静脈内、筋肉内、皮下、皮内、腹腔内、胸腔内、脊髄腔内、点滴法、注腸、経直腸、点耳、点眼や点鼻、歯、皮膚や粘膜への塗布など）に投与することができる。具体的な製剤調製物の形態としては、溶液製剤、分散製剤、半固体製剤、粉粒体製剤、成型製剤、浸出製剤などが挙げられ、例えば、錠剤、被覆錠剤、糖衣を施した剤、丸剤、トローチ剤、硬カプセル剤、軟カプセル剤、マイクロカプセル剤、埋込剤、粉末剤、散剤、顆粒剤、細粒剤、注射剤、液剤、エリキシル剤、エマルジョン剤、灌注剤、シロップ剤、水剤、乳剤、懸濁剤、リニメント剤、ローション剤、エアゾール剤、スプレー剤、吸入剤、噴霧剤、軟膏製剤、硬膏製剤、貼付剤、パスタ剤、パップ剤、クリーム剤、油剤、坐剤（例えば、直腸坐剤）、チンキ剤、皮膚用水剤、点眼剤、点鼻剤、点耳剤、塗布剤、輸液剤、注射用液剤などのための粉末剤、凍結乾燥製剤、ゲル調製品等が挙げられる。

医薬用の組成物は通常の方法に従って製剤化することができる。例えば、適宜必要に応じて、生理学的に認められる担体、医薬として許容される担体、アジュバント剤、賦形剤、補形剤、希釈剤、香味剤、香料、甘味剤、ベヒクル、防腐剤、安定化剤、結合剤、pH調節剤、緩衝剤、界面活性剤、基剤、溶剤、充填剤、增量剤、溶解補助剤、可溶化剤、等張化剤、乳化剤、懸濁化剤、分散剤、増粘剤、ゲル化剤、硬化剤、吸収剤、粘着剤、弹性剤、可塑剤、崩壊剤、噴射剤、保存剤、抗酸化剤、遮光剤、保湿剤、緩和剤、帯電防止剤、無痛化剤などを単独もしくは組合せて用い、それとともに本発明のタンパク質等を混和することによって、一般に認められた製剤実施に要求される単位用量形態にして製造することができる。

非経口的使用に適した製剤としては、活性成分と、水もしくはそれ以外の薬学的に許容し得る媒体との無菌性溶液、または懸濁液剤など、例えば注射剤等が挙げられる。一般的には、水、食塩水、デキストロース水溶液、その他関連した糖の溶液、エタノール、プロピレングリコール、ポリエチレングリコールなどのグリコール類が好ましい注射剤用液体担体として挙げられる。注射剤を調製する際は、蒸留水、リンゲル液、生理食塩液のような担体、適当な分散化剤または湿化剤及び懸濁化剤などを使用して当該分野で知られた方法で、溶液、懸濁液、エマ

ルジョンのごとき注射しうる形に調製する。

注射用の水性液としては、例えば生理食塩液、ブドウ糖やその他の補助薬（例えば、D-ソルビトール、D-マンニトール、塩化ナトリウムなど）を含む等張液などが挙げられ、薬理的に許容される適当な溶解補助剤、たとえばアルコール（たとえばエタノールなど）、ポリアルコール（たとえばプロピレングリコール、ポリエチレングリコールなど）、非イオン性界面活性剤（たとえばポリソルベート80<sup>TM</sup>, HCO-50など）などと併用してもよい。油性液としてはゴマ油、大豆油などが挙げられ、溶解補助剤として安息香酸ベンジル、ベンジルアルコールなどと併用してもよい。また、緩衝剤（例えば、リン酸塩緩衝液、酢酸ナトリウム緩衝液など）又は浸透圧調節のための試薬、無痛化剤（例えば、塩化ベンザルコニウム、塩酸プロカインなど）、安定剤（例えば、ヒト血清アルブミン、ポリエチレングリコールなど）、保存剤（例えば、ベンジルアルコール、フェノールなど）、アスコルビン酸などの酸化防止剤、吸収促進剤などと配合してもよい。調製された注射液は通常、適当なアンプルに充填される。

非経口投与には、界面活性剤及びその他の薬学的に許容される助剤を加えるか、あるいは加えずに、水、エタノール又は油のような無菌の薬学的に許容される液体中の溶液あるいは懸濁液の形態に製剤化される。製剤に使用される油性ベヒクルあるいは溶剤としては、天然あるいは合成あるいは半合成のモノあるいはジあるいはトリグリセリド類、天然、半合成あるいは合成の油脂類あるいは脂肪酸類が挙げられ、例えばピーナッツ油、トウモロコシ油、大豆油、ゴマ油などの植物油が挙げられる。例えば、この注射剤は、通常本発明化合物を0.1～10重量%程度含有するように調製することができる。

局所的、例えば口腔、又は直腸的使用に適した製剤としては、例えば洗口剤、歯磨き剤、口腔噴霧剤、吸入剤、軟膏剤、歯科充填剤、歯科コーティング剤、歯科ペースト剤、坐剤等が挙げられる。洗口剤、その他歯科用剤としては、薬理的に許容される担体を用いて慣用の方法により調製される。口腔噴霧剤、吸入剤としては、本発明化合物自体又は薬理的に許容される不活性担体とともにエアゾー

ル又はネブライザー用の溶液に溶解させるかあるいは、吸入用微粉末として歯などへ投与できる。軟膏剤は、通常使用される基剤、例えば、軟膏基剤（白色ワセリン、パラフィン、オリーブ油、マクロゴール400、マクロゴール軟膏など）等を添加し、慣用の方法により調製される。

歯、皮膚への局所塗布用の薬品は、適切に殺菌した水または非水賦形剤の溶液または懸濁液に調剤することができる。添加剤としては、例えば亜硫酸水素ナトリウムまたはエデト酸二ナトリウムのような緩衝剤；酢酸または硝酸フェニル水銀、塩化ベンザルコニウムまたはクロロヘキシジンのような殺菌および抗真菌剤を含む防腐剤およびヒプロメルローズのような濃厚剤が挙げられる。

坐剤は、当該分野において周知の担体、好ましくは非刺激性の適当な補形剤、例えばポリエチレングリコール類、ラノリン、カカオ脂、脂肪酸トリグリセライド等の、好ましくは常温では固体であるが腸管の温度では液体で直腸内で融解し薬物を放出するものなどを使用して、慣用の方法により調製されるが、通常本発明化合物を0.1～95重量%程度含有するように調製される。使用する賦形剤および濃度によって薬品は、賦形剤に懸濁させるかまたは溶解させることができる。局部麻酔剤、防腐剤および緩衝剤のような補助薬は、賦形剤に溶解可能である。

経口的使用に適した製剤としては、例えば錠剤、丸剤、カプセル剤、粉末剤、顆粒剤、トローチのような固形組成物や、液剤、シロップ剤、懸濁剤のような液状組成物等が挙げられる。製剤調製する際は、当該分野で知られた製剤補助剤などを用いる。錠剤及び丸剤はさらにエンテリックコーティングされて製造されることもできる。調剤単位形態がカプセルである場合には、前記タイプの材料にさらに油脂のような液状担体を含有することができる。

また、活性成分がタンパク質やポリペプチドである場合、ポリエチレングリコール (PEG) は、哺乳動物中で極めて毒性が低いことから、それを結合させることは特に有用である。また、PEG を結合せしめると、異種性化合物の免疫原性及び抗原性を効果的に減少せしめることができる場合がある。該化合物は、マイクロカプセル装置の中に入れて与えててもよい。PEG のようなポリマーは、アミノ末端

のアミノ酸の $\alpha$ -アミノ基、リジン側鎖の $\varepsilon$ -アミノ基、アスパラギン酸又はグルタミン酸側鎖のカルボキシル基、カルボキシ末端のアミノ酸の $\alpha$ -カルボキシル基、又はある種のアスパラギン、セリン又はトレオニン残基に付着したグリコシル鎖の活性化された誘導体に、簡便に付着させることができる。

タンパク質との直接的な反応に適した多くの活性化された形態のPBG が知られている。タンパク質のアミノ基と反応させるのに有用なPBG 試薬としては、カルボン酸、カルボネート誘導体の活性エステル、特に、脱離基がN-ヒドロキシスクシンイミド、p-ニトロフェノール、イミダゾール、又は1-ヒドロキシ-2-ニトロベンゼン-4-スルフォネートであるものが挙げられる。同様に、アミノヒドラジン又はヒドラジド基を含有するPBG 試薬は、タンパク質中の過ヨウ素酸酸化によって生成したアルデヒドとの反応に有用である。

さらに、本発明のDNA などの核酸を上記したような治療及び／又は予防剤として用いる場合、該核酸はそれを単独で用いることもできるし、あるいは上記したような遺伝子組換え技術で使用される適当なベクター、例えばレトロウイルス由来ベクターなどウイルス由来のベクターなどに結合させるなどして用いることができる。本発明のDNA などの核酸は通常の知られた方法で投与でき、そのままで、あるいは、例えば細胞内への摂取が促進されるように、適当な補助剤あるいは生理的に許容される担体などと共に、製剤化されて用いることができ、上記したような、医薬組成物又は医薬調製物などとして投与することができる。また遺伝子治療として知られた方法を適用することもできる。

本発明の活性成分は、その投与量を広範囲にわたって選択して投与できるが、その投与量及び投与回数などは、処置患者の性別、年齢、体重、一般的健康状態、食事、投与時間、投与方法、排泄速度、薬物の組み合わせ、患者のその時に治療を行なっている病状の程度に応じ、それらあるいはその他の要因を考慮して決められる。

医薬品製造にあたっては、その添加剤等や調製法などは、例えば日本薬局方解説書編集委員会編、第十四改正 日本薬局方解説書、平成13年6月27日発行、株

式会社廣川書店；一番ヶ瀬 尚 他編 医薬品の開発12巻（製剤素剤〔I〕）、平成2年10月15日発行、株式会社廣川書店；同、医薬品の開発12巻（製剤素材〔II〕）平成2年10月28日発行、株式会社廣川書店などの記載を参考にしてそれらのうちから必要に応じて適宜選択して適用することができる。

本発明の活性成分は、当該p30 とRap1との間の相互作用活性（例えば、結合活性などの生物活性など）を制御（促進あるいは抑制・阻害）するといった生物学的活性をもつものであれば特に限定されないが、好ましくは有利な作用を持つものが挙げられる。本発明の活性成分は、例えば、(a) 当該改変p30 タンパク質、その変異体ポリペプチド、その一部のペプチドまたはそれらの塩等、(b) 該当該タンパク質をコードするDNA 、当該タンパク質変異体ポリペプチドをコードするDNA などの核酸等、(c) 本発明の抗体、その一部断片（モノクローナル抗体を包含する）またはその誘導体、(d) 当該p30 とRap1との間の相互作用に起因する生体成分との間の相互作用を制御（促進あるいは抑制・阻害）するといった生物学的活性に有利な作用をもつ化合物またはその塩などが含まれる。

本発明の活性成分は、当該p30 とRap1との間の相互作用に起因する各種組織あるいは細胞における変化を制御（促進あるいは抑制・阻害）するのに有用と期待される。また、該活性成分は、当該p30 あるいは活性化型Rap1の活性発現の制御、さらにはp30-Rap1結合の制御（促進あるいは抑制・阻害）に有用であり、当該相互作用に起因する障害、異常及び／又は疾患の予防あるいは治療に有用である。また、当該p30-Rap1結合が関与する腫瘍細胞などの、例えば移動、浸潤、遊走及び／又は転移の制御、例えば抑制に有用であると期待される。

本発明の活性成分は、例えばp30-Rap1結合阻害剤は、炎症疾患、自己免疫疾患、臓器移植時の拒絶反応の抑制、癌などを処置するための薬剤として有用であり、例えば胃潰瘍、十二指腸潰瘍、急性肺炎、気管支炎、ARDS（急性呼吸窮迫症候群）、COPD（慢性閉塞性肺疾患）、敗血症性ショック、MOF（多臓器不全）、SIRS（全身性炎症反応症候群）、全身性エリテマトーデス、混合型結合組織病、慢性関節リウマチ、シェーグレン症候群、リウマチ熱、グッドパスチャー症候群、バセドウ病、橋本病、アジソン病、自己免疫性溶血性貧血、特発性血小板減少性

紫斑病、重症筋無力症、潰瘍性大腸炎、クローン病、交換性眼炎、多発性硬化症、乾癬、アレルギー性鼻炎、喘息などを処置するため、臓器移植時の拒絶反応の抑制のため移植前処理、移植後投与のため、さらには発癌抑制、転移抑制などのために使用できると期待される。

本発明のRap1とp30との相互作用及び／又は結合を促進あるいは阻害する化合物またはその塩（例えば、式(I)の化合物など）の投与量は、対象疾患、投与対象、投与ルートなどにより差異はあるが、経口投与する場合、 $10\text{ }\mu\text{g}\sim10\text{g/kg}$ 、好ましくは $100\text{ }\mu\text{g}\sim1\text{g/kg}$ 、より好ましくは $1\text{mg}\sim100\text{mg/kg}$ 投与する。点滴静注する場合は、 $0.01\text{ }\mu\text{g}\sim1\text{g/kg/hr}\times6\text{hr}$ 、好ましくは $0.1\text{ }\mu\text{g}\sim100\text{mg/kg/h}\times6\text{hr}$ 、より好ましくは $1\text{ }\mu\text{g}\sim10\text{mg/kg/hr}\times6\text{hr}$ 投与する。単回静注する場合は、 $1\text{ }\mu\text{g}\sim1\text{g/kg}$ 、好ましくは $10\text{ }\mu\text{g}\sim100\text{mg/kg}$ 、より好ましくは $100\text{ }\mu\text{g}\sim10\text{mg/kg}$ 投与する。腹腔内に投与する場合は、 $1\text{ }\mu\text{g}\sim10\text{g/kg}$ 、好ましくは $10\text{ }\mu\text{g}\sim1\text{g/kg}$ 、より好ましくは $100\text{ }\mu\text{g}\sim100\text{mg/kg}$ 投与する。

### 実施例

以下に実施例を掲げ、本発明を具体的に説明するが、この実施例は単に本発明の説明のため、その具体的な態様の参考のために提供されているものである。これらの例示は本発明の特定の具体的な態様を説明するためのものであるが、本願で開示する発明の範囲を限定したり、あるいは制限することを表すものではない。本発明では、本明細書の思想に基づく様々な実施形態が可能であることは理解されるべきである。

なお、DNA の切断、連結、大腸菌の形質転換、遺伝子の塩基配列決定、ハイブリダイゼーション等一般の遺伝子組換えに必要な方法は、各操作に使用する市販の試薬、機械装置等に添付されている説明書や、実験書（例えば「Molecular cloning (Maniatis T. et al., Cold Spring Harbor Laboratory Press)」）に基づいて実施したもの、又は実施することのできるものであり、これは当業者にとり周知で慣用的なものである。

### 実施例 1

#### (Rap1会合分子p30の単離)

Rap1に会合する分子を同定するため、Rap1の活性化型変異体Rap1V12をbaitに酵母Two-hybrid法によってヒト白血球cDNAライブラリをスクリーニングした。その結果、Ras/Rap結合ドメイン(RBD)をもつ分子量3万の蛋白質をコードする分子を単離し、p30と命名した(図1)。データベースの検索によりp30はNorelとRBDドメインを含んでC末端側までアミノ酸が一致していた(図1)。ヒトゲノムデータベースの解析から、p30はNorelのalternative splicing productであることがわかった。RT-PCR法によりマウスp30cDNAも単離した。

p30がRap1に結合するかどうか検討した。そのためRap1のN-末端側をGSH(glutathione-S-transferase)と融合させた蛋白質(GST-Rap1)を大腸菌で產生させ、グルタチオン結合カラムを用いて精製した。またp30cDNAのN-末端側にMycエピトープを付加したMyc-p30遺伝子をCOS細胞にトランスフェクションしてp30を大量に発現している可溶化物を作成した。Rap1はGTPと結合すると活性化型になり、GDPと結合すると不活性型になるので、GST-Rap1をGTPgS、GDPbSとそれぞれ結合させ、活性化型と不活性型を用意し、Myc-p30を含むCOS細胞可溶化物と混合した。その後4°Cで2時間転倒混和後、グルタチオン結合ビーズを加えてGST-Rap1を回収した。Rap1に結合したmyc-p30の検出は、一次抗体に抗MycマウスIgG2a抗体(Cell Signaling)を用い、二次抗体にHRP標識の抗マウスIgG(Sigma)を用いて、ECL化学発光法で化学発光用フィルム(Amersham)を感光させて検出した(図2)。その結果、p30は活性化型Rap1特異的に結合することが明らかになった。活性化型Rap1に結合する性質から、p30はRap1の活性化に伴って機能する分子であることが考えられた。

### 実施例 2

#### (RT-PCR法によるp30の組織発現分布)

p30の各組織での発現をみるため、RT-PCR法によってp30mRNAの発現を調べた。また類似分子Norelの発現も比較検討した。脳、心臓、肺、肝臓、腎臓、脾臓からRNAを抽出し、cDNAを合成後、PCR法によってp30(P)とNorel(N)cDNAを

検出した(図3A)。mRNA量のコントロールとしてグルコース3リン酸脱水素酵素(G3PDH)を用いた。その結果、p30は脾臓と肺で強く発現がみられた。それに對してNorel1は脳で主に発現していた。さらに種々の血液、免疫細胞株等での発現を同様の手法で調べたところ、p30は骨髄系(HL60, U937)、Tリンパ球(Jurkat, Molt4)、Bリンパ球系(BaF3, A20, Nalm6)の細胞株に発現し、メラノーマ細胞(B16)では発現していなかった。それに対して、Norel1はこれらの細胞で発現はみられず、メラノーマ細胞(B16)で発現が確認された。また未分化骨髄系細胞HL60はレチノイン酸処理によって好中球に分化するが、RT-PCR法により、p30mRNAの発現が増強した(HL60RA)ことが確認された。

### 実施例3

(p30に対するモノクローナル抗体の作成)

p30蛋白質の発現を調べるためモノクローナル抗体の作成を行った。

マウスp30cDNAをpGEXベクター(Amersham Pharmacia)にsubcloningし、大腸菌(BL21)導入後、mp30のN末端側にGSTを融合させたGST-mp30を産生させた。導入したBL21をLB培地400ml、30°Cで増殖させ、OD<sub>600</sub> 0.5に達した時点でIPTG(0.2mM, Amersham Pharmacia)を加え、さらに4時間培養した。BL21を6000回転で沈殿させ、PBSで一回洗浄後、PBS 5mlで懸濁後、超音波破碎装置(トミー精工、UD-200)で出力6、15秒間4回の条件で破碎する。9000回転で遠心後、上清をグルタチオンカラム(Amersham Pharmacia)に結合させ、100mlのPBSで洗浄後、グルタチオン(5mM)で溶出し、PBSに対して透析し精製抗原とした。

精製GST-humanp30と完全アジュバント(Difco)を混合し、ラット(WKY/NCrj、雌8週齢、オリエンタルバイオサービス)の足底皮内に0.2mg/0.1ml注射した。

1週間後、不完全アジュバント(Difco)と混合したGST-mp30(0.1mg/0.1ml)を再び足底に注射した。5日後、腸骨リンパ節を採取し、ミエローマ細胞株Sp2/0とポリエチレングリコールを用いた細胞融合を行い、HAT培地(GibcoBRL)にてハイブリドーマの培養を行った(モノクローナル抗体作製マニュアル、多田伸彦著、学際企画、1995年)。12日後、培養上清を回収し、p30に対する抗体をELISA法によって測定した。

ELISAに用いる抗原としてMBP(maltose-binding protein)と融合したMBP-hp30を大腸菌で産生させ精製したものを使用した。MBP-hp30は、human p30 cDNAをpMLベクター (New England Biolabs) にsubcloningし、マルトース結合蛋白質との融合蛋白質を作製した (pML Protein Fusion and Purification System, New England Biolabs)。MBP-hp30 (0.2mg/0.2ml/well)を96穴プレートに固相化し、サンドイッチ法にて培養上清中の抗体を検出した (モノクローナル抗体作製マニュアル、多田伸彦著、学際企画、1995年)。陽性であった上清についてhuman p30 cDNAをトランスフェクトしたCOS細胞を用いたウエスタンプロット法、及び免疫染色によって検定した。これらのアッセイで陽性であった6個のハイブリドーマについて限界希釈し、クローン化した。エピトープマッピングするため、p30のN末端欠失 (RBDドメイン以降を含む)、C末端欠失 (N末端とRBDドメインを含む)、RBDドメイン欠失 (N末端とC末端のみ含む) 変異体をCOS細胞に発現させ、ウエスタン法にて検定したところ、N末端を認識するもの4つ (B1.2, B3.7, E11.2, G7.3) と、C末端を認識するもの2つ (B4.1, H10.5) であった。C末端を認識する抗体はNore1にも反応したが、N末端を認識する抗体4つすべてNore1に反応せず、p30特異的抗体であることがわかった。血液、免疫系細胞株、及び、リンパ節から精製したTリンパ球、Bリンパ球に対する、抗p30特異抗体E11.2を用いたウエスタンプロットの結果を示す (図3B)。HL60をレチノイン酸で処理して好中球に分化させた細胞(HL60 RA)、vitaminD3 (1mM)とTPA (10 ng/ml)で刺激してマクロファージに分化させた細胞(HL60 D3+T)ではHL60と比較してp30の発現が増加していた。Na1m6 (Bリンパ球系)、Molt4、Jurkat (Tリンパ球系)、K562(赤芽球系)、TF-1 (骨髄系) で発現が認められた。 (図3B)

#### 実施例4

##### (細胞遊走に与えるp30の効果)

###### (1) 野生型のp30とRap1とを共に発現させた場合の細胞遊走

p30が活性化型Rap1 (Rap1V12) やケモカインによる細胞遊走にどのような影

響をあたえるか調べるため、ヒトLFA-1を発現させたproB細胞株BAFにp30、Rap1V12、Rap1V12とp30の両方を発現させたBAF細胞を作成し、ICAM-1上での細胞遊走を測定した。用いたICAM-1としてヒトICAM-1細胞外領域をヒト免疫グロブリンFc領域と融合させた蛋白質(hICAM-1-Fc)を用いた。細胞遊走はBiopTechs社の $\Delta T$  Culture Dishシステム( $\Delta T$  Culture Dish system, Biotech, Inc)を用いた。径6cmの温度制御プレート上に ICAM-1(0.1mg/ml)を固相化し作成したBAF細胞を加え、20分間37°Cでビデオ撮影した。それぞれの実験で移動距離を細胞20個について測定し、平均速度を計算した。その結果、Rap1V12はICAM-1上での細胞移動速度を増加させ、p30はさらにその効果を増強させた(図4)。

(2) p30のRBDドメインの変異体をRap1と共に発現させた場合の細胞遊走  
この系においてp30の増強効果がRap1と結合することによって起こるのかどうか調べるため、p30のRBDドメイン変異体(p30RBDm)を作成した。p30RBDmはRBDドメインで保存されいる7つのアミノ酸、すなわち123番リジン、124番アルギニン、135番リジン、154番リジン、155番リジン、160番アスパラギン酸、161番アスパラギンをアラニンに置換した変異体である。このp30RBDmは野生型同様に発現するが、野生型と異なりGTP・Rap1に結合できない。Rap1V12とp30RBDmをBAF細胞に発現させ、ICAM-1上での移動速度を測定したところ、増強効果はみられなかった。従って、p30のRap1V12による細胞移動を促進する効果はRap1と結合することが必要であることがわかった。

次にケモカインによる細胞遊走への効果を検定した。ヒトLFA-1を発現させたBAF細胞にp30とp30RBDmを導入し、ICAM-1上での細胞移動をSDF-1(CXCL12)(20nM)存在下に上記の方法で測定した。その結果、p30はSDF-1刺激による細胞遊走を約2倍に亢進した。一方、p30RBDmにはその効果がみられなかった。以上のことから、p30はRap1に結合してケモカインによる細胞遊走を亢進させる作用があることが明らかになった(図5)。

### 実施例5

(p30によるLFA-1接着制御)

p30がRap1の下流エフェクター分子として、接着上昇作用に関与する可能性を探るため、p30を3A9T細胞へ過剰発現させ、3A9T細胞のLFA-1を介するICAM-1への接着活性への影響をadhesion assayにより検討した。すなわち、マウスICAM-1の細胞外領域をヒト免疫グロブリンFc領域に融合させ、2量体にしたキメラ蛋白質を作成し、プレート上に固相化し、細胞のICAM-1への接着活性を測定した。細胞はBCECF-AM (Molecular Probe)で蛍光色素でラベルし、ICAM-1 (0.1 mg/ml) を固相化したプレート上で、37°Cで30分インキュベートした。Input細胞数、およびプレートを3回以上洗った後に残った細胞数（接着した細胞数）を蛍光リーダー(Cytofluor 4000, Perseptive Biosystems)で測定し、input細胞に対する接着した細胞の割合をその細胞の接着活性とした。その結果、3A9T細胞でのp30の発現量に応じて、LFA-1のICAM-1に対する接着活性が上昇することがわかった（図6 A）。

またp30がRap1の下流で、接着に関与しているとすれば、p30への結合活性を失ったRap1のmutantでは、接着の上昇は認められないはずである。Rap1のeffect or領域と呼ばれるアミノ酸配列が、p30を始めとする、Rap1の下流effector分子が結合する領域であることが、判明している。そこで活性型Rap1V12のこの領域にpoint mutationを導入した。Rap1の35番スレオニンをグルタミン酸(T35E)、37番グルタミン酸をグリシン(E37G)、38番アスパラギン酸をグルタミン酸(D38E)、40番チロシンをシステイン(Y40C)に置換した変異体を作製した。Rap1V12との会合からE37Gはp30への結合活性を残しているが、T35E、D38E、Y40Cはp30に結合できないことがわかった。そこでこれらの変異体を3A9T細胞へ導入した。その結果、p30に結合活性を残すE37Gでのみ、LFA-1のICAM-1への接着の上昇が認められた（図6 B）。このことから、p30はRap1の下流で接着上昇に関与している可能性が示唆された。

TCR刺激によって誘導されるLFA-1/ICAM-1接着は、Rap1の活性化を介することが、Rap1の特異的阻害分子Spa-1を発現させると完全に抑制されることから、明かとなっている。従って、p30はRap1の下流で接着に関与するとしたら、TCRを

介するLFA-1/ICAM-1接着を抑制すると予想される。そこで、p30の変異体を作成し、優勢抑制型に機能する変異体(deltaNp30)を作製した。deltaNp30はp30のN末端から100 アミノ酸欠失させて作製した。3A9T細胞へ導入し、TCR刺激によるLFA-1/ICAM-1接着を検討した。その結果、図6Cに示すように、deltaNp30は発現量依存性に、TCR刺激によるLFA-1のICAM-1への接着を抑制することが判明した。

以上の結果より、p30はRap1の下流で、LFA-1/ICAM-1を介した細胞接着に重要な役割を果たしていることが、明かとなった。

#### 実施例 6

(Rap1とp30との結合に及ぼすN-(2-エチルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル)シクロヘキサンカルボキサミド・ナトリウム塩・一水和物(化合物1)の影響)

##### (1)GST-Rap1ビーズの作成

GST-Rap1のフェュージョンタンパクの產生用プラスミドとしてpGEX-3X (Amersham Pharmacia Biotech) を使用した。配列番号:1で表されるRap1のコーディング配列を該ベクターのBamHI、EcoRIの制限酵素サイトの間に挿入した。その際、フレームを合わせるため、配列番号:1で表される塩基配列の5'末端ATGの前に2塩基対CCが付加されたようにした。その結果、該ベクターのBamHIサイトとRap1の連結は5'…GGATCCCCATG…3'となった。得られたGST-Rap1のフェュージョンタンパクの產生用プラスミドを、大腸菌に遺伝子導入した。プラスミドの組み込まれた大腸菌を培養し、0.2mM IPTG (イソプロピルチオガラクトピラノシド) にてタンパク產生誘導をかけて(30°C、2時間)大腸菌内にGST-Rap1タンパク質を産生させた。大腸菌を遠心分離にて回収しLysis buffer (100mM NaCl, 50mM Tris-HCl(pH7.5), 1% Triton X100, 2mM MgCl<sub>2</sub>, 0.1 TIU/ml Aprotinin)で溶解し、ソニケーションにて大腸菌膜を破壊した。その溶液を遠心分離し得られた上清にGlutathione Sepharose 4Bビーズ(Amersham)を加え4°Cで1時間反応させ、GST-Rap1ビーズを作成した。

### (2) p30可溶化物の調製

70%コンフルエントの293T細胞にp30-Myc tagのプラスミドをエレクトロポレーション法で導入した。導入した細胞を2日間培養し、遠心分離にて回収した。回収した細胞をLysis bufferで溶解し、遠心分離の後に上清を回収し p30 Lysateとした。

### (3) 結合阻害試験

GST-Rap1ビーズ25 μLをLoading buffer(25mM Tris-HCl(pH7.5), 2mM EDTA, 2.5mM MgCl<sub>2</sub>, 1mM DTT)で洗浄し、2mM GTP γ s(sigma)を加えて37°C 15分インキュベートしRap1を活性化した。ここに250 μLのp30 Lysateを加えて4°Cで30秒間反応させた。この30秒の反応直前に終濃度1 μMとなるようにN-(2-エチルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル)シクロヘキサンカルボキサミド・一ナトリウム塩・一水和物（化合物1）を加えた。反応後Lysis bufferで4回洗浄し、遠心で沈殿したビーズに25 μLの通常のサンプルバッファーを加えてSDS-PAGEのサンプルとした。このサンプルをSDS-PAGEにかけてウエスタンブロッティングを行った。P30 の検出は一次抗体に抗MycマウスIgG2a抗体(Cell Signaling)を用い、二次抗体にHRP標識の抗マウスIgG(Sigma)を用いて、ECL化学発光法で化学発光用フィルム(Amersham)を感光させて検出した。

化学発光用フィルムを感光させて得られたバンドを画像解析ソフト (win Roof 、三谷商事) を用いて定量化した。即ち、比較すべきp30 のバンドを二値化処理により抽出し、輝度×面積のカテゴリーの体積を比較した。

化合物1の1 μM処理区において、この値は、無添加区に比し著しく低い値となった(図7)。このことから化合物1はRap1とp30との結合を阻害すると考えられる。

前記方法によれば、Rap1とp30 との結合を阻害する有用な化合物のスクリーニングを行なうことが可能と考えられる。

同様にして、例えば特開平6-263735号公報に開示の各種ジアミノトリフルオロメチルピリジン誘導体を使用してその活性をスクリーニングできる。

### 実施例 7

#### (1) p30による微小管の発達

p30 の微小管細胞骨格への影響をみるために3A9T細胞にヒトp30 の遺伝子を導入した。3A9T細胞とp30 を導入した細胞(3A9/p30) を3.3%パラホルムアルデヒドで15分、室温で固定後、ポリLリジンをコートしたスライドにマウントした。PBS で洗浄後、2mM MgCl<sub>2</sub> を添加したPBS/0.2% Tx-100 を加え、5分間インキュベートした。PBS で洗浄後、5 %ヤギ血清で20分間ブロッキングした。その後、マウス抗チューブリン抗体 (1%BSA で500倍希釈) を加え、1時間インキュベートした。4回PBS/0.1%BSA で洗浄後、400 倍希釈Alexa488ラベルヤギ抗マウスIgG (Molecular Probe) を加え、1時間インキュベートした後、4回PBS/0.1%BSA で洗浄、共焦点レーザー顕微鏡で観察した(図8)。その結果、p30 を導入すると細胞の形態が変形し、微小管の発達が著しく亢進していることが明らかになった。このことからp30 は微小管を発達させる作用があることがわかった。

#### (2) T細胞と抗原提示細胞との接着におけるp30 とLFA-1 の局在

T 細胞と抗原提示細胞(APC) との接着形成はT 細胞の抗原認識を可能にする重要な接着であるが、この接着にはLFA-1/ICAM-1を介する。そこでこの接着におけるp30 とLFA-1 の局在を調べた。T 細胞としてHEL (hen egg lysozyme)特異的3A 9 T 細胞、APC としてCH27細胞を用いて検討した。CH27細胞 ( $1 \times 10^5$  /ml)をHEL 抗原 (100  $\mu\text{g}$ )を加えて16時間培養した。その後、同数の3A9 T細胞とCH27細胞 ( $1 \times 10^5$  /ml)を混ぜ、37度で30分インキュベートした。3.3%パラホルムアルデヒドで15分、室温で固定後、ポリLリジンをコートしたスライドにマウントした。PBS で洗浄後、2mM MgCl<sub>2</sub> を添加したPBS/0.2% Tx-100 を加え、3分間インキュベートした。PBS で洗浄後、5 %ヤギ血清で20分間ブロッキングした。ラット抗p30 抗体 (10  $\mu\text{g}/\text{ml}$ ) (E11.2)、を加え、1時間インキュベートした。4回PBS/0.1%で洗浄後、Alexa-546結合ラット抗マウスIgG(1%BSA で500倍希釈、Molecular Probe)を加え、1時間インキュベートした。ビオチン化マウス抗LFA-1 抗体 (1%BSA で100倍希釈 Pharmingen)。4回PBS/0.1%で洗浄後、1%BSA で100倍希釈したFITC- ラベル抗ビオチン抗体 (Jackson Labora

tory) を加え、1時間インキュベートした。4回PBS/0.1%で洗浄後、共焦点レーザー顕微鏡で観察した(図9：右下のp30の写真は白黒表示では黒くて判別がつかないが、カラー表示では赤いシグナルが中心部に観察できる、またLFA-ではグリーンのシグナルが確認される)。その結果、LFA-1とp30はT-APCの接着面に集積し、両者は共局在した(merge)。これはp30によるLFA-1制御の機能とよく合致した局在と考えられる。

### 実施例8

#### p30高発現トランスジェニックマウスの作製

##### (1)トランスジェニックマウスの作製に用いるDNA断片の調製

ライブラリーよりクローニングされたp30マウス対応遺伝子(配列番号：9)の両端に、EcoRIサイトを有するスペーサー配列を形成したDNA断片を作製し、CMV エンハンサー配列及びCAGプロモータ配列を有するベクターpCNX2(京都大学本庶教授より分譲)を EcoRI(タカラバイオ社製)で開裂したものに挿入した。次に該プラスミドをSal I-HindIIIで切開することにより、顕微注入に用いるDNA断片(3075bp)、即ちCMVエンハンサー配列及びCAGプロモータ配列の下流にp30遺伝子が発現可能な状態で連結されたものを調製した。

##### (2)マウスへの遺伝子導入

トランスジェニックマウス作製は、Gordon らの方法(1980. Proc. Natl. Acad. Sci. 77:7380-7384)の改良法で実施する。

先ず雌マウスC57BL/6N Crj(日本チャールスリバー)に対して過剰排卵誘起処理(妊娠馬血清性性腺刺激ホルモン5IUの投与とその後のヒト胎盤性性腺刺激ホルモン5IUの投与による)を行った後、同系統の雄マウスと同居させ交配する。翌朝、膣栓形成の見られる雌マウスから卵管を摘出し、前核期受精卵を採取する。

この受精卵の雄性前核に対して、遺伝子注入用マイクロキャピラリーを用い、上記で調製したDNA断片の溶液(TB緩衝液にて数ng/ $\mu$ Lに調製)を顕微注入する。注入処理後2～3時間CO<sub>2</sub>インキュベータ内で培養する。

培養後、形態的に正常な胚を選び、胚移植用の擬似妊娠雌マウス [Jcl : MCH( ICR) (日本クレア) ] の卵管に移植する。この擬似妊娠雌マウスとしては、発情期にある雌を輸精管結さつ雄マウスと一晩同居させ、翌朝腔栓形成が見られたものを使用する。卵管への胚移植は、麻酔した雌マウスの背部を切開し、卵巢を摘み上げ、卵管采と卵管膨大部の間を一部切開し、胚移植用のパストールピペット先端に充填された、胚を含んだ培養液、空気層、培養液をこの順に注入することで行う。

移植後、縫合措置をした雌マウス（仮腹）を隔離飼育用ビニールアイソレータ内へ導入し、自然分娩させ、離乳まで維持する。但し、出産予定日の午後までに出産が認められない場合は、子宮切断術による新生仔の摘出を実施し、得られた新生仔を予め別のアイソレータに準備した里親（特定病原体を保持しない：SPF）に付けて哺育させる。離乳時に仮腹または里親を用いて微生物学的検査を実施し、親のSPFが確認された産仔をSPF飼育室に導入し、遺伝子解析を実施する。遺伝子解析後、導入遺伝子を有する産仔を用いて次世代への導入遺伝子の伝達を確認する。

### (3)導入された遺伝子の解析

SPF飼育室へ導入後（離乳・SPF確認後）、得られた産仔の断尾を行う。尾部組織の採材は予め乾熱滅菌した専用ハサミで尾を先端より約10～15mmの位置で切斷し、滅菌済エッペンドルフチューブに入れ、解析時まで-80°Cで保管する。

凍結保管された前記尾部組織からプロテアーゼK処理法（アマシャムバイオサイエンス：cord;27-2537-01）によりDNAを抽出する。抽出されたDNAをテンプレートにしてp30遺伝子の5'側とすぐ下流のベクター部分の3'側に設計されたプライマー〔それぞれATGACCGTGGACAGCAGCATGAGCAGCGGG（配列番号11）及びTATT TGTGAGCCAGGGCATTGCCACACCA（配列番号12）〕を用い、PCRにより導入された前記遺伝子断片を有するマウスを確認する。このPCRにおいて1144bpの遺伝子断片が増幅されることにより、前記遺伝子の導入が確認される。更に、導入遺伝子の5'側に存在するCMV promoterに対するPCR〔プライマーとしてATCAATTACGGGGTCATT AG（配列番号13）及びTGTACTGCCAAGTAGGAAAG（配列番号14）を使用〕により

、導入遺伝子の確認を行う。このPCRにおいて320bpの遺伝子断片が増幅されることで前記遺伝子の導入が確認される。

以下に本明細書で使用しているDNA塩基配列について説明及び開示する。

- (1) myc-tag (細胞の中でタンパク質として作られ、myc に対する抗体でも検出できるようにするための配列で開始コドンを含む)

ATCGAACAGAAACTCATATCGGAGGGAGGATCTA [配列番号:7]

- (2) 野生型のp30 の塩基配列 (上記myc-tag をつける場合は、開始コドンATG に入れ替える)

ATGACCGTGG ACAGCAGCAT GAGCAGTGGG TACTGCAGCC TGGACGAGGA ACTGGAAGAC  
 TGCTTCCTCA CTGCTAAGAC TACCTTTTC AGAAATGCGC AGACCAAACA TCTTTCAAAG  
 AATGTCTGTA AACCTGTGGA GGAAACACAG CGCCCCGCCA CACTGCAGGA GATCAAGCAG  
 AAGATCGACA GCTACAACAC GCGAGAGAAG AACTGCCTGG GCATGAAACT GAGTGAAGAC  
 GGCACCTACA CGGGTTTCAT CAAAGTGCAT CTGAAACTCC GGCGGCCTGT GACGGTGCCT  
 GCTGGGATCC GGCCCCAGTC CATCTATGAT GCCATCAAGG AGGTGAACCT GGCGGCTACC  
 ACGGACAAGC GGACATCCTT CTACCTGCCCT TAGATGCCA TCAAGCAGCT GCACATCAGC  
 AGCACCACCA CCGTCAGTGA GGTCACTCCAG GGGCTGCTCA AGAAGTTCAT GGTTGTGGAC  
 AATCCCCAGA AGTTTGACT TTTAAGCGG ATACACAAGG ACGGACAAGT GCTCTTCCAG  
 AAACTCTCCA TTGCTGACCG CCCCTCTAC CTGCGCCTGC TTGCTGGGCC TGACACGGAG  
 GTCCTCAGCT TTGTGCTAAA GGAGAATGAA ACTGGAGAGG TAGAGTGGGA TGCCCTCTCC  
 ATCCCTGAAC TTCAGAACTT CCTAACAAATC CTGGAAAAAG AGGAGCAGGA CAAAATCCAA  
 CAAGTGCAAAGAAGTATGA CAAGTTAGG CAGAAACTGG AGGAGGCCTT AAGAGAATCC  
 CAGGGCAAAC CTGGGTAA [配列番号:3]

- (3) p30 の優勢抑制型 (N 末101 番目アラニンの前に開始コドン。ただし、図6 C で使用されているdeltaNp30 には前記myc-tag がついており、開始コドンと入れ替っている)

ATGGCTGGGATCC GGCCCCAGTC CATCTATGAT GCCATCAAGG AGGTGAACCT GGCGGCTACC  
 ACGGACAAGC GGACATCCTT CTACCTGCCCT TAGATGCCA TCAAGCAGCT GCACATCAGC

AGCACCACCA CGGTCAGTGA GGTCACTCCAG GGGCTGCTCA AGAAGTTCAT GGTTGTGGAC  
AATCCCCAGA AGTTTGCACT TTTAACCGG ATACACAAGG ACGGACAAGT GCTCTTCCAG  
AAACTCTCCA TTGCTGACCG CCCCTCTAC CTGCGCCTGC TTGCTGGGCC TGACACGGAG  
GTCCTCAGCT TTGTGCTAAA GGAGAATGAA ACTGGAGAGG TAGAGTGGGA TGCCTTCTCC  
ATCCCTGAAC TTCAGAACIT CCTAACAAATC CTGGAAAAAG AGGAGCAGGA CAAAATCCAA  
CAAGTGCAAA AGAAGTATGA CAAGTTAGG CAGAAACTGG AGGAGGCCTT AAGAGAATCC  
CAGGGCAAAC CTGGGTAA

〔配列番号:5に対応〕

### 産業上の利用可能性

本発明は、p30-Rap1間の相互作用により細胞の活性化及び情報伝達制御がなされているとの知見を利用する技術を提供している。本技術を利用すれば、p30-Rap1間の結合を阻害する化合物などのp30-Rap1間の相互作用制御物質をスクリーニングしたり、それに利用される試薬なども開発でき、さらに同定された阻害剤などのp30-Rap1結合制御剤は医薬として期待でき、抗炎症薬、免疫抑制剤、移植免疫抑制剤、抗癌剤などとして利用できる。さらに、改変p30 関連ペプチドや核酸、さらには抗p30 抗体などは、例えば細胞内で優勢抑制型に機能するもの、p30-Rap1間結合阻害の働きをもつものなどその有用性が高い。本技術・知識を利用して生体機能解析のための試薬、アッセイ法なども開発可能である。

本発明は、前述の説明及び実施例に特に記載した以外も、実行できることは明らかである。上述の教示に鑑みて、本発明の多くの改変及び変形が可能であり、従ってそれらも本件添付の請求の範囲の範囲内のものである。

### 【配列表フリーテキスト】

SEQ ID NO: 1, Human Rap1

SEQ ID NO: 3, Human RAPL (or Human p30)

SEQ ID NO: 5, Dominant-Negative Human RAPL

SEQ ID NO: 7, Nucleotide Sequence for Myc-tag

SEQ ID NO: 8, Peptide Sequence for Myc-tag

SEQ ID NO: 9, House Mouse RAPL (Region 104 to 901 of mRNA)

SEQ ID NO: 11, Description of Artificial Sequence: Oligonucleotide to ac

9 9

t as a primer for PCR

SEQ ID NO: 12, Description of Artificial Sequence: Oligonucleotide to ac  
t as a primer for PCR

SEQ ID NO: 13, Description of Artificial Sequence: Oligonucleotide to ac  
t as a primer for PCR

SEQ ID NO: 14, Description of Artificial Sequence: Oligonucleotide to ac  
t as a primer for PCR

## 請求の範囲

1. (1) (a) 配列番号:2で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有する活性型のポリペプチド、その部分ペプチドまたはその塩、及び、配列番号:2で表されるアミノ酸配列の12番目のグリシンがシバリンであるアミノ酸配列もしくは該点変異したアミノ酸酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含有する活性型のポリペプチドからなる群から選択される一つのポリペプチド、(b)配列番号:4で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドもしくはその部分ペプチドまたはその塩からなる群から選択される一つのポリペプチド、及び(c)試験試料とを接触させる工程、

(2)前記(a)群から選択される一つのポリペプチドと前記(b)群から選択される一つのポリペプチドとの相互作用及び／または結合の形成を検出する工程を含む、Rap1とp30との相互作用及び／または結合を促進あるいは阻害する化合物またはその塩のスクリーニング方法。

2. (1) (a) 群から選択される一つのポリペプチド、(b)群から選択される一つのポリペプチド及び試験試料とを接触させる工程、

(2) (a)群から選択される一つのポリペプチドと(b)群から選択される一つのポリペプチドとの相互作用及び／または結合の形成を検出する工程、

(3) これらのポリペプチドの相互作用及び／または結合を促進あるいは阻害する化合物を選択する工程

を含む請求項1に記載のスクリーニング方法。

3. (a)群から選択される一つのポリペプチド及び／または(b)群から選択される一つのポリペプチドが、他のペプチドと融合している請求項1または2に記載のスクリーニング方法。

4. (a)群から選択される一つのポリペプチド及び／または(b)群から選択される一つのポリペプチドが標識され、該標識を検出または測定することにより該ポリペプチドの結合の形成及び／または相互作用を検出する請求項1～3の

いずれか一に記載のスクリーニング方法。

5. (a)群から選択される一つのポリペプチドに結合した(b)群から選択される一つのポリペプチドを該(b)群のポリペプチドに対する一次抗体または該(b)のポリペプチドと融合した他のペプチドに対する一次抗体を用いて検出または測定することにより、これらのポリペプチドの相互作用及び／または結合の形成を検出する請求項1～3のいずれか一に記載のスクリーニング方法。

6. (b)群から選択される一つのポリペプチドに結合した(a)群から選択される一つのポリペプチドを該(a)群のポリペプチドに対する一次抗体または該(a)のポリペプチドと融合した他のペプチドに対する一次抗体を用いて検出または測定することにより、これらのポリペプチドの結合の形成及び／または相互作用を検出する請求項1～3のいずれか一に記載のスクリーニング方法。

7. (a)群から選択される一つのポリペプチドに結合した(b)群から選択される一つのポリペプチドを該(b)群のポリペプチドに対する一次抗体または該(b)のポリペプチドと融合した他のペプチドに対する一次抗体及び該一次抗体に対する二次抗体を用いて検出または測定することにより、これらのポリペプチドの結合の形成及び／または相互作用を検出する請求項1～3のいずれか一に記載のスクリーニング方法。

8. (a)群のポリペプチドが、配列番号:2で表されるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にグルタチオン-S-トランスフェラーゼを融合させたポリペプチドもしくは配列番号:2で表されるアミノ酸配列の12番目のグリシンがバリンであるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にグルタチオン-S-トランスフェラーゼを融合させたポリペプチドの活性型ポリペプチドまたはその塩のいずれかであり、(b)群のポリペプチドが、配列番号:4で表されるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にMycエピトープを融合させたポリペプチドまたはその塩である請求項1～3のいずれか一に記載のスクリーニング方法。

9. (a)配列番号:2で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチド、その部分ペプチドまたはその塩、及び、配列番号:2で表されるアミノ酸配列の12番目のグリシンがバリンであるアミノ酸配列もしくは該点変異したアミノ酸配列と実質的に同一のアミノ酸配列を含

有するポリペプチドからなる群から選択される一つのポリペプチドと(b) 配列番号:4で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドもしくはその部分ペプチドまたはその塩からなる群から選択される一つのポリペプチドとを含有してなる、Rap1とp30との相互作用及び/または結合を促進あるいは阻害する化合物またはその塩のスクリーニング用キット。

10. (a)群から選択される一つのポリペプチド及び/または(b)群から選択される一つのポリペプチドが、他のペプチドと融合している請求項9に記載のスクリーニング用キット。

11. (a)群から選択される一つのポリペプチド及び/または(b)群から選択される一つのポリペプチドが標識されている請求項9に記載のスクリーニング用キット。

12. (a)群のポリペプチドが、配列番号:2で表されるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にグルタチオン-S-トランスフェラーゼを融合させたポリペプチドもしくは配列番号:2で表されるアミノ酸配列の12番目のグリシンがバリンであるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にグルタチオン-S-トランスフェラーゼを融合させたポリペプチドまたはその塩のいずれかであり、(b)群のポリペプチドが、配列番号:4で表されるアミノ酸配列を有するポリペプチドのN-末端側にMycエピトープを融合させたポリペプチドまたはその塩である請求項9に記載のスクリーニング用キット。

13. 請求項1に記載のスクリーニング方法または請求項9に記載のスクリーニング用キットを用いて得られるRap1とp30との相互作用及び/または結合を促進あるいは阻害する化合物またはその塩。

14. Rap1とp30との相互作用及び/または結合を阻害する請求項13に記載の化合物またはその塩。

15. 請求項13に記載の化合物またはその塩を含有してなる医薬組成物。

16. 請求項14に記載の化合物またはその塩を含有してなる医薬組成物。

17. 治療または予防の対象が、

(a) 炎症疾患

(b) 免疫疾患

(c) 臓器移植時の拒絶反応、及び

(d) 癌

からなる群から選択されるものである請求項15または16に記載の医薬組成物。

18. 配列番号:4で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドを認識するモノクローナル抗体。

19. 請求項18に記載のモノクローナル抗体を用いることを特徴とする診断方法。

20. 請求項18に記載のモノクローナル抗体を含有する診断用キット。

21. 配列番号:4で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドに対して細胞内で優性抑制型に機能するポリペプチドまたはその塩。

22. 請求項21に記載のポリペプチドまたはその塩を含有する、

(a) 炎症疾患

(b) 免疫疾患

(c) 臓器移植時の拒絶反応、及び

(d) 癌

からなる群から選択されるものを治療または予防するための組成物。

23. 請求項21に記載のポリペプチドをコードするポリヌクレオチド。

24. 請求項23に記載のポリヌクレオチドを含有する、

(a) 炎症疾患

(b) 免疫疾患

(c) 臓器移植時の拒絶反応、及び

(d) 癌

からなる群から選ばれたのものを治療または予防するための組成物。

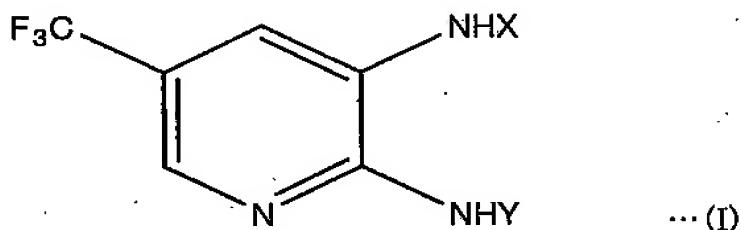
25. 配列番号:10 で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドの発現が調節されたトランスジェニック動物。

26. 配列番号:10 で表されるアミノ酸配列と同一もしくは実質的に同一のアミノ酸配列を含有するポリペプチドの発現が過剰となる請求項25に記載のトラ

ンスジェニック動物。

27. トランスジェニック動物がマウスである請求項25または26に記載のトランスジェニック動物。

28. 式(I)



[式中、Xが $-CW^1R^1$ 基又は $-C(=W^1)W^2R^2$ 基であり、 $R^1$ がアルキル基、ハロアルキル基、アルコキシカルボニルアルキル基、アルケニル基、ハロアルケニル基、チエニル基で置換されたアルケニル基、シクロアルキル基、ハロゲン原子で置換されたシクロアルキル基、フェニル基、ハロゲン原子で置換されたフェニル基、アルキル基若しくはハロアルキル基で置換されたフェニル基、アルコキシ基若しくはハロアルコキシ基で置換されたフェニル基、テトラヒドロナフチル基、インダニル基、フラニル基又はチエニル基であり、 $R^2$ がアルキル基又はハロアルキル基であり、 $W^1$ 及び $W^2$ はそれぞれ独立して、酸素原子又は硫黄原子であり、Yが $-SO_2R^9$ 基であり、 $R^9$ がアルキル基、ハロアルキル基、フェニル基、ハロゲン原子で置換されたフェニル基、アルキル基若しくはハロアルキル基で置換されたフェニル基又はアルコキシ基若しくはハロアルコキシ基で置換されたフェニル基である]で表される化合物又はその塩を有効成分とすることを特徴とするRap1とp30の結合阻害剤。

29. 請求項28において、Xがアルコキシカルボニルアルキルカルボニル基、アルケニルカルボニル基、チエニル基で置換されたアルケニルカルボニル基、シクロアルキルカルボニル基、インダニルカルボニル基、フランカルボニル基、チオフェンカルボニル基、テトラヒドロナフチルカルボニル基又はハロゲン原子若しくはハロアルキル基で置換されてもよいベンゾイル基であり、Yがアルキル

スルホニル基であることを特徴とする請求項28に記載のRap1とp30との結合阻害剤。

30. 請求項28において、Xがシクロアルキルカルボニル基、フランカルボニル基又はハロゲンで置換されてもよいベンゾイル基であり、Yがアルキルスルホニル基であることを特徴とする請求項28に記載のRap1とp30との結合阻害剤。

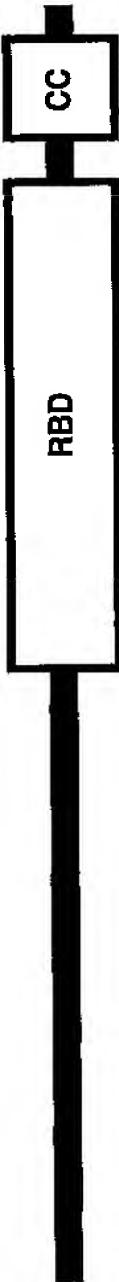
31. 請求項28において化合物が、N-（2-エチルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル）シクロヘキサンカルボキサミド、N-（2-メチルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル）-4-フルオロベンズアミド、N-（2-イソプロピルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル）-3-フルオロベンズアミド、N-（2-メチルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル）-2-フランカルボキサミド又はN-（2-イソプロピルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル）シクロペンタンカルボキサミドからなる群から選ばれたものであることを特徴とする請求項28に記載のRap1とp30との結合阻害剤。

32. N-（2-エチルスルホニルアミノ-5-トリフルオロメチル-3-ピリジル）シクロヘキサンカルボキサミドまたはその塩が有効成分であることを特徴とするRap1とp30との結合阻害剤。

日本国特許庁 11.12.03

1 / 7

## Identification of Rap1-binding protein, p30



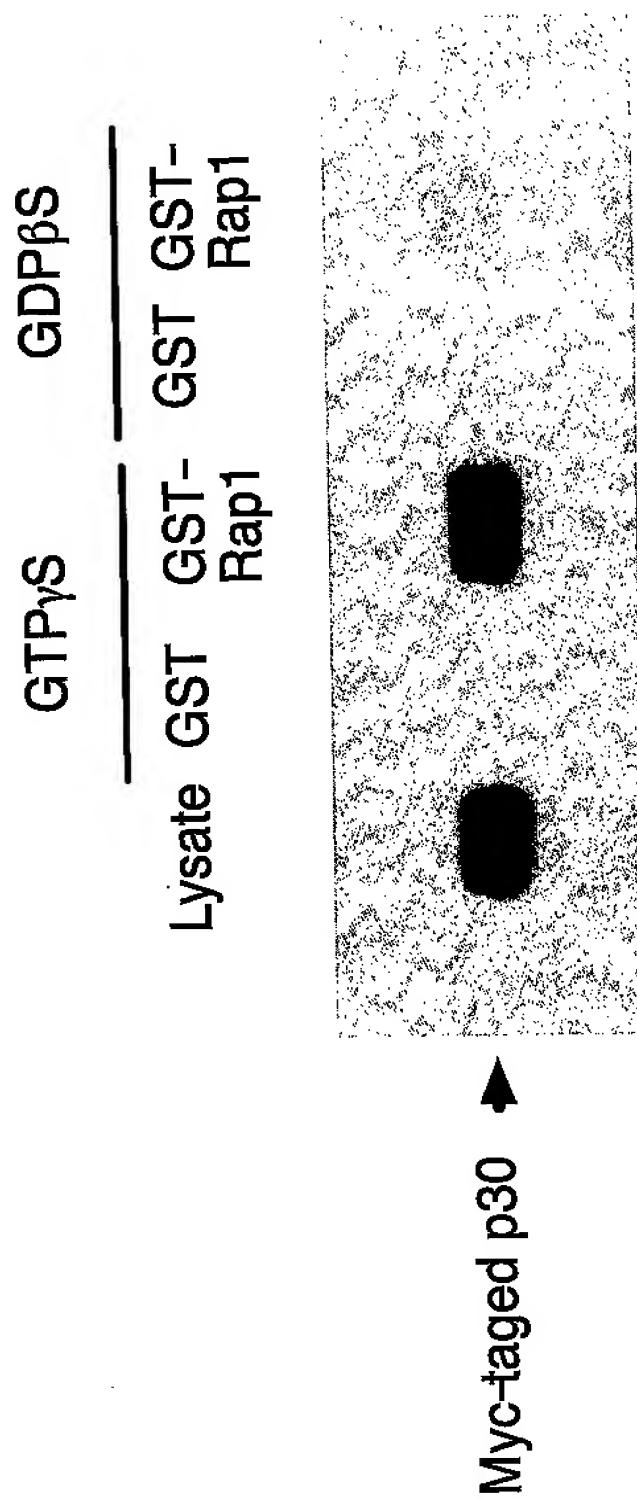
p30 Nor e - 1	1	MASPAI GQRPYPLLLDPPEPPRYLQSLGGTEPQQPARPRRCIPTALI PAAGASEDRGGRRS
p30 Nor e - 1	61	GRRDPBPPTPRDCRHARPVRPGLQPRRLIRPGSHRP RDVRSI FEQQPQDPRVLAERGEGHRF
p30 Nor e - 1	121	MTVDSSMSSGYCSLDDBLEDCCFTAKTTFFRN VELALRGGGPGWCDCCGREVLRQALRCANCKFTCHSECRSLLIQLDCRQKGGPALDRRSPGS
p30 Nor e - 1	33	AQS KHL SKNYCKPVBEQTQRPPPTLQEIKQKIDSYNTREKNCLGMKLS EDGT YTGFI KVHLK TLTPTLLNQNVCKAEBTQHHPPTI QEIKQKIDSYNSREKHCLGMKLS EDGT YTGFI KVHLK
p30 Nor e - 1	181	LRRPPTVPAQI RPQSI YDAIKEVNLAAATTDKRTSFYLPILDAIKQLHISSTTVSEVIQGL LRRPPTVPGSGPSPSMDAIKEVNPAATTDKRTSFYLPILDAIKQLHISSTTVSEVIQGL
p30 Nor e - 1	93	LKKFMMVVDNPQKPFALKRIHKDGQVLFQKLSIADRPYLRLLAGPDTEVLSFVLKENETG LKKFMMVVDNPQKPFALKRIHKDGQVLFQKLSIADYPLYLRLLAGPDTDVL S FVLKENETG
p30 Nor e - 1	241	EVEWDAFSIPBLQNFLTILBKEEQDKIQQVQKKYDKFRQKLEEALRESQGKPG EVEWDAFSIPBLQNFLTILBKEEQDKIHQLKQKYNKFRQKLEEALRESQGKPG
p30 Nor e - 1	153	
p30 Nor e - 1	301	
p30 Nor e - 1	213	
p30 Nor e - 1	361	

附 錄 用 漢 (規則26)

1/1/7

図2

Association of p30 with Rap1 in GTP-dependent manner



日本国特許庁 11.12.03

2/7

図3

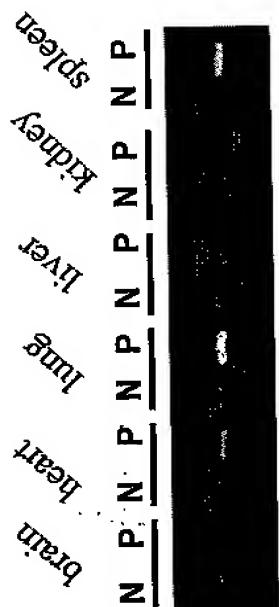
Expression of p30 in various mouse tissues and cell lines

図3A

RT-PCR

p30 (P)

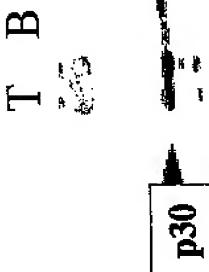
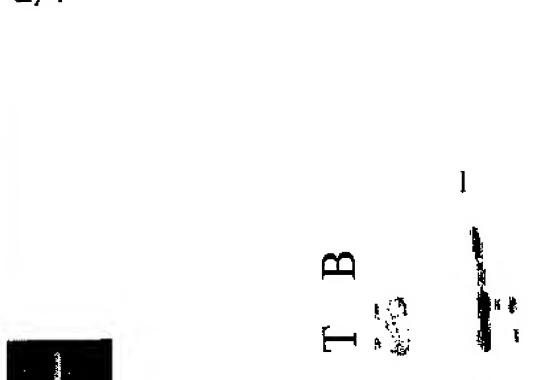
Note1(N)



差替え用紙(規則26)

G3PDH

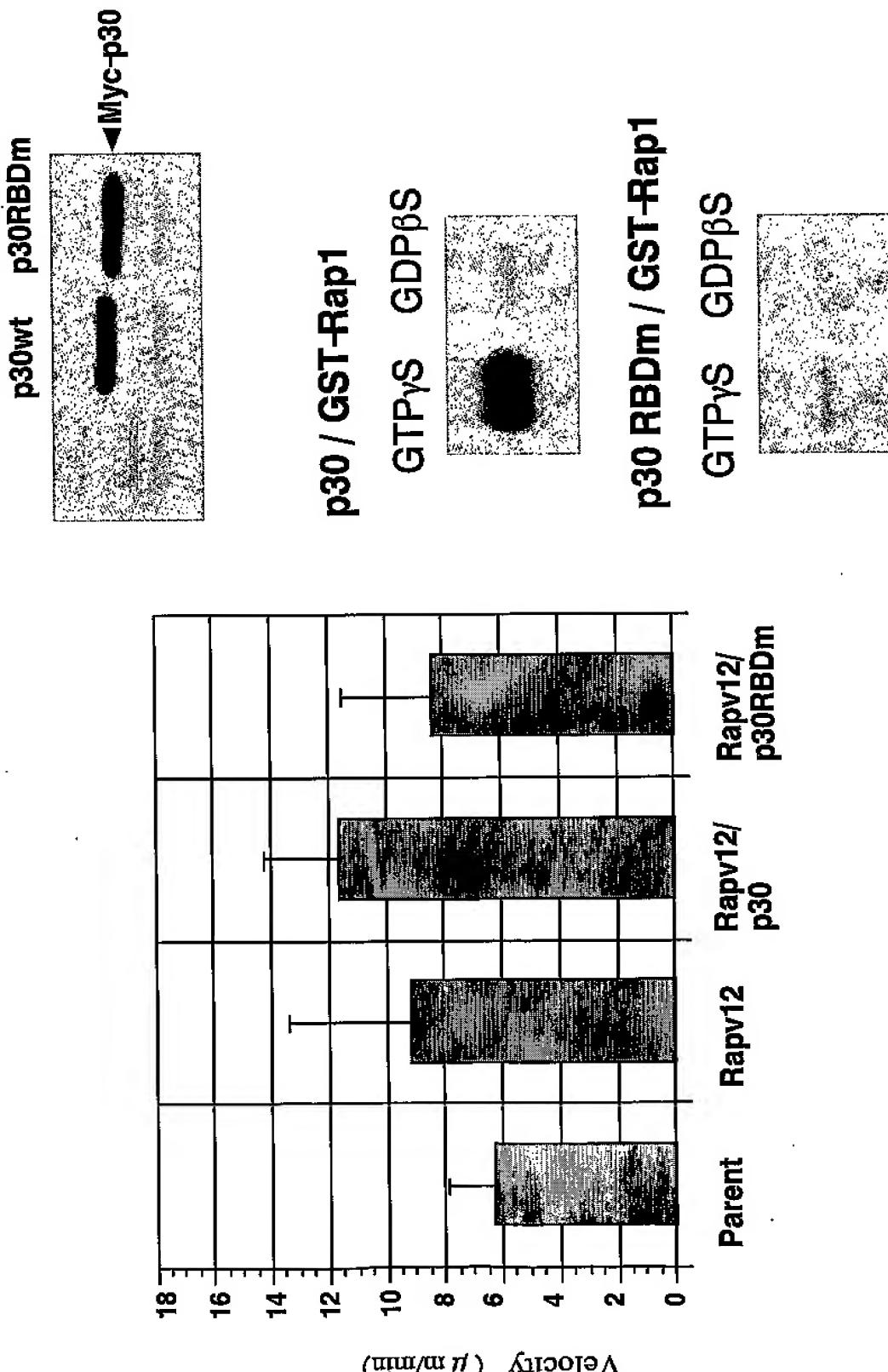
図3B

Western blot  
30 kd -

日本国特許庁 11.12.03

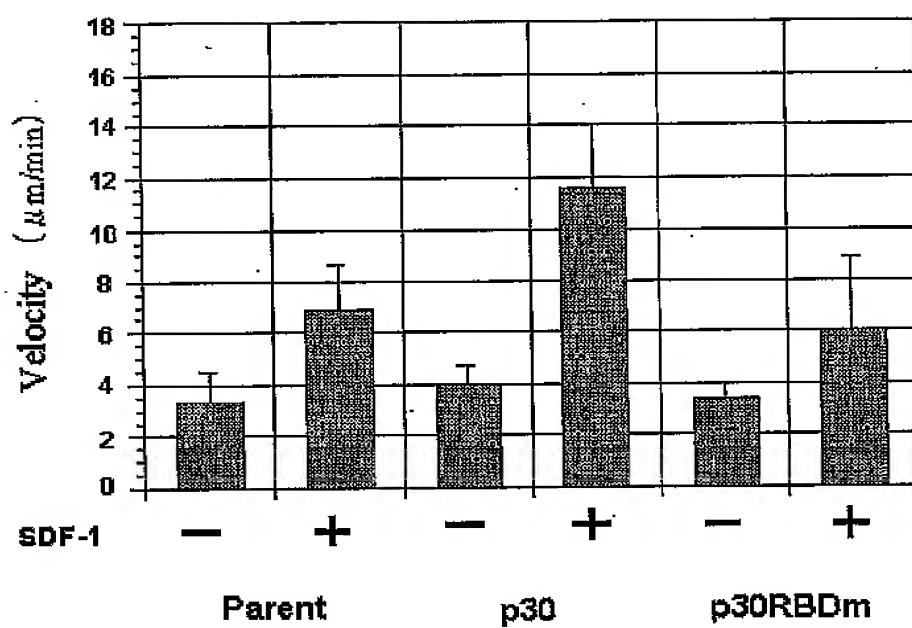
3 / 7

図4  
p30 mediates Rap1-dependent migration



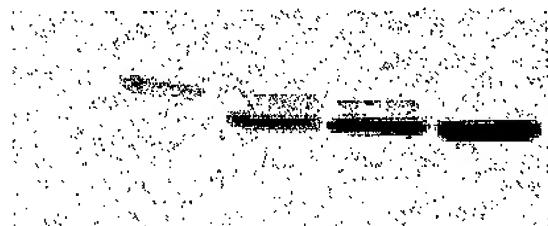
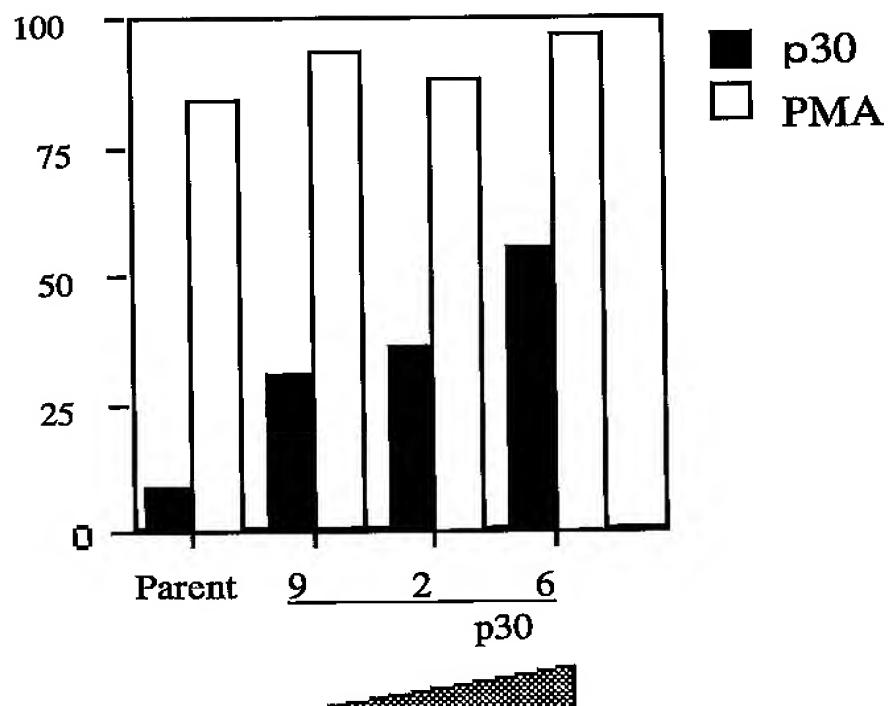
4/7

図 5

**Overexpression of p30 enhances SDF-1-induced migration**

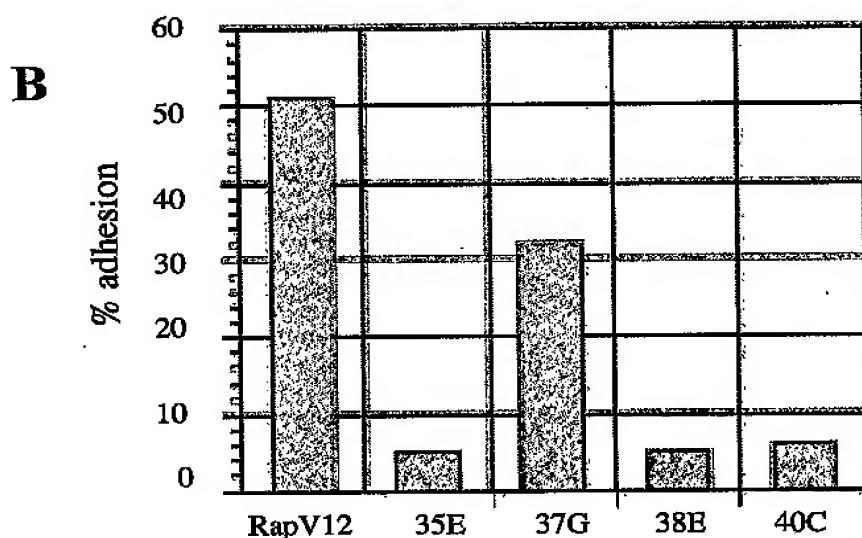
5 / 7

## 図 6

**A**

5 / 1 / 7

図6

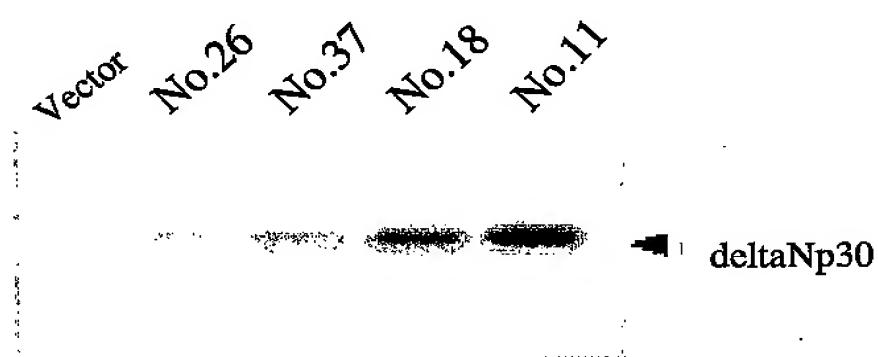
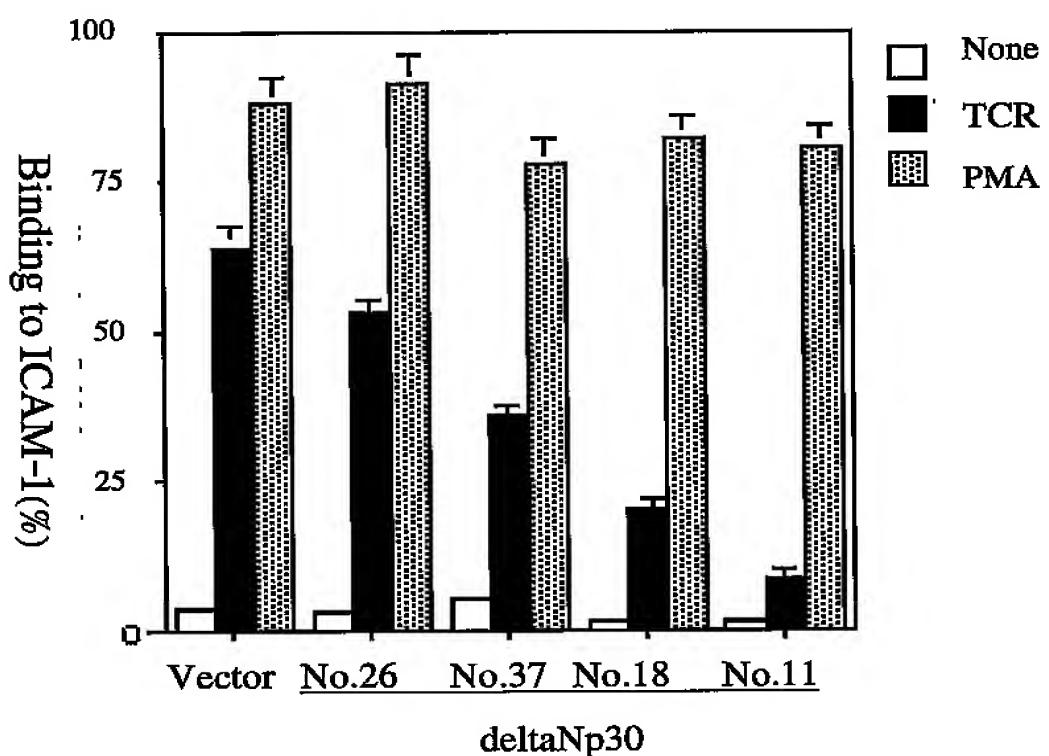


日本国特許庁 11.12.03

5/2/7

図 6

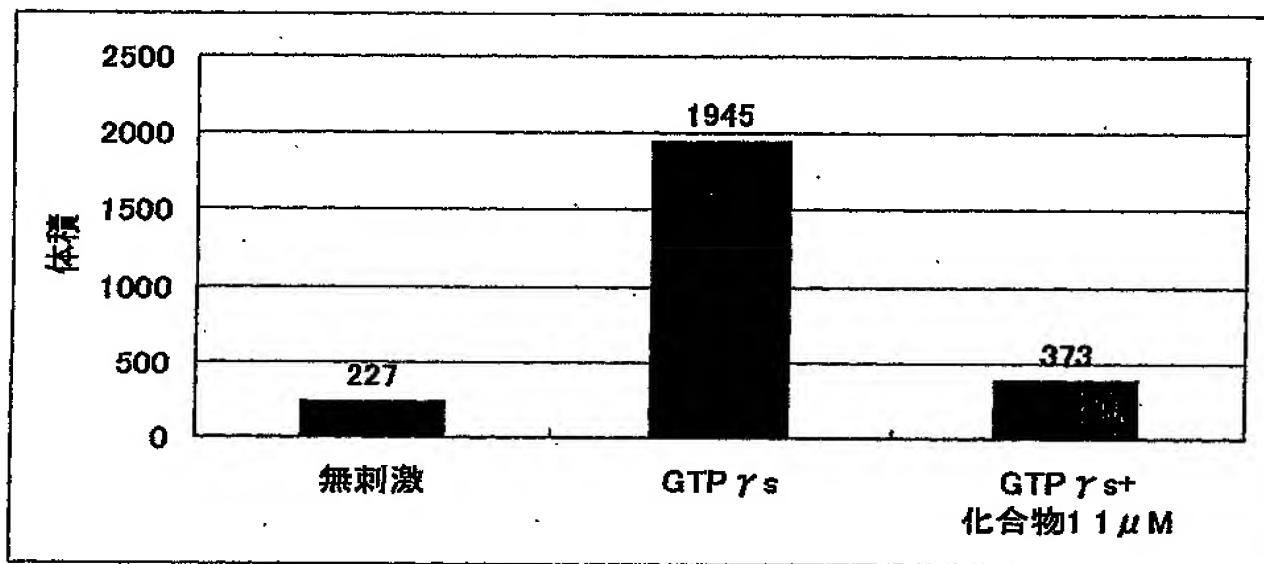
C



日本国特許庁 11.12.03

5/3/7

図 7



6 / 7

## Microtubule development by p30

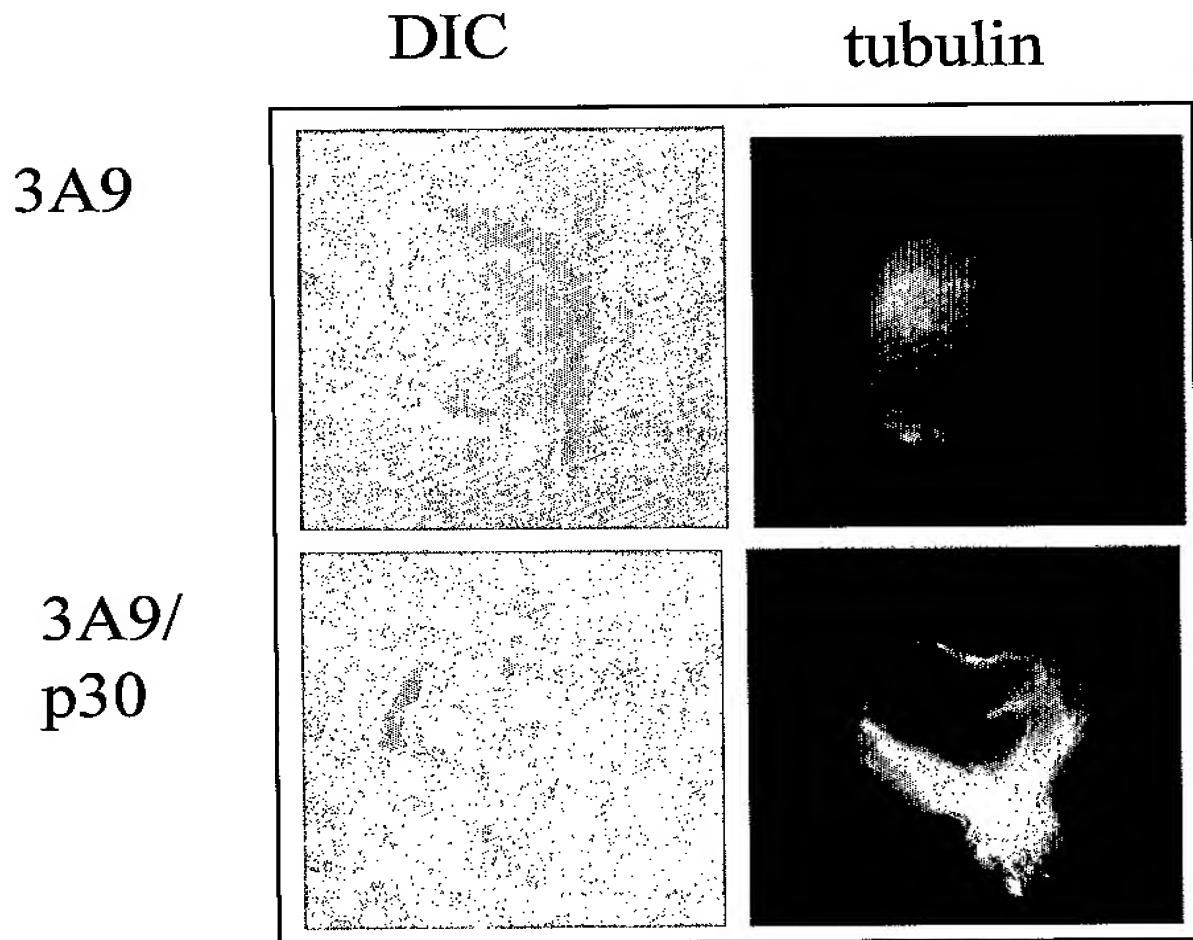


図 8

7/7

## Accumulation of LFA-1 and p30 at T-APC contact site

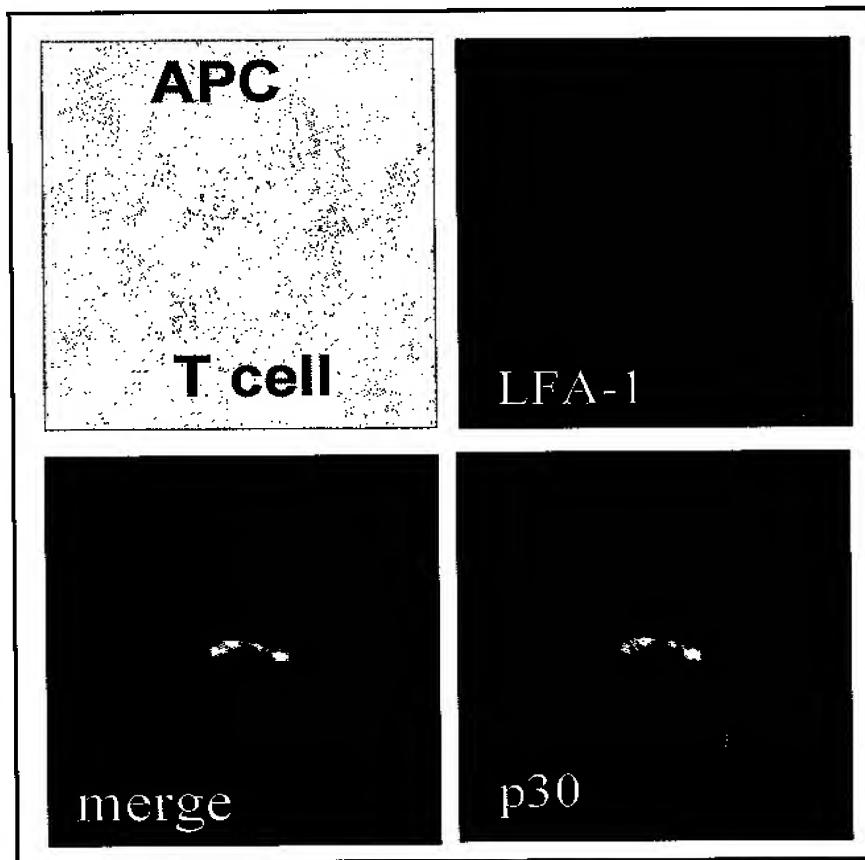


図 9

## SEQUENCE LISTING

<110> Ishihara Sangyo Kaisha, Ltd.  
<120> Regulation of RAPL-Rap1 Interaction  
<130> IS-08PCT  
<150> JP 2002-316892  
<151> 2002-10-30  
<160> 14  
<170> PatentIn version 3.1  
<210> 1  
<211> 555  
<212> DNA  
<213> Homo sapiens  
<220>  
<221> CDS  
<222> (1)..(555)  
<223> Human Rap1

<400>	1		48
atg cgt gag tac aag cta gtg gtc ctt ggt tca gga ggc gtt ggg aag			
Met Arg Glu Tyr Lys Leu Val Val Leu Gly Ser Gly Gly Val Gly Lys			
1 5 10 15			
tct gct ctg aca gtt cag ttt gtt cag gga att ttt gtt gaa aaa tat			96
Ser Ala Leu Thr Val Gln Phe Val Gln Gly Ile Phe Val Glu Lys Tyr			
20 25 30			
gac cca acg ata gaa gat tcc tac aga aag caa gtt gaa gtc gat tgc			144
Asp Pro Thr Ile Glu Asp Ser Tyr Arg Lys Gln Val Glu Val Asp Cys			
35 40 45			
caa cag tgt atg ctc gaa atc ctg gat act gca ggg aca gag caa ttt			192
Gln Gln Cys Met Leu Glu Ile Leu Asp Thr Ala Gly Thr Glu Gln Phe			
50 55 60			
aca gca atg agg gat ttg tat atg aag aac ggc caa ggt ttt gca cta			240
Thr Ala Met Arg Asp Leu Tyr Met Lys Asn Gly Gln Gly Phe Ala Leu			
65 70 75 80			
gta tat tct att aca gct cag tcc acg ttt aac gac tta cag gac ctg			288
Val Tyr Ser Ile Thr Ala Gln Ser Thr Phe Asn Asp Leu Gln Asp Leu			
85 90 95			
agg gaa cag att tta cgg gtt aag gac acg gaa gat gtt cca atg att			336
Arg Glu Gln Ile Leu Arg Val Lys Asp Thr Glu Asp Val Pro Met Ile			
100 105 110			
ttg gtt ggc aat aaa tgt gac ctg gaa gat gag cga gta gtt ggc aaa			384
Leu Val Gly Asn Lys Cys Asp Leu Glu Asp Glu Arg Val Val Gly Lys			

115	120	125	
gag cag ggc cag aat tta gca aga cag tgg tgt aac ttt gcc ttt tta			432
Glu Gln Gly Gln Asn Leu Ala Arg Gln Trp Cys Asn Cys Ala Phe Leu			
130	135	140	
gaa tct tct gca aag tca aag atc aat gtt aat gag ata ttt tat gac			480
Glu Ser Ser Ala Lys Ser Lys Ile Asn Val Asn Glu Ile Phe Tyr Asp			
145	150	155	160
ctg gtc aga cag ata aat agg aaa aca cca gtg gaa aag aag aag cct			528
Leu Val Arg Gln Ile Asn Arg Lys Thr Pro Val Glu Lys Lys Pro			
165	170	175	
aaa aag aaa tca tgt ctg ctg ctc tag			555
Lys Lys Lys Ser Cys Leu Leu Leu			
180			
<210> 2			
<211> 184			
<212> PRT			
<213> Homo sapiens			
<400> 2			
Met Arg Glu Tyr Lys Leu Val Val Leu Gly Ser Gly Gly Val Gly Lys			
1	5	10	15
Ser Ala Leu Thr Val Gln Phe Val Gln Gly Ile Phe Val Glu Lys Tyr			
20	25	30	
Asp Pro Thr Ile Glu Asp Ser Tyr Arg Lys Gln Val Glu Val Asp Cys			
35	40	45	
Gln Gln Cys Met Leu Glu Ile Leu Asp Thr Ala Gly Thr Glu Gln Phe			
50	55	60	
Thr Ala Met Arg Asp Leu Tyr Met Lys Asn Gly Gln Gly Phe Ala Leu			
65	70	75	80
Val Tyr Ser Ile Thr Ala Gln Ser Thr Phe Asn Asp Leu Gln Asp Leu			
85	90	95	
Arg Glu Gln Ile Leu Arg Val Lys Asp Thr Glu Asp Val Pro Met Ile			
100	105	110	
Leu Val Gly Asn Lys Cys Asp Leu Glu Asp Glu Arg Val Val Gly Lys			
115	120	125	

Glu Gln Gly Gln Asn Leu Ala Arg Gln Trp Cys Asn Cys Ala Phe Leu  
 130 135 140

Glu Ser Ser Ala Lys Ser Lys Ile Asn Val Asn Glu Ile Phe Tyr Asp  
 145 150 155 160

Leu Val Arg Gln Ile Asn Arg Lys Thr Pro Val Glu Lys Lys Pro  
 165 170 175

Lys Lys Lys Ser Cys Leu Leu  
 180

<210> 3

<211> 798

<212> DNA

<213> Homo sapiens

<220>

<221> CDS

<222> (1)..(798)

<223> Human RAPL (or Human p30)

<400> 3		48
atg acc gtg gac agc agc atg agc agt ggg tac tgc agc ctg gac gag		
Met Thr Val Asp Ser Ser Met Ser Ser Gly Tyr Cys Ser Leu Asp Glu		
1 5 10 15		
gaa ctg gaa gac tgc ttc act gct aag act acc ttt ttc aga aat		96
Glu Leu Glu Asp Cys Phe Phe Thr Ala Lys Thr Thr Phe Phe Arg Asn		
20 25 30		
gcg cag agc aaa cat ctt tca aag aat gtc tgt aaa cct gtg gag gaa		144
Ala Gln Ser Lys His Leu Ser Lys Asn Val Cys Lys Pro Val Glu Glu		
35 40 45		
aca cag cgc ccc aca ctg cag gag atc aag cag aag atc gac agc		192
Thr Gln Arg Pro Pro Thr Leu Gln Glu Ile Lys Gln Lys Ile Asp Ser		
50 55 60		
tac aac acg cga gag aag aac tgc ctg ggc atg aaa ctg agt gaa gac		240
Tyr Asn Thr Arg Glu Lys Asn Cys Leu Gly Met Lys Leu Ser Glu Asp		
65 70 75 80		
ggc acc tac acg ggt ttc atc aaa gtg cat ctg aaa ctc cgg cgg cct		288
Gly Thr Tyr Thr Gly Phe Ile Lys Val His Leu Lys Leu Arg Arg Pro		
85 90 95		
gtg acg gtg cct gct ggg atc cgg ccc cag tcc atc tat gat gcc atc		336
Val Thr Val Pro Ala Gly Ile Arg Pro Gln Ser Ile Tyr Asp Ala Ile		
100 105 110		
aag gag gtg aac ctg gcg gct acc acg gac aag cgg aca tcc ttc tac		384
Lys Glu Val Asn Leu Ala Ala Thr Thr Asp Lys Arg Thr Ser Phe Tyr		

115	120	125	
ctg ccc cta gat gcc atc aag cag ctg cac atc agc agc acc acc acc Leu Pro Leu Asp Ala Ile Lys Gln Leu His Ile Ser Ser Thr Thr Thr			432
130	135	140	
gtc agt gag gtc atc cag ggg ctg ctc aag aag ttc atg gtt gtg gac Val Ser Glu Val Ile Gln Gly Leu Leu Lys Lys Phe Met Val Val Asp			480
145	150	155	160
aat ccc cag aag ttt gca ctt ttt aag cgg ata cac aag gac gga caa Asn Pro Gln Lys Phe Ala Leu Phe Lys Arg Ile His Lys Asp Gly Gin			528
165	170	175	
gtg ctc ttc cag aaa ctc tcc att gct gac cgc ccc ctc tac ctg cgc Val Leu Phe Gln Lys Leu Ser Ile Ala Asp Arg Pro Leu Tyr Leu Arg			576
180	185	190	
ctg ctt gct ggg cct gac acg gag gtc ctc agc ttt gtg cta aag gag Leu Leu Ala Gly Pro Asp Thr Glu Val Leu Ser Phe Val Leu Lys Glu			624
195	200	205	
aat gaa act gga gag gta gag tgg gat gcc ttc tcc atc cct gaa ctt Asn Glu Thr Gly Glu Val Glu Trp Asp Ala Phe Ser Ile Pro Glu Leu			672
210	215	220	
cag aac ttc cta aca atc ctg gaa aaa gag gag cag gac aaa atc caa Gln Asn Phe Leu Thr Ile Leu Glu Lys Glu Glu Gln Asp Lys Ile Gln			720
225	230	235	240
caa gtg caa aag aag tat gac aag ttt agg cag aaa ctg gag gag gcc Gln Val Gln Lys Lys Tyr Asp Lys Phe Arg Gln Lys Leu Glu Glu Ala			768
245	250	255	
tta aga gaa tcc cag ggc aaa cct ggg taa Leu Arg Glu Ser Gln Gly Lys Pro Gly			798
260	265		

<210> 4  
 <211> 265  
 <212> PRT  
 <213> Homo sapiens

<400> 4

Met Thr Val Asp Ser Ser Met Ser Ser Gly Tyr Cys Ser Leu Asp Glu  
1 5 10 15

Glu Leu Glu Asp Cys Phe Phe Thr Ala Lys Thr Thr Phe Phe Arg Asn  
20 25 30

Ala Gln Ser Lys His Leu Ser Lys Asn Val Cys Lys Pro Val Glu Glu  
35 40 45

Thr Gln Arg Pro Pro Thr Leu Gln Glu Ile Lys Gln Lys Ile Asp Ser  
50 55 60

Tyr Asn Thr Arg Glu Lys Asn Cys Leu Gly Met Lys Leu Ser Glu Asp  
65 70 75 80

Gly Thr Tyr Thr Gly Phe Ile Lys Val His Leu Lys Leu Arg Arg Pro  
85 90 95

Val Thr Val Pro Ala Gly Ile Arg Pro Gln Ser Ile Tyr Asp Ala Ile  
100 105 110

Lys Glu Val Asn Leu Ala Ala Thr Thr Asp Lys Arg Thr Ser Phe Tyr  
115 120 125

Leu Pro Leu Asp Ala Ile Lys Gln Leu His Ile Ser Ser Thr Thr Thr  
130 135 140

Val Ser Glu Val Ile Gln Gly Leu Leu Lys Lys Phe Met Val Val Asp  
145 150 155 160

Asn Pro Gln Lys Phe Ala Leu Phe Lys Arg Ile His Lys Asp Gly Gln  
165 170 175

Val Leu Phe Gln Lys Leu Ser Ile Ala Asp Arg Pro Leu Tyr Leu Arg  
180 185 190

Leu Leu Ala Gly Pro Asp Thr Glu Val Leu Ser Phe Val Leu Lys Glu  
195 200 205

Asn Glu Thr Gly Glu Val Glu Trp Asp Ala Phe Ser Ile Pro Glu Leu  
210 215 220

Gln Asn Phe Leu Thr Ile Leu Glu Lys Glu Glu Gln Asp Lys Ile Gln  
225 230 235 240

Gln Val Gln Lys Lys Tyr Asp Lys Phe Arg Gln Lys Leu Glu Glu Ala  
245 250 255

Leu Arg Glu Ser Gln Gly Lys Pro Gly  
260 265

<212> DNA  
 <213> Homo sapiens

<220>  
 <221> CDS  
 <222> (1)..(498)  
 <223> Dominant-Negative Human RAPL

<400> 5 gct ggg atc cgg ccc cag tcc atc tat gat gcc atc aag gag gtg aac Ala Gly Ile Arg Pro Gln Ser Ile Tyr Asp Ala Ile Lys Glu Val Asn 1                5                10                15	48
ctg gcg gct acc acg gac aag cgg aca tcc ttc tac ctg ccc cta gat Leu Ala Ala Thr Thr Asp Lys Arg Thr Ser Phe Tyr Leu Pro Leu Asp 20                25                30	96
gcc atc aag cag ctg cac atc agc agc acc acc acc gtc agt gag gtc Ala Ile Lys Gln Leu His Ile Ser Ser Thr Thr Val Ser Glu Val 35                40                45	144
atc cag ggg ctg ctc aag aag ttc atg gtt gtg gac aat ccc cag aag Ile Gln Gly Leu Leu Lys Lys Phe Met Val Val Asp Asn Pro Gln Lys 50                55                60	192
ttt gca ctt ttt aag cgg ata cac aag gac gga caa gtg ctc ttc cag Phe Ala Leu Phe Lys Arg Ile His Lys Asp Gly Gln Val Leu Phe Gln 65                70                75                80	240
aaa ctc tcc att gct gac cgc ccc ctc tac ctg cgc ctg ctt gct ggg Lys Leu Ser Ile Ala Asp Arg Pro Leu Tyr Leu Arg Leu Leu Ala Gly 85                90                95	288
cct gac acg gag gtc ctc agc ttt gtg cta aag gag aat gaa act gga Pro Asp Thr Glu Val Leu Ser Phe Val Leu Lys Glu Asn Glu Thr Gly 100              105              110	336
gag gta gag tgg gat gcc ttc tcc atc cct gaa ctt cag aac ttc cta Glu Val Glu Trp Asp Ala Phe Ser Ile Pro Glu Leu Gln Asn Phe Leu 115              120              125	384
aca atc ctg gaa aaa gag gag cag gac aaa atc caa caa gtg caa aag Thr Ile Leu Glu Lys Glu Glu Gln Asp Lys Ile Gln Gln Val Gln Lys 130              135              140	432
aag tat gac aag ttt agg cag aaa ctg gag gag gcc tta aga gaa tcc Lys Tyr Asp Lys Phe Arg Gln Lys Leu Glu Glu Ala Leu Arg Glu Ser 145              150              155              160	480
cag ggc aaa cct ggg taa Gln Gly Lys Pro Gly 165	498

<210> 6  
 <211> 165  
 <212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 6

Ala Gly Ile Arg Pro Gln Ser Ile Tyr Asp Ala Ile Lys Glu Val Asn  
1 5 10 15

Leu Ala Ala Thr Thr Asp Lys Arg Thr Ser Phe Tyr Leu Pro Leu Asp  
20 25 30

Ala Ile Lys Gln Leu His Ile Ser Ser Thr Thr Thr Val Ser Glu Val  
35 40 45

Ile Gln Gly Leu Leu Lys Lys Phe Met Val Val Asp Asn Pro Gln Lys  
50 55 60

Phe Ala Leu Phe Lys Arg Ile His Lys Asp Gly Gln Val Leu Phe Gln  
65 70 75 80

Lys Leu Ser Ile Ala Asp Arg Pro Leu Tyr Leu Arg Leu Leu Ala Gly  
85 90 95

Pro Asp Thr Glu Val Leu Ser Phe Val Leu Lys Glu Asn Glu Thr Gly  
100 105 110

Glu Val Glu Trp Asp Ala Phe Ser Ile Pro Glu Leu Gln Asn Phe Leu  
115 120 125

Thr Ile Leu Glu Lys Glu Glu Gln Asp Lys Ile Gln Gln Val Gln Lys  
130 135 140

Lys Tyr Asp Lys Phe Arg Gln Lys Leu Glu Glu Ala Leu Arg Glu Ser  
145 150 155 160

Gln Gly Lys Pro Gly  
165

<210> 7

<211> 33

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> Nucleotide Sequence for Myc-tag

<400> 7

atggaacaga aactcatatc ggaggaggat cta

<210> 8  
<211> 11  
<212> PRT  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Peptide Sequence for Myc-tag

<400> 8

Met Glu Gln Lys Leu Ile Ser Glu Glu Asp Leu  
I 5 10

<210> 9  
<211> 798  
<212> DNA  
<213> Mus musculus

<220>  
<221> CDS  
<222> (1)..(798)  
<223> House Mouse RAPL (Region 104 to 901 of mRNA)

<400> 9		
atg acc gtg gac agc agc atg agc agc ggg tac tgc agc ctg gac gag		48
Met Thr Val Asp Ser Ser Met Ser Ser Gly Tyr Cys Ser Leu Asp Glu		
1 5 10 15		
gaa ctg gaa gat tgc ttc ttt acg gct aag acc acc ttc ttc agg aat		96
Glu Leu Glu Asp Cys Phe Phe Thr Ala Lys Thr Thr Phe Phe Arg Asn		
20 25 30		
ctt cag agc aaa cag cct tca aag aat gtc tgt aag gca gtg gag gag		144
Leu Gln Ser Lys Gln Pro Ser Lys Asn Val Cys Lys Ala Val Glu Glu		
35 40 45		
aca cag cac ccg ccc acg ata cag gag atc aag cag aag att gac agc		192
Thr Gln His Pro Pro Thr Ile Gln Glu Ile Lys Gln Lys Ile Asp Ser		
50 55 60		
tat aac agc agg aag cac tgc ctg ggc atg aag ctg agt gaa gat		240
Tyr Asn Ser Arg Glu Lys His Cys Leu Gly Met Lys Leu Ser Glu Asp		
65 70 75 80		
ggc acc tac aca ggt ttc atc aaa gtg cat ttg aag ctc cga cgg cca		288
Gly Thr Tyr Thr Gly Phe Ile Lys Val His Leu Lys Leu Arg Arg Pro		
85 90 95		
gtg acg gtg ccc gct ggg atc cgg ccc cag tcc atc tat gat gcc att		336
Val Thr Val Pro Ala Gly Ile Arg Pro Gln Ser Ile Tyr Asp Ala Ile		
100 105 110		
aag gaa gtg aac cct gca gcc acc aca gac aag cgg act tcc ttc tac		384
Lys Glu Val Asn Pro Ala Ala Thr Thr Asp Lys Arg Thr Ser Phe Tyr		

115	120	125	
ctg cca ctc gat gcc atc aag cag cta cat atc agc agc acc acc acg Leu Pro Leu Asp Ala Ile Lys Gln Leu His Ile Ser Ser Thr Thr Thr			432
130	135	140	
gtt agt gag gtc atc cag ggg ctg ctc aag aag ttc atg gtt gtg gac Val Ser Glu Val Ile Gln Gly Leu Leu Lys Lys Phe Met Val Val Asp			480
145	150	155	160
aac cca cag aag ttt gca ctt ttt aag cgg ata cac aaa gat gga caa Asn Pro Gln Lys Phe Ala Leu Phe Lys Arg Ile His Lys Asp Gly Gln			528
165	170		175
gtg ctc ttc cag aaa ctc tcc att gct gac tat cct ctc tac ctt cgt Val Leu Phe Gln Lys Leu Ser Ile Ala Asp Tyr Pro Leu Tyr Leu Arg			576
180	185	190	
ctg ctc gct ggg cct gac acc gat gtt ctc agc ttt gtg cta aag gag Leu Leu Ala Gly Pro Asp Thr Asp Val Leu Ser Phe Val Leu Lys Glu			624
195	200	205	
aat gaa act gga gag gtg gag tgg gat gcc ttt tcc att cct gaa ctc Asn Glu Thr Gly Glu Val Glu Trp Asp Ala Phe Ser Ile Pro Glu Leu			672
210	215	220	
cag aac ttt tta act atc ctg gaa aaa gag gag cag gac aag atc cat Gln Asn Phe Leu Thr Ile Leu Glu Lys Glu Gln Asp Lys Ile His			720
225	230	235	240
caa ctg caa aag aag tac aac aaa ttc cgt cag aaa ctg gaa gag gca Gln Leu Gln Lys Lys Tyr Asn Lys Phe Arg Gln Lys Leu Glu Glu Ala			768
245	250	255	
tta cga gag tcc caa ggg aag ccg ggg taa Leu Arg Glu Ser Gln Gly Lys Pro Gly			798
260	265		

<210> 10  
 <211> 265  
 <212> PRT  
 <213> Mus musculus

<400> 10

Met Thr Val Asp Ser Ser Met Ser Ser Gly Tyr Cys Ser Leu Asp Glu  
 1 5 10 15

Glu Leu Glu Asp Cys Phe Phe Thr Ala Lys Thr Thr Phe Phe Arg Asn  
 20 25 30

Leu Gln Ser Lys Gln Pro Ser Lys Asn Val Cys Lys Ala Val Glu Glu  
 35 40 45

Thr Gln His Pro Pro Thr Ile Gln Glu Ile Lys Gln Lys Ile Asp Ser  
50 55 60

Tyr Asn Ser Arg Glu Lys His Cys Leu Gly Met Lys Leu Ser Glu Asp  
65 70 75 80

Gly Thr Tyr Thr Gly Phe Ile Lys Val His Leu Lys Leu Arg Arg Pro  
85 90 95

Val Thr Val Pro Ala Gly Ile Arg Pro Gln Ser Ile Tyr Asp Ala Ile  
100 105 110

Lys Glu Val Asn Pro Ala Ala Thr Thr Asp Lys Arg Thr Ser Phe Tyr  
115 120 125

Leu Pro Leu Asp Ala Ile Lys Gln Leu His Ile Ser Ser Thr Thr Thr  
130 135 140

Val Ser Glu Val Ile Gln Gly Leu Leu Lys Lys Phe Met Val Val Asp  
145 150 155 160

Asn Pro Gln Lys Phe Ala Leu Phe Lys Arg Ile His Lys Asp Gly Gln  
165 170 175

Val Leu Phe Gln Lys Leu Ser Ile Ala Asp Tyr Pro Leu Tyr Leu Arg  
180 185 190

Leu Leu Ala Gly Pro Asp Thr Asp Val Leu Ser Phe Val Leu Lys Glu  
195 200 205

Asn Glu Thr Gly Glu Val Glu Trp Asp Ala Phe Ser Ile Pro Glu Leu  
210 215 220

Gln Asn Phe Leu Thr Ile Leu Glu Lys Glu Glu Gln Asp Lys Ile His  
225 230 235 240

Gln Leu Gin Lys Lys Tyr Asn Lys Phe Arg Gln Lys Leu Glu Glu Ala  
245 250 255

Leu Arg Glu Ser Gln Gly Lys Pro Gly  
260 265

<210> 11  
<211> 30

<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Oligonucleotide to act as a primer for PCR

<400> 11  
atgaccgtgg acagcagcat gagcagcgaaa 30

<210> 12  
<211> 30  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Oligonucleotide to act as a primer for PCR

<400> 12  
tattttgtgag ccagggcatt ggccacacca 30

<210> 13  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Oligonucleotide to act as a primer for PCR

<400> 13  
atcaattacg gggtcatttag 20

<210> 14  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> Artificial Sequence

<220>  
<223> Oligonucleotide to act as a primer for PCR

<400> 14  
tgtactgccaa agtaggaaag 20

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.  
PCT/JP03/13937

## A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER

Int.Cl<sup>7</sup> G01N33/50, 33/15, 33/566, A61K67/027, 31/44, 45/00,  
38/17, 48/00, A61P29/00, 35/00, 37/02, 37/06, C07K16/18,  
C12N15/00

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

## B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)

Int.Cl<sup>7</sup> G01N33/50, 33/15, 33/566, A61K67/027, 31/44, 45/00,  
38/17, 48/00, A61P29/00, 35/00, 37/02, 37/06, C07K16/18,  
C12N15/00

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Jitsuyo Shinan Koho	1922-1996	Toroku Jitsuyo Shinan Koho	1994-2003
Kokai Jitsuyo Shinan Koho	1971-2003	Jitsuyo Shinan Toroku Koho	1996-2003

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)  
CA, BIOSIS, SwissProt/PIR/GeneSeq, GenBank/EMBL/DDBJ (GENETYX)

## C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	JP 02-084181 A (The Institute of Physical and Chemical Research), 26 March, 1990 (26.03.90), (Family: none)	1-12
A	JP 02-231500 A (Mitsubishi Kasei Corp.), 13 September, 1990 (13.09.90), & EP 346187 A & US 5378810 A & DE 68911599 A	1-12
A X	JP 2002-530077 A (Incyte Pharmaceuticals, Inc.), 17 September, 2002 (17.09.02), SEQ ID NO: 8, SEQ ID NO: 16; Par. Nos. [0074] to [0076] & WO 00/29574 A & EP 1131425 A	1-12 18-20,25-27

Further documents are listed in the continuation of Box C.

See patent family annex.

\* Special categories of cited documents:

"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance

"B" earlier document but published on or after the international filing date

"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)

"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means

"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed

"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention

"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone

"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art

"Z" document member of the same patent family

Date of the actual completion of the international search  
09 January, 2004 (09.01.04)

Date of mailing of the international search report  
27 January, 2004 (27.01.04)

Name and mailing address of the ISA/  
Japanese Patent Office

Authorized officer

Faxsimile No.

Telephone No.

## INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.  
PCT/JP03/13937

## C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	JP 6-135934 A (ISHIHARA SANGYO KAISHA LTD.), 17 May, 1994 (17.05.94), Par. No. [0115] (Family: none)	28-32
X	WO 98/37887 A1 (ISHIHARA SANGYO KAISHA LTD.), 03 September, 1998 (03.09.98), Claims & JP 10-298076 A & ZA 9801430 A & TW 415843 B & AU 9861163 A & EP 971711 A1 & CN 1111407 B & US 6197796 B1	28-32
X	EP 465913 A2 (ISHIHARA SANGYO KAISHA LTD.), 15 January, 1992 (15.01.92), Page 51, lines 24 to 39 & JP 5-170742 A & CA 2045857 A & ZA 9105023 A & US 5229403 A & CN 1058396 A & AU 9179497 A & IL 98762 A & JP 6-247934 A & JP 6-263735 A & JP 10-152473 A2 & US 5260320 A & US 5348967 A & US 5492908 A	28-32
X	WO 01/056570 A1 (ISHIHARA SANGYO KAISHA LTD.), 09 August, 2001 (09.08.01), Page 8, 5th line from the bottom to 2nd line from the bottom & JP 2001-288088 A & AU 2001030528 A & EP 1252889 A1 & US 2003/109551 A1	28-32
X	WO 01/056568 A1 (ISHIHARA SANGYO KAISHA LTD.), 09 August, 2001 (09.08.01), Page 10, 3rd line from the bottom to page 11, line 6 & JP 2001-288087 A & AU 2001028861 A5 & EP 1252890 A1 & US 2003/027843 A1	28-32

**INTERNATIONAL SEARCH REPORT**International application No.  
PCT/JP03/13937**Box I Observations where certain claims were found unsearchable (Continuation of item 2 of first sheet)**

This international search report has not been established in respect of certain claims under Article 17(2)(a) for the following reasons:

1.  Claims Nos.:  
because they relate to subject matter not required to be searched by this Authority, namely:
  
2.  Claims Nos.: 13-17, 21-24, 28-31  
because they relate to parts of the international application that do not comply with the prescribed requirements to such an extent that no meaningful international search can be carried out, specifically:  
(See extra sheet.)
  
3.  Claims Nos.:  
because they are dependent claims and are not drafted in accordance with the second and third sentences of Rule 6.4(a).

**Box II Observations where unity of invention is lacking (Continuation of item 3 of first sheet)**

This International Searching Authority found multiple inventions in this international application, as follows:

The inventions according to claims 1 to 12 relate to a screening method focusing on the interaction between human Rap1 and human p30 (RAPL).

The inventions according to claims 18 to 20 relate to a monoclonal antibody binding to human p30 (RAPL).

The inventions according to claims 25 to 27 relate to a transgenic animal with regulated mouse RAPL expression.

The invention according to claim 32 relates to a compound itself (as a substance inhibiting the binding of human Rap1 to human p30 (RAPL)).

Since there is no special technical feature common to them, these inventions do not comply with the requirement of unity of invention.

1.  As all required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers all searchable claims.
  
2.  As all searchable claims could be searched without effort justifying an additional fee, this Authority did not invite payment of any additional fee.
  
3.  As only some of the required additional search fees were timely paid by the applicant, this international search report covers only those claims for which fees were paid, specifically claims Nos.:
  
4.  No required additional search fees were timely paid by the applicant. Consequently, this international search report is restricted to the invention first mentioned in the claims; it is covered by claims Nos.:

Remark on Protest     The additional search fees were accompanied by the applicant's protest.  
                         No protest accompanied the payment of additional search fees.

**INTERNATIONAL SEARCH REPORT**

International application No. PCT/JP03/13937
---

Continuation of Box No.I-2 of continuation of first sheet(1)

The inventions according to claims 13 to 17 relate to a substance obtained as the result of the embodiment of a screening method. However, the extent of the inventions (i.e., what specific substances can be obtained by effecting the screening method) is unknown and thus the inventions do not comply with the prescribed requirement to such an extent that no meaningful international search can be carried out.

The inventions according to claims 21 to 24 relate to a polypeptide, etc. having a dominant regulatory function on a specific polypeptide in cells. However, the extent of the inventions (i.e., what substances has such a dominant regulatory function on the polypeptide in cells) is unknown and thus the inventions do not comply with the prescribed requirement to such an extent that no meaningful international search can be carried out.

The inventions according to claims 28 to 31 relate to a compound inhibiting the binding of Rap1 to p30 (RAPL). However, the extent of the inventions is unknown because of a great number of alternatives and it remains unclear whether or not the compound has the binding inhibitory effect. Thus, the inventions involve the part wherein they do not comply with the prescribed requirement to such an extent that no meaningful international search can be carried out.

Such being the case, no meaningful international search can be made on claims 13 to 17, 21 to 24 and 28 to 31.

## A. 発明の属する分野の分類(国際特許分類(IPC))

Int. C 1' G01N33/50, 33/15, 33/566 A61K67/027, 31/44, 45/00, 38/17, 48/00  
A61P29/00, 35/00, 37/02, 37/06 C07K16/18 C12N15/00

## B. 調査を行った分野

調査を行った最小限資料(国際特許分類(IPC))

Int. C 1' G01N33/50, 33/15, 33/566 A61K67/027, 31/44, 45/00, 38/17, 48/00  
A61P29/00, 35/00, 37/02, 37/06 C07K16/18 C12N15/00

## 最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの

日本国実用新案公報	1922-1996年
日本国公開実用新案公報	1971-2003年
日本国登録実用新案公報	1994-2003年
日本国実用新案登録公報	1996-2003年

## 国際調査で使用した電子データベース(データベースの名称、調査に使用した用語)

CA, BIOSYS, JOIS, SwissProt/PIR/GeneSeq, GenBank/BMBL/DDBJ(GENETYX)

## C. 関連すると認められる文献

引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
A	JP 02-084181 A(理化学研究所) 1990.03.26 (ファミリーなし)	1-12
A	JP 02-231500 A(三菱化成株式会社) 1990.09.13 & EP 346187 A & US 5378810 A & DE 68911599 A	1-12

 C欄の続きにも文献が列挙されている。 パテントファミリーに関する別紙を参照。

## \* 引用文献のカテゴリー

- 「A」特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの
- 「E」国際出願目前の出願または特許であるが、国際出願日以後に公表されたもの
- 「L」優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献(理由を付す)
- 「O」口頭による開示、使用、展示等に言及する文献
- 「P」国際出願目前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願

## の日の後に公表された文献

- 「T」国際出願日又は優先日後に公表された文献であって出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの
- 「X」特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの
- 「Y」特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの
- 「&」同一パテントファミリー文献

国際調査を完了した日 09.01.04	国際調査報告の発送日 27.1.2004
国際調査機関の名称及びあて先 日本国特許庁 (ISA/JP) 郵便番号 100-8915 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号	特許庁審査官(権限のある職員) 加々美一恵 電話番号 03-3581-1101 内線 3251

## C(続き) 関連すると認められる文献

引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
A	JP 2002-530077 A(インサイト・ファーマスティカルズ ・インコーポレイテッド) 2002.09.17	1-12
X	SEQ ID NO:8、SEQ ID NO:16 【0074】～【0076】 & WO 00/29574 A & EP 1131425 A	18-20, 25-27
X	JP 6-135934 A (石原産業株式会社) 1994.05.17 段落番号【0115】 (ファミリーなし)	28-32
X	WO 98/37887 A1 (ISHIHARA SANGYO KAISHA LTD.) 1998.09.03 請求の範囲 & JP 10-298076 A & ZA 9801430 A & TW 415843 B & AU 9861163 A& EP 971711 A1 & CN 1111407 B & US 6197796 B1	28-32
X	EP 465913 A2 (ISHIHARA SANGYO KAISHA LTD.) 1992.01.15 第51頁第24行～第39行 & JP 5-170742 A & CA 2045857 A & ZA 9105023 A & US 5229403 A & CN 1058396 A & AU 9179497 A & IL 98762 A & JP 6-247934 A & JP 6-263735 A & JP 10-152473 A2 & US 5260320 A & US 5348967 A & US 5492908 A	28-32
X	WO 01/056570 A1 (石原産業株式会社) 2001.08.09 第8頁下から第5行～下から第2行 & JP 2001-288088 A & AU 2001030528 A& EP 1252889 A1 & US 2003/109551 A1	28-32
X	W001/056568 A1 (石原産業株式会社) 2001.08.09 第10頁下から第3行～第11頁第6行 & JP 2001-288087 A & AU 2001028861 A5 & EP 1252890 A1 & US 2003/027843 A1	28-32

(別紙)

請求の範囲 13-17 は、スクリーニング方法を実施した結果得られる物質に関する発明であるが、スクリーニング方法を実施した際に具体的にどのような物質が得られるかの外延が不明であり、有意義なサーチが可能な程度の発明の開示がなされていない。

請求の範囲 21-24 は、特定のポリペプチドに対し細胞内で優性抑制型に機能するポリペプチド等に関する発明であるが、どのような物質が当該ポリペプチドに対し細胞内で優性抑制型に機能するかの外延が不明であり、有意義なサーチが可能な程度の発明の開示がなされていない。

請求の範囲 28-31 は、Rap1とp30 (RAPL) の結合阻害を行う化合物に関する発明であるが、多数の選択肢により発明の外延が不明であるし、当該結合阻害作用を有するかが明らかにされておらず、有意義なサーチが可能な程度の発明の開示がなされていない部分を含んでいる。

よって、請求の範囲 13-17, 21-24, 28-31 は、有意義な国際調査ができない。

## 第一欄 請求の範囲の一部の調査ができないときの意見（第1ページの2の続き）

法第8条第3項（PCT17条(2)(a)）の規定により、この国際調査報告は次の理由により請求の範囲の一部について作成しなかった。

1.  請求の範囲 \_\_\_\_\_ は、この国際調査機関が調査をすることを要しない対象に係るものである。  
つまり、

2.  請求の範囲 13-17, 21-24, 28-31 は、有意義な国際調査をすることができる程度まで所定の要件を満たしていない国際出願の部分に係るものである。つまり、

(理由については別紙参照)

3.  請求の範囲 \_\_\_\_\_ は、従属請求の範囲であってPCT規則6.4(a)の第2文及び第3文の規定に従って記載されていない。

## 第二欄 発明の単一性が欠如しているときの意見（第1ページの3の続き）

次に述べるようにこの国際出願に二以上の発明があるとこの国際調査機関は認めた。

請求の範囲1-12は、ヒトRap1とヒトp30(RAPL)の相互作用に着目したスクリーニング方法に関する発明である。

請求の範囲18-20は、ヒトp30(RAPL)に結合するモノクローナル抗体に関する発明である。

請求の範囲25-27は、マウスRAPLの発現が調節されたトランスジェニック動物に関する発明である。

請求の範囲32は、化合物自体(ヒトRap1とヒトp30(RAPL)の結合を阻害する物質として)である。

そしてこれらに共通する特別な技術的特徴は認められず、単一性は満たされていない。

1.  出願人が必要な追加調査手数料をすべて期間内に納付したので、この国際調査報告は、すべての調査可能な請求の範囲について作成した。
2.  追加調査手数料を要求するまでもなく、すべての調査可能な請求の範囲について調査することができたので、追加調査手数料の納付を求めなかった。
3.  出願人が必要な追加調査手数料を一部のみしか期間内に納付しなかったので、この国際調査報告は、手数料の納付のあった次の請求の範囲のみについて作成した。
4.  出願人が必要な追加調査手数料を期間内に納付しなかったので、この国際調査報告は、請求の範囲の最初に記載されている発明に係る次の請求の範囲について作成した。

## 追加調査手数料の異議の申立てに関する注意

- 追加調査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがあつた。
- 追加調査手数料の納付と共に出願人から異議申立てがなかつた。